

>Btmar1.1|gi|1092444870|gb|MAMS01004624_1|:130789-132365|XM_019054591.1|NW_017551711.1|GeneID:109039198|LOC109039198| Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold26953, whole genome shotgun sequence 1577 bp|intron9=1948pb gene:cytosolic carboxypeptidase 2-like

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTGATAACAGGCGCATCTGCGTCC
GAATGCAATTTTCTGGACTTATCAGAAAGCTGATAATCTACTAAAGAAGACTACGTTCA
CAGATCTAGATTATCTCAATTAGTAATCATTTGGTGACAGGTTGAAGTTGGGTAAGTCAG
TACCGTTTTGCGATTTTCACCATGCGGTTACTTTTAGAGCAACGGTACAACATTAAGTTT
TGTTATAAACTCGGTATTCCTTGTACCGAACTTTTGATATGTTACAGAAAGTTTACGAG
GGCACTTGTATGAGTCGCACTCAGTGTTATGAGTGGTTCAAAGGTTTAAAAGTGGTCAG
GAGTCTGTTGAAGATAACGTTACGGGATTCGTCCTTCAATAGCGACTGACATTTGTCAT
GTGGAGGAGGTGCGGCACAAAGTGCTTGAAAATGGCCGTTTAACAGTTCGTGAACTTTCC
GAAGAGTGTCATATTTCAACTTTTTCCGTTTACATAATTTTAACGGAGCATTTAGACATG
CGTCGAGTCGCAGCAAACTTGTACCGCGTTACTGACAATTGAGCAAAAAACCAATCGA
GTCTCAATTTGCCAGGATCTTCTCAGCCGTTCAATTGAGGACCCAAATTTTGTAACCGA
ATAATTACTGGTGATGAATCGTGGGTTTATGGTTACGACATGGAAACAAAAGCCCAATCA
TCCCAGTGGGTTGAAAAACCAGGCGTGAGACCGAAAAAGGCGCGACAAGTTCGGTCAAAA
ACCAAAGTCATGTAACTGTGTTTTTGACAGTCAGGGTGTTGTCCATAAGGAATTTTAA
CCGGAAGGACAACTGTGAATCGCTATTACTATAACGATGTGTTACGTAGATTACGTGAA
AATGTTCTGATAGATTAAGGCCTGAACTTTGGGCTCAGAATTCGTGGTTTCTGCATCACGAC
AATGCCCCCTGCGCATGCATCGAATCAAATTCGAGAGTTTTGTGAGAAAACAGGCACGAAT
GTCCTACCTCATCCTCCATATTCACCGGACCTGGCACCTGCGGACTTTTTTCTATTCCCA
AACTTAAATCAGTGTTAAAAGGTCGTCGGTTTGATACGGTAGCAGAAATTAAGGAAAAT
TCTCTGAGAGACTTGCGCGCAATCAAACCTGAGGAGTTCCAAAAGAGTTTCAGCAAATTG
CAGCGGCGTTGGCAGAAATGTATCCAAGTCGGAGGTCACCTATTTTGAAGGAGATAGGATC
GAGGTGCCAGAGTTGTAGGTAATTACTTTGTAACAACTACAATCAATATTTTCTTTGTCA
ATTTTGTCTAAAAACAATTTTTGCGCACTCGATGTTATTTTTCTGGAAAAATACAGA
GAAATCGCAAAACGCACCTGACTTACTCAACTTCAACCTGTCACCAAATGATTATTAATT
GAGATAATCTAAATCGGTGAACGTAGTCGTCTCCGTAGATTATCAGCTTTCCAAAAAGT
CCAAGAAAGTTGCATTCGGACGCAGGATGCGCCTGTTATCACCAAATCCGGTTTCTAAT
CTAACAGACCTCGTA

>Btmar1.2|gi|1092453208|gb|MAMS01000900_1|:144985-146791
gi|1092453208|gb|MAMS01000900.1|:144985-146791 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1218,
whole genome shotgun sequence 1807 bp

TATTTTACGTAAACAAAAAATAGGGGGAGTTAGTGCACTGAGAGCACACGCTATCATGCA
GAAAACTTTTGTACCAAAAGATAAACACATTCAAGACTCATGAGCTCTCTTGAATCTT
GAGACAACATTCTGACGAATAAAAGAAGATCATCTCATGGAAGAACTCGAGAAGCAAAT
TTTCTGTATACTTAGCCAAAAAGAAAGATCAGTTCTATCACTACAAACAAAAATAACACA
TTTAAATAGAGGAAATAAAATAGAAAAAGTTATCTGTTTTTGACTTTTTTGTTAATCA
AAATTAAGTGGAACTGTGAGTAGTATCTGGCATGGGAGTTGATTTTTATGTTTAGCATG
AGATAAATCTTGTCTCTCCAGCATTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAATTGTTTAGAGATAC
TTGACCTCAAACCCAGCCCAATGAGACAGTATTGTTCACTATTTTACGAGGTATGATCCA
TTAGAAACCGAACTTTGGCCATTGCGGGCCAACCAATGACCGGATCTGGGTTTTCTGGG
TTTATCTGATTGCTGATAAACTGACAAACACGCTGCTTTTTACAGATTTCATTATCTTA
ACTAGTTCGAATTTTACAGCCGCTTGATTGAGGTGTGTTCAAGTGCGTGTTGCGATTTTG
AGAAATGCGTGAGCTTTTAGAACAACGGTGTAACATTAAATTTTGTCTAAGTTGGGTAA
AACGTTTTCCGAACTTTTGCACTGTTAACGAGAGTTTAAAAGATAAGTGTTTAAGTCG
GACTCAGTGTTACGAATGGTTTAAGAGATTTAAAAACGGTCAGGAATCGGTGGAAGATGA
GGTTCATGAAGTCAAACCCAGGACGTCAACTGACGAGATTCACATGAATCAAGTTCGCGA
AAAAGTGCAAACCGACGACCGTTTAACCATTCGTGAGCTTTCAGAGGAACTGAATATTTT
TTTTGGGTCCGTTGAGAGAATTTCAACCCAAAATTTGAACATGCGTAGAGTTTCTACGAA
GTGAATTCCCAAGTTGTTAATCCAAGCGCTAGAAGAAAAGCGCGTTTTTCATCTGCCAACA
GCTGCTGGACCGCTCAAATGCTGATGCAGATTTTAAAGTAAAATTGTCACCGGTGATGA
AACTTGGGTCTATAGTTATGATGATGAAACCAAGGCCAGTCATCTCAGTAGCTGGAAAA
AGGTGCCCCGAGGCCCAAAAAAGGCCAAAGTCACTCGAAAACAAGTTTTGTTGACAGTTT
TCTTCGATTCGCGCGTTGTCATTCACCATGAATTTTTGCGGAAAAATCAGACCGTAAACC
GTTACTACTACAATGATGTGCTTCGTAGACATTGTGAAAATGTCCGTCGCAAAAGACCGG
AAATGTGATCCGACAATTCGTGGTCTCTCCTTCATGATAATGCCTCAGCCCATTCCGCGT
TGCAAATTCGCAAATTTTGACAAAAACCGGGATGAGCATCCTCCACACCCTCCGTA
CTCCTGATCTTGCTCCAGCAGACTTTTTTCTGTTTCTGAACTTAAAATTCCTCTTAAGG
GACAGAGATTCTCTAAAAGCTCACGCATTTCTCAAAATCACAAAACGCACTTGGACACA

GTACGAGGGCTGTCCCAAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCTTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTC AAAGCTGATAAGCTACTGGACTACTGGAGATGCTT
GTTTTTACAGAATGCAAAAATTCGTCTTG GTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGA
AAGTCAAACCTCTAGTTACAATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTTT
TTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAGGTTTTAAGTTGAAAAACTTCGCTGCTCTCTTA
TTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAATATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTAT
CCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGTCGATGCATATTTGCCATCGTTTCTTCAATTGGG
AGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTGAATGATCGCAATTCTTTTAGGTGTTCTCTT
GAATTTACCGAAAGGAGAAACTGCCAATCGCGAATATAACAATGGTGTTCTGAGACGATT
ACGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGTCCGAGCTTAGGGGAGAGAATTCCTGGTTTCTGCA
TCACGATAATGCCCCTTACCTGCCCATGCATTCTCCAACTCGCGAATTTTGTCAAAT
AATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTGACCTGGTTCCGTGTGATTTT
TTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCCTGAAAGGTGCGACGTTTTCAAACCATTCCGAAA
ATTCAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTCCAACAGTGT
TCCTCCCAATTGTGGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGTCGAGTATTTTGAA
GAAGATAGGTGATGACTTGGTAAGTTGCTTAAAATGTTAATTTCTTATTTTTTAAGCATT
TGAATAAGAGAGCAGCGAAGTTTTTCAACTAAAACCTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTAAAAAAAAAGTTGTATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATTGTAAC TAGAGT
TTGACTTTCCTTTATTCCAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTG
TAAAAACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTA
CAACGCTCGGTTTCGCTTCTATGACAAAAAGTCCGGTTTTCTTT

>Btmar1.4|gi|1092455215|gb|MAMS01000097_1|:10626-11767
gi|1092455215|gb|MAMS01000097.1|:10626-11767 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold325, whole
genome shotgun sequence 1142 bp

TACAAGGGCTGTCCCAAAGAAACCAGACTTTTGTTCATAGGAGGCTGACCGAGCATCATA
AGGTTTTCTTGGGCTTATCTGATAGCTGACAATTCGACAAAAATTGCTATTTTACGGAA
TGTA AAAATTTCGTATTGGTTCGGACACATCATGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAACACA
AGTTTCGAATTCTGCCTTATTTATTTAAAAACAATTTTGTAGATACAACCTTAAGAAAAAAA
TAAGGTTGCTTTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAAGAAATTAACATTTCAAGCAGCTAA
CCGAGTCATACTCCATCCCCTTCAAATACTCTCCAGCTTTGTCGATGCATTTTGGCAC
CGTTTCTTCAAGTGGGGAAAGCGCTGTAAAATTCCTCGGGTTGAATGACTGCAATTAC
TTCAAAGAGTTTTTTGAATTTCTAGAATGGTCTGAAAATGTCGAACCTTCAAGGTAGAT
TTCAGTGGTGGAAATAAGACAAATCACAAGGAGCAAGGTCAAATGAATAAGGGGGAGAGG
GAGGGCACTGGCATTCTTTGCAAAAAATTTGCGAATTTGAAGTAATGCATGGACAGGTGC
ATGATGGTGATACAGAAACCAGGAATTTTTCTCAAAGCCCTGGCCTTTCTGCGGAC
ATTTTGCATAATCATCTCAGAACACCATTGTAATATTTGCAGTTAACAGTTTCTCCTGT
CGGTAAAAATTCAAGCAATTGCGGTCATCCGAACCTGATGAATTTAAACAGTGTTTCTTC
CACTTGAGGAAACGGTGGCAAAAATGCATCCACAAAGCTGGGGAGTATTTGACGGGGAT
GGGTTATGACTCTGTAAGCTGCTTGAGATGTTTAATTCCTTATTTTAAAGCATTGAATT
AGAGAGCAACTTTATTTTTTACTTAAAATCTAAGTTGTACTTATCTAATTTTTTTTTT
TTAAATAAAGACAGAATTCACAACCTTGTGTTTGACTTTCCTTTTTTCCAAGGTAGGTAG
TGTCAAACCAATACGAATTTTACTTTCCATAATAATAGCAATTTTGTGATTTGTCA
GCTATCAGATAAGCCCAAGAAAACCTTACGATGCTCGGTTGGCCTCCTTGACAAAAGTC
CG

>Btmar1.5|gi|1092429459|gb|MAMS01016079_1|:1-654 gi|1092429459|gb|MAMS01016079.1|:1-654
Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold76633, whole genome shotgun sequence 654 bp

GAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTCA
ACCTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGAAGAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAGGTGAAT
AGAGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCGAATTTGGAGGG
ATGCTTGGGCAGGTGCATTATCATGATGCAGAAACCAGGAATTCTCTCTCAAAGCTCGG
GCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGCGTAATCGTCTCAGAACACCATTGTAATATTCTCGGT

TGACAGTTTCACCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGCGGATTTTCAACAGTGTTT
CTCCCGATTGAAGAAATGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAATATTTTGAAGG
GGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTGATTCCTTATTTTAAAGCATTTG
AATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACATAAAACCTGGTTTTTTTTTAAGTTGTATCTAAA
TTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCCAAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAAGC
GTGTAGTTTCCTTACCAAGACCAATGTTTGCTTCTGTAAAAATAAGCATCTTC

>Btmar1.6|gi|1092454277|gb|MAMS01000420_1|:2631387-2632574
gi|1092454277|gb|MAMS01000420.1|:2631387-2632574 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1063,
whole genome shotgun sequence 1188 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAACATTGGTCTTGGTAAGGAACTAAGTACACGCTTGGAATAAAGGAAAGTC
AAACTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACCTTTAAAAAA
ACCCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCAATCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAA
ATCAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCT
TTGTGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCA
GGTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAA
CGTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAGG
TGAATCAGGTGAATAGAGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTC
GCGAATTTGGAGGGATGCTTGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATTCTC
TCTCCAAAGCTCGGGCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGCGTAATCGTCTCAGAACACCATT
GTAATATTCTCGGTTGACGGTTTCACCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGCGGAT
TTTCAACAGTGTTTCTCCCGATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGC
GAATATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTGATTTCTTA
TTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGTAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGTTTTTTTTT
TTAAGTTGTATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCCAAACTCGAGTTTGACTT
TCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACCAATGTTTGCATTCTGTAAAAAC
AAGCATCTTTAGTAGCTTATCAGCTTCAAACAAGCCCAAGAAAACTTCATTACGACGCT
CTGTTTCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTC

>Btmar1.7.1_gi-1092455142-gb-MAMS01000117_1-:185258-186227

gi-1092455142-gb-MAMS01000117.1-:185258-186227 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold382, whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGTTACGTTACACA
AGTTTGAAAAATCATAATTAGCTTCCTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAAG
GTGTTTTGCAATTTTTTTGTTTCACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGCGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTGCACAAAAGT
ATTGACACCGAAAATTATCCTATCCAAAATGTAGGATCACTGTTACAACGTTCAAGTAG
CTAAAGGGAAATGACATGTTGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGT
GTACCTTAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTCA
GAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGAGCACTTTTGCCACATT
TCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTTG
ACGAACTCCTGACCAGTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACAGTAGGAACATCTCATA
CAATGACCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGA
GTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCG
CAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGCTGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTAATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.2_gi-1092428455-gb-MAMS01017083_1-:176949-177917

gi-1092428455-gb-MAMS01017083.1-:176949-177917 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold812, whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTACACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCAAACCTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT

ATTGTCACCTAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGTTTTTCGTTCAAAGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACAGATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATGACTTTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGCTGAGGGTCGATTCCCACGCTCCTCATCTTT
AACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAAACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAGTGTGAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGCTAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAAATCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTAT

>Btmar1.7.3_gi-1092428455-gb-MAMS01017083_1-:160954-161920

gi-1092428455-gb-MAMS01017083.1-:160954-161920 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold812, whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACTGTGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGATTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTTCGTTCA
GATTTGAAAAATCTTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCCTCAAGTACGGCAACCTCATGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGATTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCGCTACA
TTTTTCAATCTATAAGGATGATTGGAGTTTCGTCTCCGCATCTTAACCGTACCTTCAAGT
ATTATACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTATAGGGAAATGAACATTTGGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATCGAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGACGCATGTCTACATATTGTGTCAAATTTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACACTGTTCAAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGACTTTATCCCGCACT
TCTTCCACGTGACAAATGTTAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTCA
ACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAAATAGTGATAACAACATCATA
CTATGATCTTGGTAACTTTACTTGGCATACCAAAGTTTCGGTACAACGTATACCGAGC
TTAAAACAAAATTTAATGTAAATCTTTGCTCTATCCGTGATCGCATGATGAAAATCGCA
AAACACCCATGAGGTTGCCGTA CTGAGGCCACGTACCAACGAAGCTAATTAAGATTTTT
CAACTCTGTGAACGTAGCGTTCTTTAGTATGTTATCAGCTATCAGAAAAGTTCAAGAAAA

CCTAATTCGGACACACAATAAGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGAC
CTCGTAT

