

■ **Table S5 *Ccnc*^{-/-} DGE Data**Top 50 repressed and induced genes in *Ccnc*^{-/-} MEFs, using DESeq2.

Repressed Genes	Log ₂ FC ^a	FDR ^b	Induced Genes	Log ₂ FC	FDR
<i>Cxcl5</i>	-8.85	1.46E-292	<i>Pitx1</i>	7.90	3.49E-175
<i>Efemp1</i>	-7.89	1.65E-191	<i>Sall1</i>	7.60	1.74E-168
<i>Sox2</i>	-6.92	1.20E-112	<i>Acta2</i>	6.45	1.20E-298
<i>Grem1</i>	-6.89	7.74E-115	<i>Scara3</i>	6.41	4.81E-92
<i>Vldlr</i>	-6.87	7.67E-111	<i>Galm</i>	5.96	2.37E-105
<i>Pcdh17</i>	-6.60	6.38E-130	<i>Sim2</i>	5.80	4.78E-70
<i>Tbx5</i>	-6.53	7.24E-86	<i>Pcolce2</i>	5.80	5.40E-122
<i>Ston2</i>	-6.19	2.10E-122	<i>Ltbr</i>	5.75	2.78E-226
<i>Igfbp4</i>	-5.90	1.67E-96	<i>Hoxb4</i>	5.73	1.68E-75
<i>Penk</i>	-5.82	9.01E-92	<i>Sox11</i>	5.14	1.89E-185
<i>Igfbp3</i>	-5.80	5.10E-148	<i>Mmp2</i>	5.05	1.75E-84
<i>Foxg1</i>	-5.74	2.55E-67	<i>Meox2</i>	4.98	2.38E-46
<i>Sfrp2</i>	-5.66	1.14E-188	<i>Hoxc13</i>	4.92	3.53E-45
<i>Ackr3</i>	-5.24	1.75E-140	<i>Peg12</i>	4.92	1.78E-48
<i>Slc16a2</i>	-5.17	8.83E-260	<i>Hoxb13</i>	4.91	9.55E-48
<i>Acot1</i>	-5.05	7.24E-48	<i>Trim71</i>	4.87	8.26E-83
<i>Pik3r5</i>	-5.00	1.30E-297	<i>Plekha2</i>	4.86	6.54E-45
<i>Slc22a4</i>	-4.73	9.73E-42	<i>Nid2</i>	4.84	1.54E-221
<i>Nfatc4</i>	-4.64	7.78E-95	<i>Boc</i>	4.70	7.25E-52
<i>Arap2</i>	-4.63	1.30E-55	<i>Six2</i>	4.68	6.07E-41
<i>Klf12</i>	-4.62	8.09E-38	<i>Bicc1</i>	4.62	1.31E-229
<i>4930452B06Rik</i>	-4.59	3.51E-37	<i>Trim30a</i>	4.42	2.28E-39
<i>Mab21l1</i>	-4.53	6.94E-52	<i>Myl9</i>	4.39	1.02E-68
<i>S1pr3</i>	-4.53	2.00E-173	<i>Ifnlr1</i>	4.38	1.47E-42
<i>Pappa</i>	-4.43	5.93E-42	<i>Rsad2</i>	4.38	1.73E-45
<i>Zic2</i>	-4.37	2.07E-93	<i>Gpnmb</i>	4.30	1.20E-299
<i>Sp9</i>	-4.20	2.51E-43	<i>Lgals3bp</i>	4.19	6.48E-190
<i>Kcnj2</i>	-4.15	3.25E-192	<i>Flt4</i>	4.18	1.33E-48
<i>Cd34</i>	-4.14	1.35E-29	<i>Slc2a10</i>	4.15	3.68E-29
<i>Nid1</i>	-4.14	1.00E-298	<i>Gsdmd</i>	4.14	1.68E-31
<i>Fgf5</i>	-4.14	6.29E-28	<i>Paqr9</i>	4.05	3.95E-29
<i>Osr1</i>	-4.09	1.30E-296	<i>Cplx2</i>	4.00	1.88E-138
<i>Lonrf3</i>	-4.00	8.01E-28	<i>Fam217b</i>	3.92	8.64E-41
<i>Sema4f</i>	-4.00	3.50E-32	<i>Lifr</i>	3.89	4.71E-130
<i>Zic5</i>	-3.96	1.38E-40	<i>Mrgpre</i>	3.89	1.26E-56
<i>Gnai1</i>	-3.90	2.79E-32	<i>Evx2</i>	3.86	1.35E-36
<i>Enpp2</i>	-3.86	2.95E-49	<i>Armcx4</i>	3.79	4.54E-142
<i>Pcdhgb5</i>	-3.85	1.95E-39	<i>Flrt2</i>	3.78	1.32E-108

^a Log₂FC = Fold change as expressed as log base 2.^b FDR = Adjusted p-value using Benjamini and Hochberg method in DESeq2.

■ **Table S5 Continued *Ccnc*^{-/-} DGE Data**

Top 50 repressed and induced genes in *Ccnc*^{-/-} MEFs, using DESeq2.

Repressed Genes	Log ₂ FC ^a	FDR ^b	Induced Genes	Log ₂ FC	FDR
<i>Fam110c</i>	-3.85	8.29E-24	<i>P4ha3</i>	3.77	6.02E-34
<i>Gm43517</i>	-3.80	2.77E-23	<i>Msx1</i>	3.77	4.40E-65
<i>Tubb3</i>	-3.76	1.30E-55	<i>2310030G06Rik</i>	3.75	3.53E-24
<i>Bmp6</i>	-3.73	1.61E-23	<i>Lmcd1</i>	3.75	4.84E-26
<i>Itgbl1</i>	-3.72	1.63E-35	<i>Selp</i>	3.74	1.12E-22
<i>Fgf7</i>	-3.66	1.12E-40	<i>Asxl2</i>	3.73	5.33E-36
<i>Ar</i>	-3.62	8.35E-22	<i>Sgcd</i>	3.73	5.34E-23
<i>Dlx3</i>	-3.61	3.52E-24	<i>Esr1</i>	3.72	1.04E-24
<i>Slit3</i>	-3.60	2.41E-21	<i>Ulbp1</i>	3.65	2.45E-68
<i>Prelp</i>	-3.55	1.39E-28	<i>Oas1a</i>	3.59	6.96E-26
<i>Zdhhc15</i>	-3.53	9.39E-66	<i>Hoxb7</i>	3.59	1.38E-20
<i>Pkp1</i>	-3.48	2.28E-49	<i>Hoxb7</i>	3.59	1.60E-43

^a Log₂FC = Fold change as expressed as log base 2.

^b FDR = Adjusted p-value using Benjamini and Hochberg method in DESeq2.