--

>Btmar1.7.4_gi-1092455272-gb-MAMS01000090_1-:5812844-5813810
gi-1092455272-gb-MAMS01000090.1-:5812844-5813810 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold300,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCGTAAGTACGCTATTGTGCGTCCAA
ATTTAGTTTTCTTGATCTTTCCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAAGACGTCCACAGAT
TTGAAAAATCTTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTCAAGTACGGCAACCTCATAGGTG
TTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAAATTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCGCTACATTT
TTCAATCCACAAGGATGATTGGAGTTTCGTCTCCGTATCTTAGCCGTACACTCAAGTATT
TTCACCGAAAATTCTCCTATCAAAAAATGTAGGATCATTTTTAGCACGTTCAAGCAGCTA
TAGGGAAATTAACATTTGGTTGGATTTTGTTCACGGACAACAATCAAGGGGCAAGTGTA
CCTGAAACTCGATGCATGTCTACATATTCTATTAATAATTGTATGTACAGAGCCTTCAGAA
ATATTACACTGTTTCAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGACTTTTGCCCGTACTTCTT
CCACGTGACAAATGTTAGTTACCGTTGATGCTCGGTTCCCATGCTCCTCATCTTCAACGA
ACTCCTGACCAGTACAGTTTTGAATTGTTTAACCCACTCAAAATAGTGAGAACAACTCAT
ATCATGATCTTGGTAAACTTTACTTAGCATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTAAACCGAG
CTTAAACAAAAATGTAATGTTAAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATAATGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTCCTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAACATAAA
CAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTTAGTATGTTATCAGCTATCAGAAAAGTCCAAGAAA
TCCTAATTCGGACGTACAGCAAGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTA

>Btmar1.7.5_gi-1092455272-gb-MAMS01000090_1-:7120603-7121570
gi-1092455272-gb-MAMS01000090.1-:7120603-7121570 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold300,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACTGTGCGCTTGA
ATTAGGTTTTCTTGGTCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGATACGTTACA
GATTTGAAAAATCTTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTCAAGTACAGCAACCTCATGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTGTCTCTCTTTTTTCGGCCATGCACTATAT

TTTTCAATCCACAAGGATGATTGGAGTTTCGTATCGTAGCCGTACAGCGTACACTCAAGT
ATTATGACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTATGGAGAAATTAACATTTGGCTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATCAAAGGGCAAG
TGTACCTGAAATGTCGATGCATGTCTATATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTT
CAGAAATATTACACTGTTCAAGCTCGAAACAACCATTTTCGAGACTTTTGCCAGCAC
TTCTTCCACGTGAAAAATGTTAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTC
AACGAACTCCTGACCGGTTTTGTATTTTAACCCACTCAAATAGTGAGAACAGCTCATA
CAATGATCTTGGTAAACTTTACCTAACATACCAAAAGTTTCGGTACAAGATATACCGAGC
TTAAACAAAAATTTAATGTAAATTTTGCCTATCAGAGATCGCATGATGAAAATCGCA
AAACGCACCTGACTTCCTCATATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAATAAAC
AAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTCAATATGTAATCAGCTATCATAAAAGTCCAAGAAAA
ACCTAATTCGGACGCGCGATAAGCTAGTTATGGCCAAAATCCGTTTCTAATATAACAGA
CCTCGTAT

--

>Btmar1.7.6_gi-1092445549-gb-MAMS01004285_1-:2729206-2730174
gi-1092445549-gb-MAMS01004285.1-:2729206-2730174 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2557,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAAGTCTGTTAGAGTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTCTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTTAAGAATGCTACGTTTAC
AAATTTGAAAAATCATAATTAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAG
GGTGTTTTGCTATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTAC
ATTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAG
TATTGTCACAGAAAAATATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCA
GCTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAA
GTGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGCACATAGCCTT
CAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCA
CTTCTTCCACGTGACGAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTAGGTTCCCATACTCCTCATCTT
CGACGAACCCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAACAGTGGAACATCTCA
TACAATGATCTTGGTAAACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACAGA

GTTTAAACAAAATTAATGTTGAGTCTTGCTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTTGCAATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCATAAAAGCTCAAGGA
AACCTAATTCGGACGCATTGTGAGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.7_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:7309992-7310960
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:7309992-7310960 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAGAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTCTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTGCGTTTCCATATCGTAGCCGTACATTAGAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAATTGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACATTCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTAATGTAAAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTA
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAACATCTCAT
TCAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCAGTACAAGGTATACCGA
GTTTAAACAAAATTTAATGTTTAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAAGGTAACGTTCTTCAGTATATTTTCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.8_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:3897727-3898696
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:3897727-3898696 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGCATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTTGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGCCCCCGAAAATTATCGTATCCAAAAATGTAGGATCAATGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAACGAAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATTAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCAATGCGTGTCTACATTTTCTATCGAAATTGTATGTACAGTGCCTTC
AGAATTATTACTCTGTTCAACTAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCCC
TTCTTCCACGTGACAAGTGTGAGTTGCAGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTGTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTATTCAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTTTACCG
AGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTAGTTAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTTAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.9_gi-1092455048-gb-MAMS01000147_1-:68525-69496
gi-1092455048-gb-MAMS01000147.1-:68525-69496 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold477, whole
genome shotgun sequence 972 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACATTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCTAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAGCGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAAAGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAATGTACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTCCAGAGC
CTTCAGAAATATGACTTTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCC

GCATTTCTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTCCCACGCTCCTCAT
CTTTAACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATC
TCATACAATGATCATGGTAACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTAT
ACCGAGTTTAAACAAAATTTAGTGTTGAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGCTAAA
ATCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAA
ATAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCA
ACAAACCTAAATCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTA
ACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.7.10_gi-1092455225-gb-MAMS01000096_1-:5156532-5157499
gi-1092455225-gb-MAMS01000096.1-:5156532-5157499 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold322,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATGTATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCATAATTAGCTTTTTTGGTATGTGGCTTGAAGTGAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAGCTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACC
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTGCATTTAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATATAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAAGCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTTTCTACATATTCTATCAAAATCGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATATTCGAGCACTTATGCCCCGAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATACTCCTCATCTTC
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAAGCCACTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCTTGGTAACTTTACTTAGCATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAG
TTTAAACAAAATTAATGTTGAGTCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAATAAA
CAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAAA
ACCTAATTCGGACGCATTGTGAGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTAT

--

>Btmar1.7.11*_gi-1092451109-gb-MAMS01001813_1-:1111430-1112415
gi-1092451109-gb-MAMS01001813.1-:1111430-1112415 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1570,
whole genome shotgun sequence 986 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGGCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCAAA
AATTTGAAAAATCCTAATCAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGACGTAC
TAAATTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATTGTAGCCGTACACTA
AAGTATTGTAATCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGATAGAACGTTCAA
GCAGCTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGAG
CAAGTGACCTGAACTCGATACGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGC
CTTCAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTTGAAACGACCATTTTCGAGCACTTCTGCCC
GCACTTCTGCCCCGACTTCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGCTGAGGGTCGATTCC
CATGCTCCTCATCTTTGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAAC
AATGGGAACATCTCATACAATGATCATGGTAATTTTGACGAAGCATATACCAAAGTTTC
GGTACAAGGTATACCGAGCTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCACTATCAGTGA
TCGCATGATGAAAATCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATA
AACACTGATCAAAATAAACGAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTCAGTACATTTCCAGCTA
TCAGGAAAGCTCAAGAAAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCC
GGTTTCTAATCTAACAGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.12_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1-:1444035-1445002
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1-:1444035-1445002 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAATTAGCCCGCAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACA
AATTTGAAAAATTCTGATTAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAATTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACTCACAAGGACGATCGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT

ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTCAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGAGCAAG
TGTACCTGAAACTCAATGCATGTCTACATATTCTATGAAAATTGTATGTACAGAGCTTTC
AGAAACATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATACCCATGCTCCTTATTTTC
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAAACAGTAGGAAGATCTCAT
ACAATTATCTTGGTAAACTTTACTTAGCAAACCAAAAGTTTCGGTGCAAAGTATACCGAG
TTTAAACAAAATTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTAATCGCATGATGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAA
CAAAATCTGTGAAGGTAGTATTCTTAAGTATAATTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAAA
ACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTGTGACCAAAATCCGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTAT

--

>Btmar1.7.13_gi-1092426089-gb-MAMS01019449_1-:1430109-1431079
gi-1092426089-gb-MAMS01019449.1-:1430109-1431079 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold923,
whole genome shotgun sequence 971 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACTTTCATA
AGTTTGAAAAATCCTAATGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAACTTGCCCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAA
TATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCA
GCTAAAGGGAAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACGACAATCAAGGGGCAA
GTGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTT
CAGAAATATTACACTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCA
TTTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTT
TGACAAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCTATTCAAAACAGTGGGAACATCCCA
TACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCGTATACCAAAAGTTTTGGTACAAGGTATACC
GAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACCCAGAATAAACACTGATCAAAAT

AAACAAAATCTGTAAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAGAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTATGGGGTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTAT

>Btmar1.7.14_gi-1092426089-gb-MAMS01019449_1-:303360-304328
gi-1092426089-gb-MAMS01019449.1-:303360-304328 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold923, whole
genome shotgun sequence 969 bp

TATGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAGTATATTTAGGAACGCTACGTTCAACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGAAAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTTTTTTTCGGTCTTGCACTATATT
TTTCAACCTCTAAGGACGATTGGAGTTTCTCCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGTAT
TGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGGTCATTGTTAGAACGTTCAAGCAGCT
AGAGGGAAATTGACTTTTGGGTGGATTTTCGTTCAACGGACAACGATCAAGGGGCAAGTG
TACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTCAG
AAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTACCCGCACTT
CCTCCACGTGACAATTGTCAGTTGCTGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTTGA
CGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCATAC
AATGATCATGGTAACTTCACTAAGCATATACCAAAAGTTTCGGCACAAGGTATACCGAG
TTTAAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAACCTCAAGAG
AACCTAGTTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.15_gi-1092455188-gb-MAMS01000105_1-:2904508-2905474
gi-1092455188-gb-MAMS01000105.1-:2904508-2905474 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold343,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTAAAGAACGCTACGTTCAACA
AATTTGAAAACCTCATAAATAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTTAGGCAACCTCAAGG

GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTTAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAAAGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAAATTGACATTTGGTTTGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTAATTGCAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCTCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTTCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAAACCACTCAAAACAGTGGAACATCTCAT
ACAATGATCTTGGTGAACCTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGGTACAGAGTATACCGAG
TTTAAACAAAATTAAATGTTGAGTCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACCTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAA
CAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAAA
ACCTAATTCGGATGCATTGTGAGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAAA
CCTCGTA

--

>Btmar1.7.16_gi-1092455529-gb-MAMS01000026_1-:196009-196980
gi-1092455529-gb-MAMS01000026.1-:196009-196980 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15, whole
genome shotgun sequence 972 bp

TACGAGGTTTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
AGTTTGAAAAATCCTAAAGAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAGCCTCAAGG
TTGTTTTGCGATTTTATGTTTCACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCATTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCT
TCAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTTCGAGCACTTTTGCCCGC
ATTTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCT
TTGACGAACTCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAAACAGTGGAACATCTC

ATACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAAGTTTTGGTACAAGGTATAC
CGAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAA
TCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGCATTCAAGACGACACAGAATAAACACCGATCAAAA
TAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCCTAAGTATTTTTCCAGCTATCAGAAGAGCTCAA
GAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGGTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.17_gi-1092455529-gb-MAMS01000026_1-:3093013-3093958
gi-1092455529-gb-MAMS01000026.1-:3093013-3093958 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15,
whole genome shotgun sequence 946 bp

AACCGGATTTTGGTAATAACCAGCCCACAATGCGTCCGAATCAGGTTTTCTGAACTTCT
CTGTTAGCTAGAAATATACTAAGAACGATACGTTACCAATTTGAAAAATCCCAATTAGC
TTCGTTGTTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCCTCATGGGTGTTCTGCGATTTTATGTT
TGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTGCATTTTTCAACCCACAAGGATGA
TTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGGACACTTAAGTATTGTCACCGAAAATTATCCA
ATCCCAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTTCGAGCAGCTAAAGGGAAATTGACATTCA
GTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGTGTACCTGAAACTCGATGCAT
GTCTACATATTCTATCAAAATTAAATGTACAGAGCCTTCAGAAATATTATACTGTTCAGC
AAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCACTCCTTCACGTGACAAATGTC
AGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCGTGCTACTCATCTTCGACGAACTCCTGACCAGTTTT
GAATCGTTTAACCCATTTAAACAGTGAGAACAACCTCATACAATGATCTTGGTAACTTT
ACTTAGTATACCAAAGTTTTCGATACAAGGTATAACGAGTTTAAAAAAAATGTAATGTT
AAATCTTTGCTCTGTCAAGTATCGCATGATGAAAATCGCAGAGCGCTCCTGTCTTCTCG
TATTCAAGATGACACAGAAAAAACTGATCAAAATAAACAAAATCTGTGAATCTAGTGT
TCTTCAATATGTTATCAGCTATCGGAAAAGTCCAAGGAAACCTAATTCGGACGCACACTG
GGCTAGCTATCACCAAATCCGATCTCTAATCTAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.7.18_gi-1092427374-gb-MAMS01018164_1-:393232-394200
gi-1092427374-gb-MAMS01018164.1-:393232-394200 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold862, whole
genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTTAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACA
AATTTGAAAAATCCTAGTTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTCATGTTTCACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTCTTGTCTCCGTATCGTAGCCGTCCGCTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCCG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGGGCCTTC
AGAAAAATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCAAAC
CTCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAAACGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAAAATCTCAT
ACAATGATCATGATAAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATAACAAAGAATAAACACTGATTAAATA
AACAAAATCTGTGAACCTAGCGTTCTTAAATATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTTGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.7.19_gi-1092429439-gb-MAMS01016099_1-:238247-239213
gi-1092429439-gb-MAMS01016099.1-:238247-239213 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold767, whole
genome shotgun sequence 967 bp

TACAAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACTTTCACA
AATTTGAAAAAGCCAAATCAGCTTCGTCGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
GTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCATCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGACAAA

TGTACCTGAAACTCGGTGTGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAACCTTC
AGAAATTAGACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTCGAGCTTTTTTGGCCGAAC
TTCTTTCACGTGACAAATTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAACATCTCAT
ACAATGATCATAGTAAACATTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTATAAGGTATACC
GAGTTTAAAGCATAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATGTTATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTAATCAGAAT
AAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTC

>Btmar1.7.20_gi-1092429439-gb-MAMS01016099_1-:2935493-2936460
gi-1092429439-gb-MAMS01016099.1-:2935493-2936460 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold767,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCAACA
TTTTCAACCTAAAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCTATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCTAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACTTTTGGTTGGATTTTCGTTCAAAGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATGGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATGACTTTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGGCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTCCCACGCTCCTCATCTTT
AACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAACAAAATTTAGTGTTGAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGCTAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAGGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAAATCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

>Btmar1.7.21gi|1092454111|gb|MAMS01000491_1|:957990-958959
gi|1092454111|gb|MAMS01000491.1|:957990-958959 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1090,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAAGTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTACACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
CTGTTTTGCGATTTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCCCTTTTTTCGGTCTTGCACTAC
ATTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTACAG
TATTGTCACCAAAAATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCA
GCTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAA
GTGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAATTGTACGTACAGAGCCTT
CAGAAATATTTCTGTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCA
CTTCTCCATGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTTCCATGCTCCTCATCTT
TGACAAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACAGTGGAACATCTCA
TACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGATACAAGGTATACC
GAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAAT
AAACAAAATCTGTGAACGTAGTGTCTTAAATATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAG
AAACCTAATTCGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCCAAC
AGACCTCGTA

>Btmar1.7.22_gi-1092455378-gb-MAMS01000055_1-:917920-918886
gi-1092455378-gb-MAMS01000055.1-:917920-918886 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold226, whole
genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTATGGTGATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTGAACTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGTTACGTTACACA
AATTTGAAAAATCCAATTAGCTTCGTTAGAATGTGGCTTGGAGTAAGGCAACCTCATGG
GTGTTCTGCGATTTTTATGTTAATAGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCAACAGGGATGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACACAAGT
ATTGTCCCGAAAATTATCCTATCCAAAAATTTAGGATCATTGTTAAAACGTTCAAGCAG

CTAAAGGGAAATTGACGTTTGGTCGTATTTTTGTTCAACGGACAACAGTCAAGGGGCAAA
TGTATCTGAAACTCGATGCATGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTATAGAGCCTTC
AGAAATATTACACTCTTCAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTTGTCCACTTTTGTCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCTGTGCTCCTCATCTTC
GACAAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAATAGTGAGAACAACTCAT
ACAATGATCTTGGTGAACTTTCCTTCGCATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAG
TTTAAAAAGAAGTTTAATGTTAAATCTTTGCTCTGTCACTGATTGCATGATGAAAATCGT
AGAATGCACCTGACTTACTCGTACTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAG
CAAAATCTGTGAATCTAGCATTCTTCAATATGTTATCAGCTATCAGGAAAGTCCAAGGAA
ACCTAATTCGGATGCACACTCGGCTAGTTATCACCAAAATCTGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTA

--

>Btmar1.7.23_gi-1092455591-gb-MAMS01000016_1-:2576248-2577191
gi-1092455591-gb-MAMS01000016.1-:2576248-2577191 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold132,
whole genome shotgun sequence 944 bp

CGGATTTTGGTCATAACTAGCCACAATGCGTCCAAATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTG
ATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCAAAATTTGAAAAGTCATAATTAGCTT
TGTTGGTATGTTGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGGGTGTTTTGCGATTTTATGTTTGA
CCGAACCTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACATTTTCAACCCACAAGGACGATTA
GAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGCACACTTAAGTATTGTCACGGAAAAATTATCCTATC
CAAAATGTAGGATCATTGTTAAAACGTTCAAGCAGCTAAAGGGAAATTGACATTTGGTT
GGATTTTCGTAAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGTGACCTGAAACTCGATGCGTGTC
TACATATTCTATCAAAATCGTATGTACAGAGCCATCGGAAATATTACTCTGTTCAACAAG
CTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCACTTCTTCCACGTGACAAATGTCAGT
TGCCATTGAGGGTCGATTCCCATACTCCTCATCTTCGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAA
TCGTTCAACCCACTCAAAACAGTGGGAACATCTCATACAATGATCTTGGTAAACTTTACT
TAGCATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAGTTTAAAACAAAATTAAATGTTTAG
TCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAATCGCAAAACGCACCTGACTTGCTCGTAT
TCAAGATGACACAAAATAATCACTGATCAAAATAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCT
TAAGTATACTTCAGCTATTAGGAAAACCTAAGGAAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGC

TAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.24_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1:-565029-565995
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1:-565029-565995 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTACACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAATTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATTGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTTCATGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTATATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATAACACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTC
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAACAGGGGGAACATCTCAT
ACAATGATCTTGGTAACTTTACTTAGTATACAAAAGTTTCGGTACAAGGTACACCGAG
TTTAAACAAAATTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTATTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATTAAGATAAA
CAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTAAAGTATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAA
ACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTA

--

>Btmar1.7.25_gi-1092455566-gb-MAMS01000020_1:-2709189-2710158
gi-1092455566-gb-MAMS01000020.1:-2709189-2710158 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold14,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGTTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAGGAACGTTACGCTCACA
AACTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATTTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAAGTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA

TTTTCAACCCACAGGGACGATTGGCGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACAAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGAAATTTTGTGTTTTGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAATAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCTTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAAGCATCTCAT
ACAATGACCATGGTAAACTTTACTTAGCGTATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGACAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.26_gi-1092437712-gb-MAMS01008062_1-:196194-197164
gi-1092437712-gb-MAMS01008062.1-:196194-197164 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4122,
whole genome shotgun sequence 971 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTTTTGATAGCTGGAAATATACTTAAAAACGCTACGTTCACA
AGTTTGAAAAATCCTAATGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTCACCGAACTTGCTCTCTTTTTTCGATCTTGCACCACA
TTTTCAACCCACAACGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACGACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCT
TCAGAAATATTACTCTATTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGAGCACTTTTGCCCGC
ATTTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTTGATTCCCATGCTCCTCCTCT
TTGATGAACTCCTGACCAGTTTTGAATTATTTAACTCATTCAAAACAGTGGGAACATCTC
ATACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCGTATATCAAAAGTTTTGGTACAAGGTATAC

CGAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTAATCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAAT
AAACAAAATCTGTAAACGTAGCATTCTTCAGTATATTTCCAGCTATCAGAAGAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGGTAATTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.27_gi-1092440704-gb-MAMS01006626_1-:195611-196579
gi-1092440704-gb-MAMS01006626.1-:195611-196579 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3536,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCACA
AATTTGAAAAATCTTAATTAACCTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCGACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCTGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGTCCGCAT
TTCTTCCACAAGACAAATGTCAGTCACCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATTTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGGACATCTCGA
AAAATGATCATGGTAACTTTTTTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAACAAAATTTTATGTTGAATCTTTGCTCTGTCAAGTATCGCATGCTAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTTGAGATGACACAGAATAAACTTTGATCAAAATAC
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTAT

>Btmar1.7.28_gi-1092440704-gb-MAMS01006626_1-:881072-882037
gi-1092440704-gb-MAMS01006626.1-:881072-882037 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3536,
whole genome shotgun sequence 966 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCTCAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGTTTTTGTGATAGCTGTAATATATTTAAGAACACTACGTTTACA
AATTTGAAACATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTCGGTCTTGACACAACAT
TTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTGAAGTA
TTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCAATGTTAGAACGTTCAAGCAGC
TAAAGGGAACCTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAACCAAGGGGCAAGT
GTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTAAATATTCTATCAAAATTGTACGTACAGAGCCTTCA
GAAATATTACTCAGCTCAAATCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGGCCGCACATC
TTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGTTCTCATCTTTGAC
GAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAATAGAGGGAACATTCCATACA
ATGATCATGGTAAACTTTACTTGGCATATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAGT
TTCAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCGGTGATCGCATGATGAAAATCGCA
AAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACGCTGATCAAAATAAAC
AAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAA
CCTAATTCGAACGCATTATGGACTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGAC
CTCGTA

--

>Btmar1.7.29_gi-1092428043-gb-MAMS01017495_1-:3631785-3632754
gi-1092428043-gb-MAMS01017495.1-:3631785-3632754 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold831,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACC
AATTTGATAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAATTTGTCTCTCTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATTGTAGCCGTATACTAAAGT
ACTGTCATCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGACCATTGTTAGAACGTTCAAGCGG

CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGAATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCTATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTC
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTATTCAAAACAAGGGAAACATCTCAT
ACAATGATCACGGTAAACTTTACTTGGCATATACAAGAGGTTTTGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTACTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACGCAGAATAAGCACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.30_gi-1092446696-gb-MAMS01003835_1-:606340-607310
gi-1092446696-gb-MAMS01003835.1-:606340-607310 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2366,
whole genome shotgun sequence 971 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATATAGAAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGAAAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTATA
TTTTTCAACCTCTAAGGACGATTGGAGTTTCTTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAATATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAGAGGGAAATTGACTTTTGGGTGGATTTTCGTTCAACGGACAACGATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCTTGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAAACTTCACTAAGCATATACCAAAAGTTTCGGCACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAAT
AAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAACCTCAAG

AGAACCTAGTTCGGACGCATTGTGGGCTAGGTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.31_gi-1092454721-gb-MAMS01000233_1-:192441-193414
gi-1092454721-gb-MAMS01000233.1-:192441-193414 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold699, whole
genome shotgun sequence 974 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGGTCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTCTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATGTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGATCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGGTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTATACTAAATT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAGCGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACCTTTGGTTGGAGTTTCGTTCAACGGAGAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTAGGTACAGAGC
CTTCAGAAATATTACTCTGTCCAACAAGCTCGAAACGATCATTTTCGAGCACTTTTGCCC
GCATTTCTTTCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGATCCTCAT
CTTTGACGAACTCCTGACCAATTTTGAATTATTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAAAATC
TCATACAATGATTATGGTAAATTTTACTTAGCATATACCAAACGTTTCGGTACAAGGTAT
ACCGAGTTTAAACAAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCCATCAGTGATCGCATGATGAA
AATCGCAAAACGCACCTGACTTATTCGATTCAAGATGACACAGAATAATGACTGATCAA
AATAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAATC
AAGAAAACCTAATTCGAACGCATTGTGAGCTAGATATGACCAAATCCGGTTTCTAATCT
AACAGACCTCGTAT

>Btmar1.7.32_gi-1092451183-gb-MAMS01001779_1-:242819-243790
gi-1092451183-gb-MAMS01001779.1-:242819-243790 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1558,
whole genome shotgun sequence 972 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTCGGTCACAACCAGCCCAAATTTGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTAAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTCGGTCTTGCACTACAT
TTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACATTAAAGTA
TTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGAATCATTGTTAGAACAGTCAAGCAGC
TAAAGGGAAATTGACATTTTGTTGGATTTTCGTTCAACAGACAACAATCAAGGGGCAAGT
GTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTGCAGAGCCTTCA
GAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCACT
TCTTCTACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCAGCATGCTCCTCATCT
TTGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCCTTCAACCCATTCAAAACAGCGGGAACATCTC
ATGCAATGATCATGGTAACTTTACATGGCATATACCAAAGTTTCGGCACAAGGTATAC
CGAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAA
TCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAA
TAAGCAAAATCTGTGTACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAA
GAAAACCTAATTCGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.33_gi-1092454766-gb-MAMS01000216_1-:1830254-1831223
gi-1092454766-gb-MAMS01000216.1-:1830254-1831223 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold659,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTGCGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
AGTTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAACTTCTCTCTCTTTTTTTGGTCTTGCACTACA
TTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAAGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCAATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT

TTTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

>Btmar1.7.34_gi-1092451505-gb-MAMS01001621_1-:242212-2423181
gi-1092451505-gb-MAMS01001621.1-:242212-2423181 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1496,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCACATTGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAAGCCAAATCAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCATCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCATCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAA
TGTACCTGAAACTCGGTGCGTGTCTACATATTCTATCAAATTGTATGTACAGAACCTTC
AGAAATTAGACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTCCAAGCTTTTTTGCCGAAC
TTCTTTCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAAACCATTCAAAACAGTGGAAACATCTCAT
ACAATGATCATAGTAAACATTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTATAAGGTATACC
GAGTTTAAAGCATAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCTTATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTAATCAGAAT
AAACAAAATCCGTGAACGTAGCGTTCTAAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

>Btmar1.7.35_gi-1092451505-gb-MAMS01001621_1-:45130-46099
gi-1092451505-gb-MAMS01001621.1-:45130-46099 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1496, whole
genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTGATAATTAGCTCAGAATGCATCCGA
ATTAGGTTTTCTGAATTTTCCTGATAGCTGAAAGTATACTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCTTCAGTAGCTTCATTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCTTGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCCCTTTTTTCGGTCAAGCACTACA
GTTTTCAACCCATAAGGATGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTTAAGT
ATTTTCACTGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGAAAATTGATATTTGGTTGGATTTTTGTGTAACGGACAACGATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCATGTCTACTTATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCCTC
AGAAACATTACACTGTTCAAGCAAGCTCGAAACGACCATGTTGAGCACTTTTGCCCGCTG
CACTTTATCCATGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGACGGTCAATTCCTGTGCTCCTCATC
TTCGACAAACTTTTGACCACTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAAACAGTGAGAACAAT
CATAAAATGATCTTGTTATACCTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGATACAAAGTACATC
GAGTTTAAACAAAATTCAATGTAAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATAATGAAAAT
TGTAGAACGCACCTGACTTACTCGTATTAAAGATGACACAGAATAAACTCTGATCAAAAT
AAACAAAATCTGTGAATCTATCGTTCTTCGGTATGTTATCAGCTATCAGAAAAGTCCAAG
GAAACCTAATTTGGCCGCACACTGGGCTAGTTATCACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.7.36_gi-1092455033-gb-MAMS01000149_1-:2244667-2245636
gi-1092455033-gb-MAMS01000149.1-:2244667-2245636 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold493,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATATGAAAAATCCAAATCAGCTTCGTTGGTATGCGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGG
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATCGTTAGAACGTTCAAACAG

CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAA
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAACCTTC
AGAAATAAGACTCTGTTTAACAAGCTCGAAACGACCATTTCCGAGCTTTTTTGGCCGAAC
CTCTTTCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAACATCTCAT
ACAATGATCATAGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTATAAGGTGTACCG
AGTTTAAAGCATAATTTAATGTTGAATCTTCGCTCTATCAGTGATCGTATGATGAAAATC
ACAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTTAAGATGACACAGAATAAACACTAATCAGAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCATTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

>Btmar1.7.37_gi-1092455033-gb-MAMS01000149_1-:2234593-2235560
gi-1092455033-gb-MAMS01000149.1-:2234593-2235560 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold493,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTGATAACTAACCCAATGTGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTCCCTGATAGCTGGTAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
CATTTGAAAAATCTTCATTAGCTTTGTTGGTATGTGGGTTGAAGTAAGGCAACCTCATGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGCCCCCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGATGATTGGAGTTTCGTCTTCATATCGTAGCCGTACACTCAAGT
GTTTTACCGAAAATCATCCTATCCAAAATGTAGTATCATTGTTAGAACGTTACGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGCAACTTGATGCATGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCCTC
AGAAATATTACACTGTTTCAGCGAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGGCCGCAC
TTCTTCCACGTGTCAAAGCCAGTTGCCGTTGATGATCGATTCCCAAGCTCCTCATCTTC
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCACTTAAACAGTGGAaaaaaACTCAT
ACAATGATCTTGGTAACTCTACTTAGCATACCAAAGTTTCGGTGCAAGGCATATCGAG
TTTAAACAAAAGTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAATAAA
TAAAATATGTAAACGTAGCGTTCTTAAGTATGTTACCAGCTATTAGGAAAGCTCAAGAAA
ACCTAATTCGGACGAACACTGGGCTAGTTATCACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA

CCTCGTAT

--

>Btmar1.7.38_gi-1092454277-gb-MAMS01000420_1-:2657335-2658304
gi-1092454277-gb-MAMS01000420.1-:2657335-2658304 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1063,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATGTACTTAAGAACGCTACGTTCCATA
AGTTTGAAAAATCCTAATGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAACTTGTCTCTTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTATCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATGTTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACAAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAAACAGTGGGAACATCCCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAAAGTTTTGGTACAAAGTATACCG
AGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAGAGCTCGAGA
AAACGTAATTTAGACGCATTGTGGGGTAGTTATGACCAAAATCCGTTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.39_gi-1092443497-gb-MAMS01005456_1-:3556357-3557328
gi-1092443497-gb-MAMS01005456.1-:3556357-3557328 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3040,
whole genome shotgun sequence 972 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGTCTATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCCACA
AATTTGAAAAATCGTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG

GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGACAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAAAGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATGACTTTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTATTCCCACGCTCCTCATC
TTTAACGAACTCCTGACCAGTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCT
CATACAATGATCATGGTAAACTTTTCTTAGCATATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATA
CCGAGTTGAAAACAAAATTTAGTGTTGAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGCTAAAA
TCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAA
TAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAA
GAAAACCTAAATCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTAT

>Btmar1.7.40_gi-1092444300-gb-MAMS01004908_1-:569463-570431
gi-1092444300-gb-MAMS01004908.1-:569463-570431 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2808,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTCACAATGCGTCCAA
ATTGCGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
AGTTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTCACCGAACTTCTCTCTCTTTTTTTGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAAGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCAATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTTTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCGTATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC

GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.7.41_gi-1092425897-gb-MAMS01019641_1-:327711-328678
gi-1092425897-gb-MAMS01019641.1-:327711-328678 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold959, whole
genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGACATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTTATTAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCTCGACGACGATTGGAGTTTCGTCTCCACATCGTAGCCGTACACTACGTA
TTGTCACCGAAAATTATCCGATCCAAAATATAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAGC
TAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGT
GTACCTGGAACCTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTATAGAGCCTTCA
GAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCACT
TCTTCTCCGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTTG
ACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAGACAGTGGGAACATCTCATA
CAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGA
GTTAAAGACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAATAA
ACAAAATCTGCGAACGTAGCGTTCTTATGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.7.42_gi-1092425897-gb-MAMS01019641_1-:3034930-3035896
gi-1092425897-gb-MAMS01019641.1-:3034930-3035896 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold959,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACTGTGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGATTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTTCGTTCA

GATTTGAAAAATCTTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCCTCAAGTACGGCAACCTCATGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGATTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAATCTATAAGGATGATTGGAGTTTCGTCTCCGCATCTTAACCGTACCTTCAAGT
ATTATCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTATAGGGAAATGAACATTTGGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATTGAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGACGCATGTCTACATATTGTGTCAAATTTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACACTGTTTCAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGACTTTATCCCGCACT
TCTTCCACGTGACAAATGTTAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTCA
ACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAATAGTGATAACAACCTCATA
CTATGATCTTGGTAACTTTACTTGGCATACCAAAAGTTTCGGTACAACGTATACCGAGC
TTAAACAAAATTTAATGTTAAATCTTTGCTCTATCCGTGATCGCATGATGAAAATCGCA
AAACACCCATGAGGTTGCCGTACTTGAGGCCACGTACCAACGAAGCTAATTAAGATTTTT
CAACTCTGTGAACGTAGCGTTCTTTAGTATGTTATCAGCTATCAGAAAAGTTCAAGAAAA
CCTAATTCGGACACACAATAAGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGAC
CTCGTAT

>Btmar1.7.43_gi-1092427970-gb-MAMS01017568_1-:1625006-1625975
gi-1092427970-gb-MAMS01017568.1-:1625006-1625975 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold835,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTCACAATGCGTCCAA
ATTGCGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCACA
AGTTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAACTTCTCTCTCTTTTTTTGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAAGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCAATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTTTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCTCATTCAAACAGTGGAACATCTCAT

ACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTGCTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

>Btmar1.7.44_gi-1092444418-gb-MAMS01004832_1-:517603-518572
gi-1092444418-gb-MAMS01004832.1-:517603-518572 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2777,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGACTTTGGTCATAACTAGCCCTTAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATCAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
CTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTATCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTGGAGCGTGCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATAAAGGGGCAAA
TGTACCTGAAACTCAATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTAGGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCTTTTTTGCCGAAC
TTCTTTCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACAGTGCAAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCCATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCGATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTTGTAT

>Btmar1.7.45_gi-1092425791-gb-MAMS01019747_1-:177987-178956
gi-1092425791-gb-MAMS01019747.1-:177987-178956 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold370000,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTGCGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
AGTTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAACTTCTCTCTTTTTTTTGGTCTTGCACTAC
ATTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAA
TATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCA
GCTAAAAGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAA
GTGTACCTGAAACTCAATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTT
CAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCA
TTTTTCCACGTCACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTT
TGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAACAGTGGAACATCTCA
TACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACC
GAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACGCAGAATAAACTGATCAAAAT
AAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAG
AAACCTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

>Btmar1.7.46_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:2072681-2073653
gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:2072681-2073653 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 973 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGGCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACATTCAA
AATTTGAAAAATCCTAATCAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTTCGGTCTTGACGTAC
TAAATTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTA
AAGTATTGTAATCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGATAGAACGTTCAA
GCAGCTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGAG
CAAGTGATACATGAACTCGATACGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGC
CTTCAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTTGAAACGACCATTTTCGAGCACTTCTGCCC

GCACTTCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCAT
CTTTGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATC
TCATACAATGATCATGGTAATTTTAACTAAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTAT
ACCGAGCTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTGGCACTATCAGTGATCGCATGATGAA
AATCGCAAAACGCACCTGACATACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAA
AATAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTCAGTACATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTC
AAGAAAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCT
AACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.7.47_gi-1092455647-gb-MAMS01000007_1-:9096-10064
gi-1092455647-gb-MAMS01000007.1-:9096-10064 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold117, whole
genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTTATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACGACGATGATTGGAGTTTCGTCTCCACATCGTAGCCGTACACTAAGTA
TTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTCCAAGCAGC
TAAAGGGAAATTGACTTTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGT
GTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAATTGTATGTATAGAGCCTTCA
GAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCGCAAC
TCTTCAACGTGACAAATGTCAGTTGCCCTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTTG
ACAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTGACCCATTCAAGACAGTGGGAACATCTCATA
CAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGA
GTTCAAAACAAAATTTAATGTTGAATCCTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGGGTTCTTATGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTAT

>Btmar1.7.48_gi-1092455647-gb-MAMS01000007_1-:273275-274243

gi-1092455647-gb-MAMS01000007.1-:273275-274243 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold117, whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTGGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGGTAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
AGTTTGAAAAATCCTAATGAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACGAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTTGCCGTACACTAAAAT
GTTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACTTTGGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCACGT
GTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTATATATTCTATCAAAATTGTATGTACAAAGCCTTCA
GAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCATT
TCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTTG
ACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAACAGTGGAACATCTCATA
CAATGATCATAGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAAGTTTTGGTACAAGGTATACCGA
GTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCG
CAAACGCACCTGACTCACTCGTATTCAAGATTACACAGAATAAACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTCCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.49_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1-:23661-24628

gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1-:23661-24628 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276, whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTCAAGGACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTTATTAGCTTCGTTGGTATGTCGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTAGCGATTTTTATGTTTGATCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTATCAACCCACGACGACGATTGGAGTTTCGTCTTCACATCGTAGCCATACACCAAGTA

TTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAAAACGTTCAAGCAGC
TAAAGGGAAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGT
GTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTATAGAGCCTTCA
GAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCACATT
TCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTTG
ACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAGACAGTGGGAACATCTCATA
CAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGA
GTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTAGTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAATATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACCTAATTCGAACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGGTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.7.50_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1:-5780477-5781445
gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1:-5780477-5781445 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTTTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATATTAATTAGCTTCGTTGGTATATGGCTTGATGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACTGAACTTGCTCTCTTTTTTTGGTCTTGACAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACAATTGGAGTTTCGCTCCATATCGTAGCCATAAACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATTATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGAAATATGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGACCTGAAACTCGATGCAAGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTT
AGAAATATTACTCTGTTCAACAATCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAAGGTCGATTCCCATGCTCCTCATTTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGCGCATCTCAT
ACAATGATCATGGTAAACTTTTCTGGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTGTCTGATGATCGCATGCTAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATACACACTGATCAAAATAA

ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCCTAAGTATATTTTCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAATTCAGACGCATTGTGGGCTGGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTGGTAT

--

>Btmar1.7.51_gi-1092441835-gb-MAMS01006152_1-:686713-687686
gi-1092441835-gb-MAMS01006152.1-:686713-687686 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3332,
whole genome shotgun sequence 974 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATATAAGAACGCTACGTTCAA
AATTTGAAAAATCCTAATCAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTTTCTTTTTTCGGTCTTGACGTAC
TAAATTTTCAACCCACGAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTA
AAGTATTTTAATAGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGATAGAACGTTCAA
GCAGCTAAAGGGAAATTGGCATTGTTGGATTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGG
CAAGTGACCTGAACTCGATACGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGC
CTTCAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTTGAAACGACCATTTTCGAGCGCTTCTGCCC
GCACTTCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCAT
CTTTGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAACATC
TCATACAATGATCATGGTAACTTAAGCATATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTAT
ATCGAGCTTAAACAAAAATTTAATGTTGAATATTTGCACTATCAGTGATCGCATGATGAA
ATTCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAAGACTGATCAA
AATAAACGAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATATTCAGCTATCAGGAAAGCTC
AAGAAAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTAATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCT
AACAGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.52_gi-1092455371-gb-MAMS01000058_1-:2971296-2972264
gi-1092455371-gb-MAMS01000058.1-:2971296-2972264 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold232,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATGTTTAAGAAGTTACGTTCA

AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGCCCGAACTTGTCTCCCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCCCATATCGTAGCCGTACACTACAGT
ATTTTCACCGAAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATCGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAAAATGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGTTTTTC
AAAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCTCTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACAGTGGAACATCTCAT
GCAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTGTACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATATTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGGACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGATTAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAAG
AAACCTAATTCGAACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.7.53_gi-1092434109-gb-MAMS01011429_1-:173020-173986
gi-1092434109-gb-MAMS01011429.1-:173020-173986 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5599,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACA
AATTTGAAAAATCATAATTAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACCTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACAGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGACCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGTAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGCACATAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACGAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTAGATTCCCATACTCCTCATCTTC
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAACAGTGGAACATCTCAT

ACAATGATCTTGGTAAACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAG
TTTAAAACAAAATTAAATGTTGAGTCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTACTTGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAA
CAAAATCCGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCATAAAAGCTCAAGAAA
ACCTAATTCGGACGCATTGTGAGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTATCAGA
CCTCGTA

--

>Btmar1.7.54_gi-1092425788-gb-MAMS01019750_1-:3238735-3239704
gi-1092425788-gb-MAMS01019750.1-:3238735-3239704 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold231,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCAAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAATGCTACGTTCA
AATTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTATTTTGCATTTCATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTTCGGTCTTGCATTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATGTCGTAGCCGTACACTAAAGT
GTTGTCACTGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAGCAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTACGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTATATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACCCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAAAGTTTTGGTGCAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAGCACTGATCAGGATA
AACAAAATCTGTGAACATAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAAGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCAGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

>Btmar1.7.55_gi-1092445325-gb-MAMS01004396_1-:175009-175978
gi-1092445325-gb-MAMS01004396.1-:175009-175978 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2605,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTTTTGAGCTTTTCTGAAAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCTTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGACTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTGTGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTGTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATCGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGCACACTGAAGT
ATTGTCACCGATAATTACCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCATGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATACGCTTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACATTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTTGGTACAAGGTACACCG
AGTTCAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAAGC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTCCACCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

>Btmar1.7.56_gi-1092445325-gb-MAMS01004396_1-:4468930-4469897
gi-1092445325-gb-MAMS01004396.1-:4468930-4469897 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2605,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCATAATTAACTTTGTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGACTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGCACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATAAAAATTGTATGTACATAACCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTACCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTAGATTCCCATACTCCTCATTTTC

GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCTTGGTAAACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAG
TTTAAACAAAATTAAATGTTGAGTCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACATTGATCAAAATAAA
CAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCATAAAATCTCAAGAAA
ACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCTGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTAT

>Btmar1.7.57_gi-1092445325-gb-MAMS01004396_1:-921861-922829
gi-1092445325-gb-MAMS01004396.1:-921861-922829 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2605,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACGTAAGAACGGTACGTTTACA
AGTTTGAAAAATCCTAATGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTCACCAAATGTATCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCAAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACGTTAGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTTCGAGCACTTTAGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCTCATTTAAACAGTGGGAACATCTCAT
AAAATGATTATGGTAAACTTTACTTAGCGTATACCAAAAGTTTTGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGAGATCGCATTATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTAAAGTATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.7.58_gi-1092445325-gb-MAMS01004396_1:-4487056-4488029
gi-1092445325-gb-MAMS01004396.1:-4487056-4488029 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2605,
whole genome shotgun sequence 974 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCAGATTTTGGTCATAACTAGCCTACTGTGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGATCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACACA
GATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTCAAGTACCTCCAAGAAAACC
TCATGGGTGTTTTGCGATTTTCATATTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTATCTGTCTTGC
ACTAAATTTTTCAACCCACAGGTATGATAGGAGTTTCGTTTTCATATCGTAGCCGTACAC
TCAAGTATTATCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTT
AAGCAGCTATAGGGAAATTAACATTGTGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATCAAGG
GACAAGTGACCTGAAACTCGATGCATGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGA
GTCTTCAGAAATATATTTAAATGTTTAGCAAGCTCAAAACGACCATTTTCGAGACTTTTG
GCCGCACTTCTTCCACGTGACAAATGTTAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCATGCTCCT
CATCTTCAACGAACTCCTGATCAATTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAATAGTGAGAAC
AACTCATTCAATGATCTTGGTATACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCAGTACAAGGTA
TACCGAGCTTAAACAAAATTTAATGTTAAATCTTTGCTCTATCAGAGATCGCATGATGA
ATATCGCAGAACGCACCGGGCTTCCTCTTATTCAAGATTACACAGAATGAACACTGATCA
AAATAAACAAAATCTCTGAACATAGCGTTCTTTAGTATGTTATCAGCTATCAGAAAAGTC
CAAGAAAACCTAATGCGGACGCACGATAAGCTAGTTATGACCAAAATCCAGTTTCTAATC
TAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.7.59_gi-1092427769-gb-MAMS01017769_1-:541400-542369

gi-1092427769-gb-MAMS01017769.1-:541400-542369 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold844, whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTAAGTTTTCTTGAGCTTTTCTGTTAGCTGAAATTATATTCAAGAACGCTACGTTACACA
TATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTTCGGTCCTGCACTACA
TTTTTCAACCCACATGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATACCGTAGCTTTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGAAGAATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTGAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTCCAATGGACAACAATCACGGGGCAAG
TGTAACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTAAAGAGCCTTC

AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTG
GATGAACGCCTGACTAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTTAAAACAGTGGGAACATCTAAT
ACAATGATCATGGTAAATTTATTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTCACTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GTAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCGAGATGACACAGAATAGACACTGATCAGTATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGAACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.60_gi-1092455019-gb-MAMS01000152_1-:2232980-2233947
gi-1092455019-gb-MAMS01000152.1-:2232980-2233947 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold499,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACAAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTATTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCATAATTAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTTCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACAGAAAATTATCCTATCCAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGTAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGCACATAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACATTTGCCCGCAC
TTCTTCCGCGTGACGAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTAGATTCCCATACTCCTCATCTTC
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCATTTTACCACTCAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATAATCTTGGTAACTTTACTTAGCATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAG
TTTAAAACAAAATTAATGTTGAGTCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTACTTGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAA
CAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCATAAAAGCTCAAGAAA
ACCTAATTCGGACGCATTGTGAGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA

CCTCGTAT

--

>Btmar1.7.61_gi-1092436257-gb-MAMS01009281_1-:57-1026

gi-1092436257-gb-MAMS01009281.1-:57-1026 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold46601, whole genome shotgun sequence 970 bp

TACCAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCAACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCAACAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAATCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAAAGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATGACTTTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTCCCACGCTCCTCATCTT
TAACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACAGTGGGAACATCTCA
TACAATGATCATGGTAACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACC
GAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTGACAGTGATCGCATGCTAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAAATCGGACGCATCGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.62_gi-1092454785-gb-MAMS01000211_1-:1393725-1394694

gi-1092454785-gb-MAMS01000211.1-:1393725-1394694 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold651, whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCTTAACCAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCAACA
AGTTTGAAAACCTCCTAATGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG

GTGTTTTGCGATTTTATGTTTCACCGAACTTGCTCTCTTCTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTTCACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGACAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCAAAACGACCGTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCGGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAAGTTTTGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGCATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGTTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTATGGGCTAGTTATGACCAAATCCGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.63_gi-1092443959-gb-MAMS01005201_1-:173132-174100
gi-1092443959-gb-MAMS01005201.1-:173132-174100 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold29348,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAACCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCATA
AGTTTGAAAAATCTTAAAGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGTAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTCACCGAACTTGCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTTCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTTGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAAACAGTGGGAACATCCCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAAGTTTTGGTACAAGGTATACCG

AGTTTAAAACAAAATTCAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAGAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGGTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.7.64_gi-1092454650-gb-MAMS01000255_1-:110727-111687
gi-1092454650-gb-MAMS01000255.1-:110727-111687 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold98, whole
genome shotgun sequence 961 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGCATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATGTTTAAGAACGTTACGTTACACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGCCCGAACTTGTCTCCCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCCCATATCGTAGCCGTACACTACAGT
ATTTTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATCGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAAAATGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGTTTTTC
AAAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCTTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACAGTGGGAACATCTCAT
GCAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTGTACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATATTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGGACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGATTAAACACTGATCAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGG
AAACCTAATTCGAACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
G

>Btmar1.7.65_gi-1092454837-gb-MAMS01000204_1-:45163-46130
gi-1092454837-gb-MAMS01000204.1-:45163-46130 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold64, whole
genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTTCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATGTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGTACTTGTCTCTCTTTTCCGGTCTTGACAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCATAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AAAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTCCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGATCGATTCCCATGCTCCTCATTTTT
GACAAACTCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAAACCATTCAAAACAGTGGGGACATCTCGT
ACAATGATCATGGTAACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTTATGTTGAATCTTTGCTCTGTCAAGTATCGCATGCTAAAATCG
CAAAACGCACCTAACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACCTAATTCGAACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

>Btmar1.7.66_gi-1092454837-gb-MAMS01000204_1-:138503-139481
gi-1092454837-gb-MAMS01000204.1-:138503-139481 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold64, whole
genome shotgun sequence 979 bp

TACGAGGTCTGTTAGATCAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCATCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCCTTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGC
AACCTCAAGGGTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAACTTGTCTCTTTTTTTCGGTC
TTGCACTACATTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGT
ACACTAAAATATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAAC
GTTCAAGCAGCTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCATTCAACGGACAACAATC

AAGGGGCAAGTGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTA
CAGAGCCTTCAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGAGCACTT
TTGCCCCGATTTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCT
CCTCATCTTTGACGAACTCCTAACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAAACAGTGGG
AACATCTCATACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCGTATACCAAAAGTTTTGGTACA
AGGTATACCGAGTTTAAACAAAAATTTAATGTTGATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATG
ATGAAAATCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTG
ATCAAAATAAACAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGGAA
AGCTCAAGAAAACCTAATTTGGACGCACTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCT
AATCTAATAGACCTCGTAT

>Btmar1.7.67_gi-1092454837-gb-MAMS01000204_1:-91845-92814
gi-1092454837-gb-MAMS01000204.1:-91845-92814 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold64, whole
genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTGGTAACTAGCCTCCAATCCGTTCTGA
ATTAGGTTTTTTTGAAGTTTCCTGATAGCTGAAAAATTATTTAAGAACGCTACGCTCACA
AATTTGAAAAATCCTAGTTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCATGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTGTTTTCGGTCTTGCAATACA
TTTTTCAACCCACACGGATGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTATAGCCGTACACTCAA
GTATTGTCACCGAAAGTTTCCTATCCAAAACCTGTAGCATCATTGTTAGAACGTTCAAGCA
GCTAAAGGGAAATTGACATTCGGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATTCAAGGGCAA
GTTTAGTTGGAGCTCGATGCATGTCTATATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTT
TAAAAATATTACACTGTTTCAGCAAGCTCAGTACGATCATTTCCGAGCACTTTGCCCCGAC
TTTTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTAATGGTCGATTCCCGTGCTTCTCATCTTC
GACGGACTCCTGACCTGTTTTGAATCGTTTAAACCACTCAAAACAGTGAGAACAACATCAT
GTAATGATCTTGGTAACTTAGCATAGCATACCAAAAGTTTCGGTAAAAGGTATACCGAG
TTTGAAACAAAATTTAATGTTAACTCTTTGCTCTATCAGTGACCGCATGATGAAAATCGC
AGAACGCACCTGACTTATTATTACTCGTATACAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAA
GATAAACAAAATCTGTGAATCTAGCGTTCTTTAGTATATTATCAGCTATCAGGAAAGTCC
AAGAAAACCTAATTCGGACACACACTGGGCTAGTTATCACCAAAATCCGGTTTATAATCT
AACAGACCTC

>Btmar1.7.68_gi-1092451018-gb-MAMS01001867_1-:169879-170847
gi-1092451018-gb-MAMS01001867.1-:169879-170847 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15941,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGTGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTCTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCCACGTTTACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAATTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCAATAC
ATTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCACCATATCTTAGCCGTACACTAAAG
TATTGTCACCGATAATTATCCTATCCAAAAATTTAGGATCATTGTTAGAACATTCAAGCA
GCTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAA
GTGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTT
CAGAAATATTAATCTGTTCAACAAGCTCAAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTACCTGCA
CTTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGCTCGATTTCCATGCTCCTTATCTT
TAACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAACATCTCA
TACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACTAAAAGATTCGGTACAGGTATACCG
AGTTTAAAATAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGTCTGATGAAAATC
GCAAAACGCATTTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTATGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCGAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.7.69_gi-1092451018-gb-MAMS01001867_1-:81594-82560
gi-1092451018-gb-MAMS01001867.1-:81594-82560 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15941, whole
genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTTACTGTGCGTTCGA
ATTAGGTTTTCTTAACTTTTCTGATAGCCGACAACATACTAAAGAACGCTACGTTTACA
GATTTGAAAAATCTTAATTAGCCTCGTTGGTATGTGGCTTCAAGTACGGCAACCTCATGG
GTGTTTTGCGATTTTATATTTGACCGAATTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTAAA
TTTTTCAATCCACAAGGATGATTGGAGTTTCGTCTCCGTATCTTAGCCGTACACTCAAGT
ATTATCACCGAAAATTATCCTATCTAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTACAGGTAAATTAACATTTGGTTGGATTTTGTTCACCGACAACAATCAAGGGGCAAGT

GTACTCTGAAACTCTATGCATGTCTACATATTCTACCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACACTGTTTCAGCAAGCTCGAAACAACCATTTTCGAGACTTTTGCCCGCACT
TCTTCCACGTGACAAATGTTAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCATGCTCCTCAACTTCA
ACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAATAGTGAGAAAACTCATA
TAATGATCTTGGTAAACATTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAGC
TTGAAACAAAATGTAATGTAAATCTTTGCTCTGTCTGTGATCGTATGATGAAAATCGCA
AAACGCACCTGACTTCCTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTAATCAAAATAAAC
AAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTTAGTATGTTGTCGGCTATCAGAAAAGTTTAAGAAAA
CCTAATTCGAACGCACAGTAAGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGAC
CTCGTAT

>Btmar1.7.70_gi-1092451018-gb-MAMS01001867_1-:141103-141954
gi-1092451018-gb-MAMS01001867.1-:141103-141954 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15941,
whole genome shotgun sequence 852 bp

TACAAGGTCTCTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTGATAACTAGCCAACAACGTCCGAAT
TAGGCTTCTTGGACTTTTCTAATAGCTGGAAATATATTTAAAAACGCTACTTTCACAAAT
TTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGACTTGAAGGAAGGCAACCTCATGGGTG
TTCTTCTATTTTTATGTTTGACTGAACTTTTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCTGTACCTTT
TTCAACCCACAAGGATGTTTGGAGTATAGTCTCCATATCGTAGCCATACACTCAAGTTTT
GTCACCAAAAATTATCCTATCCAAAATGTAGGATCATTTTTAGAACGTGAAAGCAGCTG
AAGGGAAATTGACATTCGGTTAGATTTTTGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGTGT
ACCTGAATCTCGATGCTTGTCCACACATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTCAGA
AATATTACACTGTTTCAGCAAGCTTGAAACGATAATTTTTGAGCACTTTTGCCTACACTTC
TTCGACGTGGCAAATATCAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCGTGCTCCTCATCTTCGAC
GGATTTCTTACCAGTTTTGTATCGTTTAACCCACTCAAAAAAATGAGAACAACCTCATACA
ATGATCTTGATAAACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGATACAAGGTATATATCGAGT
TTAAACAAAATTTATTGTAAATCTTTGCTCCATCAGTGATCGCATGATGAAAATCGCA
GAACGTACCTGACTTACTCACATTCAAGGTGACACAGAATGGACTGATCAAAATAAAC
AAAATCTGTGAA

>Btmar1.7.71_gi-1092454842-gb-MAMS01000203_1-:85922-86890

gi-1092454842-gb-MAMS01000203.1-:85922-86890 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold637, whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAAAAACCGAATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
CTTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAACATATATTTAAGAATGCTGCGTTCATA
AATTTAAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTGTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAAGACAATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTCGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAGATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATCGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTTGATGTGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTTTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCAATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTTCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAAACCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTGTACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTTAACTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAATATGACACAGAATAAACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGCTCTTGAATATATTTTCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.7.72_gi-1092454842-gb-MAMS01000203_1-:2668149-2669116

gi-1092454842-gb-MAMS01000203.1-:2668149-2669116 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold637, whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTCGGTCATAACTAGCCCACATTGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAATCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACTGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGCCTTGCACTACA
TTTGTCACCCACAAGGGCGATTGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGCA
TTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGCTAGAACGTTCAAGCAGC
TAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGT

GTACATGAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTAACAAAATTGTATGTACAGAGTCTGCA
GAAATATTACTCTATTCAACAAGCTCGAAACGATCATTTTCGAGCACTTTGCCCCGCACTT
CTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCTTCATCTTTGA
CGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAAGAGTGGGAACATCTCATAC
AATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAATTTTCGGTACAAGGTATACCGAG
TTTAAACAAAATTCAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCGC
AAACGACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAA
CAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTGAATATATTTCCAGCTATCAGGAAAACCTCAAGAAA
ACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTAT

--

>Btmar1.7.73_gi-1092440684-gb-MAMS01006635_1-:4141-5110
gi-1092440684-gb-MAMS01006635.1-:4141-5110 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold35379, whole
genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTCGGTCATAACTAGCCACATTGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAATCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACTGAACTTGTCTCTTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGGCGATTGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGTA
TTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAGC
TAAAGGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGT
GTACATGAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTAACAAAATTGTATGTACAGAGTCTGCA
GAAATATTACTCTATTCAACAAGCTCGAAATGACCATTTTCGAGCACTTTGCCCCGCACTT
CTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCTTCATCTTTGA
CGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAAGAGTGGGAACATCTCATAC
AATGATCATGGTAACTTTACTTAGCATATACCAAATTTTCGGTACAAGGTATACCGCG
AGTTTAAACAAAATTCAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GCAAAACGACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTGAATATATTTCCAGCTATCAGGAAAACCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGTTTTTTAATCTAACA

GACCTCGTAT

>Btmar1.7.74_gi-1092426883-gb-MAMS01018655_1-:262814-263781

gi-1092426883-gb-MAMS01018655.1-:262814-263781 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold8852,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
AGTTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCATTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTCACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCAACACATT
TTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGTAT
TGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGCTAGAACGTTCAAGCAGCT
AAAGGAAAAATTGACATTTGGTTGGATATTCGTTCAACGGACAACAATAAAGGGGCAAGCG
TACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTCAG
AAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTCGGGCACTTTTGCCCGCATTT
CTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGCTTCCATGCTCCTCATCTTTGA
CGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAAACCATTCAAAACAGTGGAACATCTCATAC
AATGATCATGGTACACTTTACTCAGCAGATACCAAAAGTTTTGGTACAAGGTATACCGAG
TTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCCTATGATGAAAATCGC
AAAACGCACCTGACTTACTCGGATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAA
GAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAAA
ACCTAATTTGGACGCATTGTGGGTTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTAT

--

>Btmar1.7.75_gi-1092446811-gb-MAMS01003786_1-:201943-202903

gi-1092446811-gb-MAMS01003786.1-:201943-202903 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2348,
whole genome shotgun sequence 961 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCGTAACCTAACCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGATTTTCTGATAGCTGGAAATATGTTTAAGAACGCTACTTTCACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCCCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCCCATATCGTAGCCGTAGAGTACAGT

ATTTTCACCGAAAAGTATCTTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAAAATGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAAGAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTCCATATTCTATCAAACTGTATGTAAAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCTCTTTGCCCCGAC
TTCTTCCACGTGACAAATGACAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATAGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
GCAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTGTACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATATTTGCTCTATCAGTGAACGCATGATGAAAATC
GCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCACCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGAACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
G

--

>Btmar1.7.76_gi-1092454888-gb-MAMS01000191_1-884825-885793
gi-1092454888-gb-MAMS01000191.1-884825-885793 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold607, whole
genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTGAAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTCTCGGTCTTGACAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATACCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACGTTTGATTGGATTTTCGTTTAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTCCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATTTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCTATTCAAAACAGTGGGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTACACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTGTCTCAGTGATCGCATCATGGAAATC

GCAAAACTCACCTGACTTACTCGTGTTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAATA
AACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAGGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCATTATGGGCTAGCTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.7.77_gi-1092454888-gb-MAMS01000191_1-:297566-298533
gi-1092454888-gb-MAMS01000191.1-:297566-298533 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold607, whole
genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAATGGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCATAATTAGCTTTTTCGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTAGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTACATAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAATCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGTACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTTTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTGCTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATACTCCTCATCTTC
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCACTCAAACAGTGGAACATCTCAT
ACAATGATCTTGGTAACTTTACTTAGCATACAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAG
TTTAAACAAAATTAATGTTGAGTCTTGCTCTATCAGTGATCGCATGCTGAAAATCGC
AAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATAAAAATAAA
CAAATCTGTGATCGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGGAAAGCCCAAGAAA
ACCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTAT

>Btmar1.7.78_gi-1092454888-gb-MAMS01000191_1-:2308989-2309619
gi-1092454888-gb-MAMS01000191.1-:2308989-2309619 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold607,
whole genome shotgun sequence 631 bp

TCATTGTTAGAACGTTCAAGCAGCTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCA
ACGGACAACAATCAAGGGGCAAGTGACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATC
AAAATTGTATGTACAGAGCCTTCAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGATCA

TTTTCGAGCACTTTTGCCCGCATTTCTTCCTCGTGATAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGT
TGATTCCCATGCTCCTCATTTTTGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCAT
TCAAAACAGTGCGAACATCTCATACAATGATCATGGTAAACTTTTCTTAGCATATACCAA
AAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTGCTCTG
TCAGTGATCGCATGCTAAAATCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACAC
AGAATAAACACAGATCAAAATAAACAAAATCTGTGAACCTAGCGTTCTTAAGTATATTTT
AAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAAAATCAATTCCGACGCATTATGGGCTAGTTATGACCA
AAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACCTCGTA

>Btmar1.7.79_gi-1092434953-gb-MAMS01010585_1-:460268-461235
gi-1092434953-gb-MAMS01010585.1-:460268-461235 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5223,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACA
AATTTGAAAAATCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGTGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGACAACA
TTTTTTAACCCACAGGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCTAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAAAGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATGACTTTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTCCCACGCTCCTCATCTTT
AACGAACACCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACAGTGCGAACATCTCAT
ACAATGATCATGGTAAACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAATAAAATTTAGTGTTGAATCTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGCTAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTAAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCTAAATCGGACGCATTGTGGGCTGGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

>Btmar1.7.80_gi-1092434953-gb-MAMS01010585_1-:323118-324089
gi-1092434953-gb-MAMS01010585.1-:323118-324089 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5223,
whole genome shotgun sequence 972 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTACACA
AATTTGAAGAATCCTAGTTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAGGTAAGGCAACCTC
AAGGGTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGAC
AACATTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTA
AAGTATTGTCACCTAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAA
GCAGCTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAAAGGACAACAATCAAGGGG
CAAGTGACCTGAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGC
CTTCAGAAATATGACTTTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCC
GCATTTCTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTCCCACGCTCCTCAT
CTTTAACGAACTCCTGACCAGTTTTCAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAACATC
TCATACAATGATCATGGTAACTCTTCTTAGCATATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTAT
ACCGAGTTTAAACAAAAATTTAGTGTTGAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGCTAAA
ATCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATCCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAA
ATAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCA
AGAAAACCTAAATCTGACGCATTCTGGGCTAGTTATGACCGAAATCCGGCTTCTAATCTA
ACAGATCTCGTA

>Btmar1.7.81_gi-1092455448-gb-MAMS01000042_1-:72644-73621
gi-1092455448-gb-MAMS01000042.1-:72644-73621 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold192, whole
genome shotgun sequence 978 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACACA
AGTTTGAAAAATCCTAATGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTCACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCATCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ACTTATTGTCATCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGCAGGATCATTGTTAGAATGTTCAA
GCAGCTGAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGG

CAAGTGTACCTGAAACTCGATGCATGTCTACTTATTCTATCAAAATATATTGTATGTACA
GAGCCTTTAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCAAGCACTTTT
GCCCCGCACTTCTTCCACGCGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAAGGTCGATTCCCATGCTCC
TCATCTTTGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATAGTTTAACGCATTCAAAACAGTGGGAA
CATCTCTTACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAAAGTTTCGGTACAAG
GTATACCAAGTTTAAAACAAAATTTAATGTTTAATCTTTGCTCTATCAGTGATGGCATGA
TGAAAATCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTAA
TCAAAATAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAA
GCTCAAGAAAACCCAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTA
ATCTAACAGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.82_gi-1092454581-gb-MAMS01000286_1-:145985-146956
gi-1092454581-gb-MAMS01000286.1-:145985-146956 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1011,
whole genome shotgun sequence 972 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCCGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
TTTACATTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACA
AATTTGAAAAATCTTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTAAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAGCCCACAAGGGCGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTATACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTGGAGCGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGGCATTGTTGGATTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGGAACCTTGATGCGTGTTTACATACTCTATCAAAATTGTACGTACAGAGCTTTC
AGAAATACTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCAATTTTGTCCGCAC
TTATTCTTCCACGTGACAAATGTCGGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATC
TTTAACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTAAACCTTTCAAAACAGTGGAACGTCTC
ATACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAAAGTTTCTGTATAAGGTTTAC
CGAGTTTAAAACAAAATTTAATGTGCAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAA
TCGCAAAACGCACCTGACTTACTCCTGTTCAAGATGACTTAGAATAAACACTGATCAAAA
TAAACAAAATCTGTGAATGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGGAAAGCTCAA

GAAAATCTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CAGCCCTCGTAT

--

>Btmar1.7.83_gi-1092436272-gb-MAMS01009266_1-:10586-11557
gi-1092436272-gb-MAMS01009266.1-:10586-11557 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold46539, whole
genome shotgun sequence 972 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTTGTCATAACTAGCCTACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCAACA
AATTTGAAAAATCGTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGACAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAAAGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATGACTTTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCTGCAT
TTCTTCCACGTGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTATTCCCACGCTCCTCATC
TTTAACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCT
CATACAATGATCATGGTAACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTAAA
CCGAGTTGAAAACAAAATTTAGTGTTGAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGCTAAAA
TCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAA
TAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAA
GAGAACCTAAATCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGAACAAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.84_gi-1092448477-gb-MAMS01003064_1-:690840-691809
gi-1092448477-gb-MAMS01003064.1-:690840-691809 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2068,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGATCTTTTTTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCAACA

AATTTGAAAAATCCTAATCAGCTTCATTGATATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATATTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTGTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCTATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACAGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTAAAACTCGGCGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACACTGTTCAACAAGCTTGAAATGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAC
CTCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCACTTTTGAATCGTTTAAACCATTCAAAACGGTGGAACATCTCAT
ACAATGATAATGGTAACTTTACTTAGCATACACCAGAAATTTCCGTACAAGGTATACCG
AGTTTAAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATC
GAAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAAAATAAACACTGATCAGAATA
AACAAAATCTGTTAACGTAACGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGTTCAAGA
AAACCTAATTCGGACGCGTTGTGGGCTAGTTAAGTCCAAAATTCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTAT

--

>Btmar1.7.85_gi-1092454801-gb-MAMS01000208_1-:3607457-3608427
gi-1092454801-gb-MAMS01000208.1-:3607457-3608427 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold649,
whole genome shotgun sequence 971 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGTTTTTGTGATAGCTGACAATATATTTAAGAACGCTACGTTCA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTAGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTCCTGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CCATAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGTCA
AGTGTACCTGAACTCGATGCGTGTCTAAATATTCTATCAAAATTGTATGTAGAGAGCCT
TCAGAAATATTACTCTGTTTAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTACCCGC
ACTTCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCTGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCT

TTGACGAACTCCTTTCCAGTTTTGAATCGTCTAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCTC
AAACAATGATCATGGTAAACTTTACTTAGCATATACCAAATTTTCGGTACAAAGTATAC
CGAGCTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGAGATCGCATGATGAAAA
TCGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAA
TGAACAAAATCTGTGAACGTAGCATTCTTAAATATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAA
GAAAACCTAATTCGGACGCACTGTAGGCTACTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTA

--

>Btmar1.7.86_gi-1092454879-gb-MAMS01000194_1-:2033913-2034687
gi-1092454879-gb-MAMS01000194.1-:2033913-2034687 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold610,
whole genome shotgun sequence 775 bp

TTATGTTTGACCGAACTTGTCTCCCTTTTCCGGTCTTGCACTACATTTTCAACCCACA
AGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGGCGTACACTCAAGTATTGTCACCGAAAA
TTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAGCTAAAGGGAAATTG
ACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGGCAACAATCAAGGGGCAAGTGACTTGAAACTC
GATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTCAGAAATATTACTCT
GTTCAACAAGCTTGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCACCTCTTCCACGTGAC
AATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTTGACGAACTCCTGACC
AGTTTTGAATCGTTCAACCCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCATACAATGATCATGGTA
AACTTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAGTTTAAACAAAAT
TTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCGCAAAACGCACCTGA
CTTACTCGTATTCATGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAACAAAATCTGTGAA
CGTAGCGTTCTTAAAGATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAACCTAATTCGGAC
GCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACCTCGTAT

>Btmar1.7.87_gi-1092454879-gb-MAMS01000194_1-:2235308-2236283
gi-1092454879-gb-MAMS01000194.1-:2235308-2236283 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold610,
whole genome shotgun sequence 976 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTGATAACTAGCCATAATGCGTCGAA
ATTAGGTTTTTTTGAACCTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGGACGCTACGTTACA

AATTTGAAAAATTCTAATTAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTACGGCAACCTCATGG
GTGTTCTGCAATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCAGTCTTGCACTACA
TTTGTCAACCCACAAGGACGGTTGGCGATTCTTTCCATATCGTAGGCGTACACTCAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCAAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGCTCAAGAAC
CTCAAGTAGCTAAAGGAAAATCGACATTCAGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATTA
AGGGGCAAGTGTACCTGAAACTCGATGCATGTCTACATATTCCATCAAAATTGTATGTAC
AGAGCCTTCAGAAATATTAACTGTTGAGCAAGCTCGAAACGACATTTTCGAGCAATTT
AGCCACACTTTTTCCATGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGATCGTCGATTCCCGTGCTC
CTCATCTTCGACGAACTCCTGACCAGTTATGAATCGTTTAACCCACTCAAGGCAGTGAGA
ACAACTCATACAATGATCTTGGTAACTTTACTTGTCTACACAAAAGTTTCGGTACAATG
TATACCGAGTTTAAACAAAATTTAATGTTAAATCTCAGCTCTGTCAGTGATCGCATGAT
GAAATTCGCAGAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGAT
CAAAATAAACAAAATCTGAGAATCTAGCGTTCTTCAATATGTTATCAGCTATTAGGAAAG
TCCAAGGAAACCCAATTTGGACGCACACTGGGCTAGATATCACCAAAATCCGGTTTCTAA
TCTAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.7.88_gi-1092447432-gb-MAMS01003516_1-:1003273-1004241
gi-1092447432-gb-MAMS01003516.1-:1003273-1004241 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2242,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACAATGCATTCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCACA
AATTTGAAAAATCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGTTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGACAACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTAACTAAAGT
ATTGTCACCAAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGTAATTTGACATTTGGTTGGATTCTCGTTCAAGGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCCCGAAACGATCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCCT
TTCTTCCTCATGACAAATGTCAGTCGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATTTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTGGAACATCTCAT

ACAATGATCATGGTAACTTTTCTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACACGGTATACCG
AGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATGCTAAAATCG
CAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACAGATCAAAATAA
ACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTAAGCTACCAGGAAAGCTCAAGAA
AACCCAATTCGGACGCATTATGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTTGTAT

--

>Btmar1.7.89_gi-1092452381-gb-MAMS01001247_1:-857-1830
gi-1092452381-gb-MAMS01001247.1:-857-1830 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold13540, whole
genome shotgun sequence 974 bp

TACGAGGTCTGATAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCAGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
AGTTTGAAAAATCCTAATGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTCCACCGAACTTGATCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACAATAAAAT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTATACATCTTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGTTT
TCAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAACGACCGTTTTTCGAGCACTTCTGCCCCGA
TTTCTTCCACGCGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTT
TGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACTCATTCAAACAGTGGAACATCTCA
TACAATGATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAAGTTTTGGTACAAGGTTTACC
GAGTTTAAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAAAAT
AAACAAAATCTGCGGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCTAGCTATCAGAAGAGCTC
AAGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGAGGTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCT
AACAGACCTCGTAT

>Btmar1.8.1_gi-1092425808-gb-MAMS01019730_1-:3371829-3372676
gi-1092425808-gb-MAMS01019730.1-:3371829-3372676 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold995,
whole genome shotgun sequence 848 bp

GAAACCAGATTTTGGTGATACTAGCCCACAATGCACCCGAATTAGGTTTCCTTGGA
CTTTCCTGATAGCTAATAACATATTGAAGAACGCAAGATTCTCAGATTTTGTTTCATCTTGATC
AATGTTTCATTCTGTATCACCTTGAATACGAGTAAGTCAGGTGCATTCTGCGATTTTCATG
ATGCGATTACTGATAGAGCAAAGATTTAACATTACAATTTGTTTTAACTCGGTATACCT
TGTAAGTAACTTTTGGTATTCTAAGTAAAGTTTACCAAGAACATTGAATAAGTTGTTCT
CTCTGTTTTGAGTGGTTCAAACGATTCAAACTGGTCAAGAGTCTGTCGAAGATGAGGAG
CACGGGAATCAACTATCAATGGCAACTGAAATTTGCCACGTAGAAGAAATGCGAGCAAAA
GTGCTCGAAAATAGTTGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTGTTCATATTTCTGAAGGCTCCGTA
CATACAGTTCTGATAGAATATTTAGACATGCATCGAGCTTCAGGTAACTTGTCCCGTGA
TTGCTGCCCCGTTGAACAAAAATCTAACCGAAAGTCAATTTCCCTTTAGCTCCTTGGA
TCTAACTCTAATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTCGGTGGCAAACTTGAGTGTAC
GGCTACGATATGGAATCGAACTCCAATCATCCTCGTGGGTTGAAAAAGGTAGTGCAAGA
GGACCGAAAAAAAAGAGAAAAAGTTCGGTCGGACATAAAAATCGCAGAACACCCATGAGGT
TGCCTTACTTCAAGCAACGAACAAATAAGGTAATTAAGATTTTTTTTTGTGAATCTACC
GTTCTTAA

--

>Btmar1.8.2_gi-1092436272-gb-MAMS01009266_1-:165625-166381
gi-1092436272-gb-MAMS01009266.1-:165625-166381 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold46539,
whole genome shotgun sequence 757 bp

CATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACACTAAATTTGTTTTCAGCTCGGTATACC
TTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCATGATCATTGTATGAGATGT
TCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGAGTTCGTTAAAGATGAG
GAGCGTGGGAATAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGTACGTGGAAGAAATGCGG
GCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAAAGTCATATTTCTGAAGGC
TCTGTACATACAATTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTTCAGGTACACTTGCC
CCTTGATTGTCGTCCTTTGAACGAAAATCCAACCAATGTCAAATTACCTTTAGCTGCTT
GAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTCGGTGACAATACTTTA

GTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGGTTGAAAAATGTTGT
GCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAATCGCAAAACACCCCTTGA
GGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTACGATTTTTCAAATTTGTGAA
CGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAACGTAATTTGGAC
GCATTGTAGGCTAGTTATGACAAAAATCCGGTTTCTA

--

>Btmar1.8.3_gi-1092455142-gb-MAMS01000117_1-:3884741-3885707
gi-1092455142-gb-MAMS01000117.1-:3884741-3885707 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold382,
whole genome shotgun sequence 967 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAAGTAGCCCAACGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGCTCAC
AGATTTTTATTATTTTGATCAGTGTTAATCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TACGTTTTGCGATTTTCATCATGTGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACCTGTACCGAACTTTTGGTACATGCTAAGTAAAGTTTATCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACTATTCAAACCTGGTCAG
GGGTTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAGTGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATATCTGAACGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTA CTCTTGCCCCTTGATAGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTTAATT
TCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGGTAATTTTC
GGTGACAATACTTTAGTGACGGCTATGATATGGAGATGAACTCCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAAATATCGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGTCAAGTTCGGTCAAACATAAAAATC
GCAAAACACCCCTTGAGGTTCCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATT
TTTCAAGTTTGTGAACGTTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATTTGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTC

--

>Btmar1.8.4_gi-1092455272-gb-MAMS01000090_1-:876687-877656

gi-1092455272-gb-MAMS01000090.1-:876687-877656 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold300, whole genome shotgun sequence 970 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAACTGGATTTTGGTCATAACTAGCCCATAATGCGTCCG
AATTGAGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTTAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCTGTGTTTATTCTGTGTCATCTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTAGCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTTG
TTTTAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAAATGAGGAGCATGGGAATCAACCCTCAACGGCGACTGACATTTATCAC
GAGGAAGAAATGCGGGCAAAAAGTGCTCGAAAATGATCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAATGTCAAAT
TACCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGAGCCTACATTTTGGATAGGATAATTTT
GGTGACAATACTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCCCAAGA
AAACGTAATTTGGATGCATTGTAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGTTTCTAAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.5_gi-1092455060-gb-MAMS01000144_1-:178577-179543

gi-1092455060-gb-MAMS01000144.1-:178577-179543 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold469, whole genome shotgun sequence 967 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTGGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGCAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCATTGTTTATTCTATGTCATCTTGAATACGAGTAAGTTAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCTATCACTAATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTT
GTTTTAACTCGGTATACCTGGTACCGAAAATTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGAGATATTCCCACTGTTTTGAATGAGTTTAAACGATTCAAACTGGTCA

GGAATTTGTCAAAGATGAGGAGCATGGAATCTACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTCCGAGCTTTTGTAGCAGTG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAGTATGTAGACACGAATCGAGT
TTCAGGTATACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAT
GTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATCATTTT
CGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTG
GGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAGT
CGCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTTAAGCCACATACCAACGAAGCCAATTAGGAT
TTGTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTGAATATATTTTACCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATAACAG
ACCTCGT

--

>Btmar1.8.6_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:7752646-7753614
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:7752646-7753614 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 969 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
ATTTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTAGCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACACTAAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAAACTGGTCAG
AAGTTCGTAAAGATGAGGAGCGTGGAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGTAC
GTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAAAGT
CATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCTTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAAT
TACCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTA
GGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTACGCTATCAGAAAAGCTCAAGA

AAACGTAATTTGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.8.7_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:4600522-4601495
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:4600522-4601495 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 974 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTTATAACTAGCGCACAAATGCGTCGA
AATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTTAGAACGCTACGTTTAC
ATATTTGATTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACGTTAAATTTT
GTTTTAACTCGGTATACCTTGACCAAACTTTTGGTATACGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTACTTAAACGATTCAAACTG
GTCAGGAGTCCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTT
GTCACGTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAAC
AGAGTAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATATAGACACGCATC
AAGTTTCAGGTACACTTGCCTCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATAT
CAATTTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAGTGATCCTATATTTTTGGATAGGATAA
TTTTCGGTGACAATATTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACAAAACCTCCAATCGTCCT
TGTGGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAAACAAGTTCGGTGAAACATAA
AAATCGCAAAACACCTTGAGGTTGAATTACTTCAAGCTACATACCAACGAAGCTCATT
GGATTTTTCAAACCTGTGAACGTAGCGTTCTTACGTATAGTTCCAGCTATCAGAAAAGCT
CAAAAAACGTGAATTGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATC
TAACAGACCTCGTA

>Btmar1.8.8_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:6438386-6439353
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:6438386-6439353 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 968 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTGATAACTAGCTTTCTGTGAGTCAA
AATTAAGTTTTCTTGGACTTTTCTGATAGCTGATAACATACTAAAGAACGCTACGTTTAC
AGATTTTGTTTATCTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACAAGGAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGAAAAGATTTCGACATTAAATTTT

GTTTTAACTCGGTATACCTGTACCGAACTTTTGGCATATGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCTCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCACCAACGGCAACTAACATTTGTTAC
GAGGAAGAAGTGCGGGCGAAAGTCTCGAAAATGGTCGTTTTGAGCTTGCTCAACAGTGTA
ATATTTCTGAAGGCTCTGTACATAACAATTTTGATGGAACATGTAGACATGCATAGAGTTT
CAGGCACACTTGCCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACAAAAATCCAACCAAATGTTAATTT
CCCTATAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCG
GTGATAATACTTGAGTGTACGGCTACGATACGGAGACGAACTCCAATCATCCTTATGGA
TTGAAAAATGCAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCG
CAAACACCCAGGAGGTTGCCGTA CTGGAAGCCACATATCAACAAAGCTAATTAAGATTT
TTCAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCAATCAGGAAAAATCAAGAA
AACCTAATTCCGATGCACAATAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.9_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1-:2379148-2380114
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1-:2379148-2380114 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTGGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTTCGA
TTTAGGGTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTAGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCACA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAATAGGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACTAATAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTTTG
TTTTAACTCGGTATAATCTGTACCGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAGA
TCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGAA
GTTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCACGT
GGAAGAAGTGCGAGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTAA
TATTTCTGAAGGCTCTGCACATAACAATTTTGATAGAATATGTAAACACGCATCGAGTTTC
AGGTACACTTGCCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAAATCCAACCAATTGTCAATTC
CCTTAGCTGCTTGAACGTTTTAACAATGATCCTACATTTTTGGATGGGATAATTTTCG
TGAAAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTTGGGT

TCAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAATCGC
AAAACACCCTTGAGGTTGCCTAACTTCAAGCCACATACCAACAAAGCTAATTATGATTTT
TCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTTAATATGTTTTAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAA
ACGTAATTTGGACCCATAGTAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTA

--

>Btmar1.8.10_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1-:799287-800250
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1-:799287-800250 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 964 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAGCCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTAAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTCTGTCATTTTGAATACGAGTAAGTTAGG
TGCATTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACCGATAGAGCAAAGATTCAACATTTAATTTT
GTTTTAACTTGGTATACCTGTACTGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTTTGAGATGTTCCCACTGTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTACAGATGAGGAGCATGGGAATTGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGAAAGAAGTGCGAGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTCGTTGAATAGAG
TATTATTTCTGGAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTATACATTTTGGATAGGATAATT
TTCGGTGACAATACTTTAGTGTACAGCTACGATATGGAAACGAACTCTAATCGTCCTTG
TGGGTTGAAAATTTTAGTGCAAGATCGAAAAAAGAGAGATAAGTTCGATCAAACATAAAA
ATCGCAAAAGATCCTTGAGGTTGCCTTACTTTAAGCCACATACCAACAAAATAATTAGG
ATTTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAAAAAAGCTCAATAAAACG
TAATTTGGACGCATTGAGGGCTACTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAAACCT
CGTA

>Btmar1.8.11_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1-:1812857-1813823
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1-:1812857-1813823 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 967 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTTACTGTGCGTTG

AATTAGGTTTTCTTAGACTTTTCTGATAGCTGACAACATACTAAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTATCATCTTGAATACGAGGACGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATACGATCACTGACAGAGCAAAGATTTAACATTACATTTT
GTTTCAAGCTCGGTATACCTTGTAACGAACTTTTGGTATGCTAAGTAATGTTTACCAAG
ATCATTATAAGAGTTTTTCTCACTATTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAAG
AGTTCGTTGAAGTTGAGGAGCATGGGAATCGACCATCAACGGCAACTAACATTTGTCACG
TGGAAGAAGTGCGGGCAAAGTCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTGTA
TATTTCTGAAGGCTCCGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACATGCATAGAGTTTC
AGAGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACAAAATCCAACCAAATGTTAATTTA
CCTGTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTCCGG
TGATAATACTTGAGTGTACGGCTAAGATACGGAGACGAACTCCAATCATCCTTGTTGGAT
TGAAAAATTTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAATATAAAAAATCGC
AAACACCCATGAGGTTGCCGTACTTGAAGCCACATACCAACGAGGCTAATTAAGATTTT
TCAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAAATCAAAAA
ACTTAATTTGGACGCACAATAGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTA

--

>Btmar1.8.12_gi-1092455529-gb-MAMS01000026_1:-6868567-6869531
gi-1092455529-gb-MAMS01000026.1:-6868567-6869531 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15,
whole genome shotgun sequence 965 bp

TACGAGGTCTATTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTTGCTGTGCGTCCGA
ATTAGGATTTCTTGACTTTTCTGATAGCTGATAACATACTAAAGAACGCAACGTTCACT
GATTTTGTTTATGTTGATTAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGGAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATTATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTTAACATTACATTTTG
CTTTAAGCTCGGTATACCTTGTAACGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAGA
TCGTTATATGAGTTGTTCTCACTATTTTGAGTGGGTAAACGATTCAGAACTGGTCAGGA
GTTTCGTTGAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCATCAACGGCAACTAACATTTGTCACGT
GGAAGAAGTGCGGGCAAAGTCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTGTAAT
ATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACATGCATCGAGTTTCA
GGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACAAAATCCAACCAAATGTTAATTTCCC

TATAGCTGCTGAACGTGCTAACAAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATGCTCGGTG
ATAATACTTGAGTGTACGGCTAAGATATAGAGACGAACTCCAATCATCCTTGTGGATTG
AAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGTGACAAGTTCGATCAAACATAAAAAATCGCAA
AACACCTATGAGGTTGCCGTACTTGAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAAGATTTTTTC
AAATCTGTGGACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGGAAAGATCAAGAAAAC
TAAATTTGGACGCACAGTAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACC
TTGTA

>Btmar1.8.13_gi-1092455529-gb-MAMS01000026_1-:16414-17348
gi-1092455529-gb-MAMS01000026.1-:16414-17348 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15, whole
genome shotgun sequence 935 bp

GGTGATAGCTAGCCCAGTGTGCGTCCGAATTAGGTTTCCTTGGACTTTTCCGATAGCTGA
TAACATATTGAAGAACTAGATTCACAGATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTTTTCTG
TGTCATCTTGAATACGAGTAAGGCAGGAGCGCTCTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGA
CAGAGCAAAGATTTAACATTACATTTTTTTTAACTCTGTATACCTTGTATCGAACTTT
TGGTATACTAAGTAAAGTTTACCAAGATCATTGTATGAGTTGTTCTCACTGTTTTGAATG
GGTTAAACGATTCAAATCTGGTCAGGAGTTCGTGCAAGATGAGTAGCACGGGAATCGACC
ATCAACGGCAACTGACATTTGTACGTGGAAGGAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATAG
TCGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTATAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATTTAATTTTGAT
AGAATATGTAGACATGCATCGAGTTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGA
ACAAAAATCCAAGTGAATGTCAAATTCCTTTAGCTGCTCGAACGTTCTAACAATGATCC
TACATTTTTGGATTGGATAATTTTCGGTGACAATACTTGAGTGTCCGGCTACGATATGGA
GACGAACTCCAATCATCCTTGTGGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAG
ACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCGCAGAACACCCATGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCA
CATAACAACGAAGCTAATTGGGATTTTTTCAAATTTGTGAACGTATCGTTCTTTAGTATA
TTTATAGCTAACAGGGAAGTTCAAGAAAACCTGATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTCATG
ACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.14_gi-1092453165-gb-MAMS01000916_1-:5130930-5131897
gi-1092453165-gb-MAMS01000916.1-:5130930-5131897 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1224,
whole genome shotgun sequence 968 bp

ATACAAGGTCTGTTAGAAATAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTCACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTTATGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTTATTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTGAATACAAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTTT
GTTTTAACTCGGTATACCTTGACCGAACTTTTGTTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAG
ATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGG
AGTTCGTCAAGATGAGGAGTATGGGAATCTACCCTCAACGGCAACTGACATTCGTCACG
TGGAAGAAGTGCGGGCAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTA
ATATTTCTGAAGGCTATGTGCATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTT
CAGGTACACTTACCCCTTGATTGTTGACCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATTT
CCCCTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTCT
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTTGGG
TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCG
CAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACAAAGCTAATTATGATTT
TTCGAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.15_gi-1092455378-gb-MAMS01000055_1-:3964479-3965449
gi-1092455378-gb-MAMS01000055.1-:3964479-3965449 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold226,
whole genome shotgun sequence 971 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCTTAAGTGGCCCAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
CAGATTTTGTTTACTTTGATCAGTGTTTAGTCTGTGTCATCTGAATACGAGTAAGTCAG
GTGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTT
TGTTTTAACTCGGTACACCTTGACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACC
ATGATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAAGCTGGTC
AGGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTC
ACGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGCTGAACAGA

GTAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAG
TTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTCGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAATGTCAA
TTCCCTTTAGCTGCTTCAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGGTAGGATGATTT
TCGGTGACAATACTTCAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGT
GGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAAAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAA
TCGCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTATTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGA
TTTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTGTCAGCTAGCAGAAAAGCTCAA
GAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTA

>Btmar1.8.16_gi-1092455378-gb-MAMS01000055_1-:2990060-2991026
gi-1092455378-gb-MAMS01000055.1-:2990060-2991026 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold226,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACCTATAGAGCCAAGACTCAACATTTAATTTTG
TTTTAACTCGGTATACCTTGTAACAAAACCTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAGA
TCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGA
GTTTCGTCGAAGATGAGGAGTATGGGAATCAACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCACGT
GGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCATTTCGAACTTGTTGAACAGAGTAA
TATTTCTGATGGCTCTGTACGTACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTTC
AGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACAAAAATCCAACCAATGTCAATTTTC
CCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAATAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCGG
TGACAATACTTAAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGGT
TGAAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCGC
AAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATAGCAACAAAGCTAATTATGATTTT
TCAAATTTGTGAACGTAGCGATCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAA
ACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTA

--

>Btmar1.8.17*_gi-1092453251-gb-MAMS01000883_1-:1321074-1322051
gi-1092453251-gb-MAMS01000883.1-:1321074-1322051 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1214,
whole genome shotgun sequence 978 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTGGCCCACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCCGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACATTAC
AGATTTTGTTATTTTGATTAGTGTTTATTCTGTGTCATCTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTAAACATTGAATTTT
TTTTTTAAACTCGGTATACCCTGTACCGAAACTTTTGGTAAATGCTAAGTAAAGTTTACC
ATGATCAATGATCATTGTGCGAGATTTTCCCACTGTTTCGAATGGGTAAACTGTTCAAA
ACTGGTCAGGAGTTCGTCAAAGATGAAGAGCATGGGAATCGACCTTCAACGGCAACTGAC
ATTTGTCACGTGGAAGAAATGCAGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGTGTGTT
GAACAGAGTAATATTTTTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACATG
CATCGAGTTTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAA
ATGTTAAAATCCCTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAAG
ATAATTTTCGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGGAACCTCCAATCG
TCCTTGTTGGGTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAAC
ATAAAAATCGCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTA
ATTAGGATTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTGAATATATTTTCAGCTATCAGAAA
AGCTCAAGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACAGAAATCCGGTTTCT
AATCTAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.18_gi-1092455591-gb-MAMS01000016_1-:877465-878431
gi-1092455591-gb-MAMS01000016.1-:877465-878431 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold132, whole
genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTTACTGTGCGTTCGA
ATTAGGTTTTCTTAGACTTTTCTGATAGCTGACAACATACTAAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGGAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATACGATCACAGACAGAGCAAAGATTTAACATTACATTTTG
TTTCAAGCTCGGTATACCTTGTACCGAAACTTTTGGTATGCTAAGTAATGTTTACCAAGA
TCATTATATGAGTTTTTCTCACTATTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGA

GTTTCGTTGAAGTTGAGGAGCGTGGGAATCGACCATCAACGGCAACTAACATTTGTTACGT
GGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTGTAAT
ATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACATGCATAGAGTTTCA
GAGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACAAAATCCAACCAAATGTTAATTTAC
CTGTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCGGT
GATAATACTTGAGTGTACGGCTAAGATACGGAGACGAAACTCCAATCATCCTTGTGGATT
GAAAAATTTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGATCGGTCAAATATAAAAAATCGCA
AAACACCCATGAGGTTGCCGTACTTGAAGCCACATACCAACGAGGCTAATTAAGATTTTT
CAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCATGGAAAGATCAAAAAA
ACTTAATTTGGACGCACAATAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTA

--

>Btmar1.8.19_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:3456262-3457230
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:3456262-3457230 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTAATAGCTGGAAATATATTTAAGAACGTTACGTTTCGCA
GATTTTATTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTAACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTTTATGAGATGTTCCCACTGTTTGAATGGATTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGATGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCATTTTCGAGCTTGTTGAACAAAAT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAAGCCAACCAAATGTCAATT
TCCCTGTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGGTCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAAAATCCAATCGTCTTTGTGG
GTTGAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCATTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATT

TTTCAAATTTGTGATCGTAGCGTTCTTATATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGCAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.8.20_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:474495-475464
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:474495-475464 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 970 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTTTCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGGTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGTTCACTGATAGAGCAAATATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAACTCGGTACACCTTGTAACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGCATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACTATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGAGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTTTACATACAATTTTGATAGAATATGGAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCTTGATTCTTGTCGGTTGAACGAAAATCCAACCAATGTCATT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAAGATACTTTT
CGGTGAAAATACTGTACTCTACGGCTACGATATGGGGACGAACTCCAATCGTCCTTGTG
GGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGGGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGAT
TTTTCAAATTTGTGAAAGTAGCGTTCTTAAACATATTTCCAGCTATCAGAAAATCTCAAG
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGTGAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

>Btmar1.8.21_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:275017-275982
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:275017-275982 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 966 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTTTTTAGCTTACCTGATAGCTGGAAAGGTACTAAAGAACGCTACGTTTACA
GATTTTGTTATTTTGATCAATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGTGCGTTT
TGCGATTTTCATCATGCGATCATTGATAGAGCAAAGGTTCAACATTAAATTTGTTTTAA

ACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCATGATCAT
TGTATGAGATGTTCCCACTCTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGAGTTC
GTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCACGTGGAA
GAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTAATATT
TCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGTAGAATACCTATGTAGACACGCATCGACTTTCA
GGTACAGTTGTCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCCAATGTCAATTTCC
CTTTAGCTGCTTGAACGTTCCAACAATGATCCTACATTTTGGAAAGGATAATTTTCGGT
GACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTTGGGT
GAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGTTAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCGCA
AAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCTACATACCAACGAAGCTAATTAGAATTCTT
CAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTACCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAA
CGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGAC
CTCGTA

--

>Btmar1.8.22_gi-1092455410-gb-MAMS01000046_1-:373759-374730
gi-1092455410-gb-MAMS01000046.1-:373759-374730 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold20, whole
genome shotgun sequence 972 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATTTCTACCCCACAATGCGTCCA
AATTACGTTTCCTTGAGCTCTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTATTTTATTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATGTTTCATCATGCGATCACTGATAGAACAAAGATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAACTCGGTATACCTTGTACCAAACTTTTGGTATACGCTGAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATATGGGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTCAAACTGGT
CAGGAGTTTGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGATCCTCAACGGCAACTGACATTTGT
CACGTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAG
AGTAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGTAGAATATGTAGACACGCATCGA
GTTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGCCA
ATTTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAGTGATCCTACATTTTGGATAGGATAATT
TTCGGTGACAATATTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACAAAACCTCCAATCGTCCTTG

TGGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGTTGAAACATAATA
ATCGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTCATTAGG
ATTTTCAAACCTTATGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCA
AGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTA
ACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.23_gi-1092455566-gb-MAMS01000020_1-:2755399-2756367
gi-1092455566-gb-MAMS01000020.1-:2755399-2756367 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold14,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTACCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTCTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTTAGTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAACAAAGATTCAACATTGAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCAAACTTTTGGTATACGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGGGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTTGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCAAACCAAATGTCAATT
TCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAGTGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATATTTTAGTGACGGCTACGATATGAAGACAAAACCTCCAATCGTCCTTGTTG
GTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTCTTTAAGATT
TTTCAAACCTTATGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGTTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.8.24_gi-1092447144-gb-MAMS01003641_1-:341004-341980
gi-1092447144-gb-MAMS01003641.1-:341004-341980 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2288,
whole genome shotgun sequence 977 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGACATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTTATTCTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAAGTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTGAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAAAAAGTGCGGGCAATAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTATTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGA
ATCAGGTACACTTGCCCCATGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAT
TTCCCTTTAGCTCCTTGAACGTTCTAACTATGATCCTACATTTTTGGATTGGATAATTTT
CGGTGACAATACTTTAGTGACAGCTACGATACACGTATGGAGACGAAACTCCAATCGTC
CTTGTGGGTTGAAAATTGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACGAGTTCGGTCAAACAT
AAAAATCGCAAAACACCCTTGAGGTTACCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAAT
TAGGATTTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCACCTATCAGAAAA
GCTCAAGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAACCTCCGTTTCTA
ATCTAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.25_gi-1092440704-gb-MAMS01006626_1-:607144-608113
gi-1092440704-gb-MAMS01006626.1-:607144-608113 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3536,
whole genome shotgun sequence 970 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTACCCACAATGCGTCCA
AATTACGTTTTCTTGAGCTCTTTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTTATTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAATAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAACAAAGATTCAACATTGAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCAAACTTTTGGTATACGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGGGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTTGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACAAGCATCGAGT

TTCGGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAGTGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTT
CGGTGACAATATTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACAAAACCTCCAATCGTCCTTATG
GGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTCATTAGGAT
TTTTCAAACCTATGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

>Btmar1.8.26_gi-1092455599-gb-MAMS01000015_1-:1893936-1894903
gi-1092455599-gb-MAMS01000015.1-:1893936-1894903 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold130,
whole genome shotgun sequence 968 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTCACAATGCGTTTCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTTATGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTATTTTATGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACAAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGAGCACTGATAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTTT
GTTTTAAACTCGGTACACCTGTACCGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAG
ATCATTGTATGAGATGTTCCCTCTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGG
AGTTCGTCGAAGATGAGGAGTATGGGAATCTACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCACG
TGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTA
ATATTTCTGAAGGCTATGTGCATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTT
CAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATTT
CCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAAATGATCCTACATTTTTGGAAAGGATAATTTTCT
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAAAACCTCCAATCGTCCTTGTGGG
TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCG
CAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACAAAGTTAATTATGATTT
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.27_gi-1092454766-gb-MAMS01000216_1-:575873-576846
gi-1092454766-gb-MAMS01000216.1-:575873-576846 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold659, whole
genome shotgun sequence 974 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTTATTCTGATTAGTGTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATAAGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTAT
GCTTTAAACTCGGTATACCTCATACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAATGTTTACT
ATGATCATTGTATGAGATGTTTCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTC
AGGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTC
ACGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGA
GTAATATTTCTGAAGGCTCTATGGACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCG
AGTTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATCGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTC
AATTTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAAT
TTTCGATGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATATGGAGACAAAACCTCCAATCGTCC
TTGTGGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAA
AAATCGCAAAACATTCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTGATTT
GGCTTTTTCAAATTTTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCT
CAAGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGGTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATC
TAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.28_gi-1092441631-gb-MAMS01006240_1-:26789-27758
gi-1092441631-gb-MAMS01006240.1-:26789-27758 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold33694, whole
genome shotgun sequence 970 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTTATTCTGATCAGTGTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATACGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTAT
GCTTTAAACTCGGTATACCTTATACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAATGTTTACT
ATGATCATTGTATGAGATGTTTCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTC

AGGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTC
ACGTGAAAGAAGTTCGGGCAAAAAAGCTCGGAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGA
GTCTAATTTCTGAAGGTTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAG
TTTCAGGTACATTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAA
TTCCCTCTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTT
TCGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAAACTCCAATCGTCCTTGT
GGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTGATTAGGAT
TTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCAATGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.29_gi-1092454277-gb-MAMS01000420_1-:636724-637693
gi-1092454277-gb-MAMS01000420.1-:636724-637693 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1063,
whole genome shotgun sequence 970 bp

ATACGATGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
AATTAAGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTTATTCTGATTAGTGTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTAATCATACGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAGCATTAAATTAT
GCTTTAAACTCGGTATACCTTATACCGAAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACTA
TGATCATTGTATGAGATGTTTCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGACA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGAAAGAAGTTCGGGCAAAAAAGCTCGGAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TCTTCTTTCTGAAGGTTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACATTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACATTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTT
CGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGAAGAACTTCAATCGTTCCTGTG
GGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTATTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTGATTTGGAT
TTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG

AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.30_gi-1092454277-gb-MAMS01000420_1-:1470729-1471697
gi-1092454277-gb-MAMS01000420.1-:1470729-1471697 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1063,
whole genome shotgun sequence 969 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTCACAATACGTTTCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGCTCAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATAATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTGAATTTT
GTTTTAACTCTGTAAACCTTGACCCAACTTTTGGTGCATGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGAGATGTTCCCTCTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGCACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAAGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAATGTCAAT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTTGAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATACTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGA
GTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAGAAAAGAGAGACAAGTACGGTCAAACATAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTTAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAGGA
AATCGTAATTTGGACGCAATGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
AACCTCGTA

>Btmar1.8.31_gi-1092428234-gb-MAMS01017304_1-:57-1025
gi-1092428234-gb-MAMS01017304.1-:57-1025 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold82165, whole
genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTCACAATGCATCCGA
ATTAGGTTTTCATGAGTTTTCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTATTTTGATTAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT

GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGAATATGCTAAGTAAAGTTTACTAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATAAGTTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACAGAACTGACATTTGTCAC
GTGAAAGAAGTTCGGGCAAAAAAGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
CCAGGTACATTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAACGTCAATT
TTCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGTTCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATACTTTAGAGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTGATTAGGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGTTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.8.32_gi-1092430170-gb-MAMS01015368_1-:2243053-2244021
gi-1092430170-gb-MAMS01015368.1-:2243053-2244021 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold735,
whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTTACA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTGAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCTACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTTGTCAAAGATGAGAAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTGAAAAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTTTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATT
TCCCTTCAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATGGGATAATTTCC
GGTGACAATACTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCAAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATC

GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACTTACCAACGAAGCTAATTAGGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTCCTAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.8.33_gi-1092454833-gb-MAMS01000205_1-:1655752-1656719
gi-1092454833-gb-MAMS01000205.1-:1655752-1656719 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold641,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTATTTATTTTGATCTGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCCATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACACTAAATTTTG
TTTTAACTCGGTATATCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTCAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATTGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACGCTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATT
TCCCTTAGCTGCTTAAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATACTGTAGTGTATGGCTACGATATGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGG
TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCG
CAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATTT
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTGTAGCTATCAGAAAAGCTCAAAAA
AACCTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACTAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

>Btmar1.8.34_gi-1092443497-gb-MAMS01005456_1-:2625290-2626259
gi-1092443497-gb-MAMS01005456.1-:2625290-2626259 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3040,
whole genome shotgun sequence 970 bp

ATACGGGGTCTGTTAGAAAGAAACCGGATTTTGGTCATAAGTAGCCCAAATGCGTCCG
AATCAGGTTTTCTTGAGCTTCCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC

AGATTTTGTATTTTATTTGATCAATGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACCTTGTGCCGAACTTTTGGTATATGCCAAGTGAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
AGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAT
TTCCTTTAGCTGCTTGAAAGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTT
CGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTG
GATTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGAT
TTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTGATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.35_gi-1092425897-gb-MAMS01019641_1-:6116775-6117746
gi-1092425897-gb-MAMS01019641.1-:6116775-6117746 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold959,
whole genome shotgun sequence 972 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCGCAATGCGTTTCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTATTTTATTTGATCAGTGTTCACTTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAATATTCAACATTAATTTT
GTTTTAAACTCGGTACACCTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTATCA
TGATCATTGCATGAGATGTTCCCACTGTTTTAATGGGTCAAACGATTCAAACTAGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGAGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATATAGACACGCATCGAGT
TTCGGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCATT
TTCCTTTAGCTGCTTGAAAGTTCTAACAATGATTCTACATTTTGGATAGGATAATTTT

CGGTGAAAATACTGTAGTGACGGCTACGATATGGGGACGAACTCCAATCGTCCTTGTG
GGTTGAAAAATGTAGTGTAAGACCGAAAAAAGGGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGAT
TTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAACATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAATTTTGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTA
ACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.36_gi-1092425791-gb-MAMS01019747_1-:8668-9632
gi-1092425791-gb-MAMS01019747.1-:8668-9632 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold370000, whole
genome shotgun sequence 965 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTTACTGTGCGTCCGA
ATTAGATTTTCTAAGACTTTTCTGATAGCTGATAACATATCAAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGGAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATACGATCACTGACAGAGCAAAGATTTAACATTACATTTG
TTTTAAGCTCGGTATACCTTGTAACCGAACTTTTGATATGCTAAGTAAAGTTTACCAAGA
TCATTATATGAGTTGTTCTCACTATTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGA
GTTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCATCAACGGCAACTAACATTTGTCACGT
GGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTGTAAT
ATTTCTGAAGGCTCTGTATATACAATTTTGATAGAATATGTAGACATGCATCGAGTTTCA
GGTACACTTGCCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACAAAATTCAACCAAATGTTAATTTCCC
TGTAGCTGCTTGAACGTTCTAACCATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTCGATG
ATAATACTTGAGTGACGGCTAAGATACGGAGACGAACTCCAATCATCCTTGTGTATTG
AAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCGCAA
AACATCCATGAGGTTGCCGTACTTGAAGCCACATACCAACGAAGCAAATTAAGATTTTTC
AAATCTGTGAACGTGGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGAAAAAATCAAGAAAAC
TTAATTTGACGCACAGTAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACC
TCGTA

>Btmar1.8.37_gi-1092455005-gb-MAMS01000156_1-:661291-662259

gi-1092455005-gb-MAMS01000156.1-:661291-662259 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold506, whole genome shotgun sequence 969 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTTTCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAACTCGGTATACCTTGTAACGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGGATGTTCTCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCACCTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGACTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTATACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTCGCCCCTTGATTGTTTTCCATTGAACGAAAATCCAACAAAATGTCAATT
TCCCTGTAGCTGCTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATTTGATAATTTT
GGTGACAATACTTTAGTGTAACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTTGG
GTAGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGAAAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGGGGTTGCCTTACTTCAAGCCCCATACCAACGAAGCTAATTAGGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.8.38_gi-1092445999-gb-MAMS01004090_1-:1351608-1352576

gi-1092445999-gb-MAMS01004090.1-:1351608-1352576 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2478, whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTTACA
GATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTTATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAACAAAGATTAAACATTAAATTTTG
TTTTAACTCGGTATACCTTGTAACAAAACCTTTTGGTATACGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTGAACTGGTCAG

GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAG
GTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATT
TCCCTTTAGCTGCTTGAACGCTCTAACAGAGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATATTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACAAAACCTCCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTCATTAGGATT
TTTCAAACCTTGTAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGTTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.8.39_gi-1092436347-gb-MAMS01009191_1-:191877-192849
gi-1092436347-gb-MAMS01009191.1-:191877-192849 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4625,
whole genome shotgun sequence 973 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATGTACTGAAGAACGCTACGTTCA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTATGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGTGCAAAGATTCAACATTAAATTTTG
TTTTAAGCTCGGTATACCTTGTAACCGAACTTTTGGTATATGCTTAGTTAAAATTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAGTGCGGGCAGAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCAAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGTATCGAGTT
TCATGTACACTTGCTCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATT
TCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTATCGATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTC
GATTACAATACTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAAATTTAGTACGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACATAAA
AATCGCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTGATTAG

GATTTTTCAAATTTTGAATGTAGCGTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTC
AAGAAAACGTAATTTGGCCGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCT
AACAGACCTCGTA

>Btmar1.8.40_gi-1092437641-gb-MAMS01008105_1-:445981-446948
gi-1092437641-gb-MAMS01008105.1-:445981-446948 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4137,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTTCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTG
TTTAAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGGATGTTCTCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGA
AGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGAATCGACCTCAACGGCACCTGACATTTGTCACG
TGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTA
ATATTTCTGAAGACTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTATACACGCATCGAGTTT
CAGGTACACTCGCCCCCTTGATTGTTTTCCATTGAACGAAAATCCAACAAAATGTCAATTT
CCCTGTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATTTGATAATTTTCG
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGG
TAGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGAAAAATTCCGGTCAAACATAAAAAATCG
CAAACACCCTTGGGGTTGCCTTACTTCAAGCCCCATACCAACGAAGCTAATTAGGATTT
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.41_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1-:5754006-5754976
gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1-:5754006-5754976 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276,
whole genome shotgun sequence 971 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC

AGATTTTGTATTTTATTTGATCAGTGTTTATTCTATGTCATCTTGAATACGATTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAACTCGGTATACCTTGACCGAACTTTTGGTACATGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGAGAATCGACCCTCAACGACAACTGACATTTGTCA
CCTGGAAGAAGTGCAGGCAAAAGTGCTCGAAATTGGTTGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTTGAAGGCTCTACACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACAAAATCCAACCAAATGTCATT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTTTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTT
TCGGTGACAATACTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTTCAATCGTCCTTGT
GGGTTGAAAAATTTAGTGCAAGACCAAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCCACCATAAAAA
TCGCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACAAACCAACGAACCTAATTAGGA
TTTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTACATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAA
GAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAATTATGACCAAATCCGTTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.42_gi-1092428515-gb-MAMS01017023_1-:1854225-1855194
gi-1092428515-gb-MAMS01017023.1-:1854225-1855194 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold809,
whole genome shotgun sequence 970 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTTTCG
AATTAGGTTTCCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTATTTTATTTGATCAGTGTTAATCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TCCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGACAGAGCAAATATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAACTCGGTACACCTTGACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGCATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGAGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTTGAACACTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCATT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACGATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTT

CGGTGAAAATACTGTAGTGACGGCTACGATATGGGGACGAACTCCAATCGTCCTTGTG
GGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGGGAGACAAGTTCGGGCAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGAT
TTTTCAAATTTGTGAACGTAACGTTCTTAAACATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.43_gi-1092455371-gb-MAMS01000058_1-:524248-525217
gi-1092455371-gb-MAMS01000058.1-:524248-525217 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold232, whole
genome shotgun sequence 970 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTACCCCAATGCGTCCA
AATTACGTTTTCTTGAGCTCTTCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTGTTAGTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTCCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAACAAAGATTCAACATTGAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACCTGTACCAAACTTTTGGTATACGCTAAGTAAAGTTTACTA
TGATCATTGTATGGGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTTGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTATATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCAAACCAAATGTCAAT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAGTGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTT
CGGTGACAAAATTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACAAAACCTCCAATCGTCCTTGTG
GGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACTTAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTCTTTAAGAT
TTTTCAAATTATGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGTTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.44_gi-1092442353-gb-MAMS01005939_1-:1337055-1338022
gi-1092442353-gb-MAMS01005939.1-:1337055-1338022 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3236,
whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTCAAGAACGCTACGTTTACA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTATCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTTGT
TTTAAACTCGGTATACCTTGTAACGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCATG
ATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGG
AGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGTCACG
TGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTTGTTTCGAGCTTGTTGAACTGAGTA
ATATTTCTGAAGGCTCCGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTT
CAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCTATTT
ACCTTTAGCTGCTTAAACGTTCTAACACGATCCTACATTTTGGATGGGATAATTTTCG
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGG
TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCG
CAGAACACCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGTCACATACCAACGAAGCTAATTATGATTT
TTCAAATTTGTGAACGAAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATTAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTTTAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.45_gi-1092427769-gb-MAMS01017769_1-:146448-147416
gi-1092427769-gb-MAMS01017769.1-:146448-147416 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold844, whole
genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGCCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTTACA
GATTTTGTTTATATTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAAATTCAACATTAAATTTTG
TTTGAACTTGGTATACCTTGTAACGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAACGTTTACCAT

GATCATTGTATGAGATGTTCCCGCTGTTTTGAATGGGATAAACGATTCAAACCTGGCCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTTAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAGTGCAGGCCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATCTCTGAAGGCTCTGTATATACAATTTTGATAGAATATGTAGACATGCATCGAGTT
TCAGGTACACTCGCCCCTTGATTGTTGTCGATTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATT
TCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATACTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAAACTCCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAAA
AAACGTAATTTGGACGCATAATGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.8.46_gi-1092435969-gb-MAMS01009569_1-:1523684-1524652
gi-1092435969-gb-MAMS01009569.1-:1523684-1524652 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold479,
whole genome shotgun sequence 969 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCATAATGCGTCTA
AATTAGGTTTTTTTGGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTTAC
AGATTTTGTATTTTATTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACAAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAACTCGGTATACCTGTACCGAACTTTTGGTATCCGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTCAAACCTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAATGCGGGCAAAAAGTGTTTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATTGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCACATGTCAAT
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTT
CGGTGACAATACTTTAGTGTAAGGCTACGATATGGAGACGAAACTCCAATCTCCTTGTGG
GTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATT

TTTCAAACCTTGTGAACGTAGCGTTTTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTTTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.8.47_gi-1092455019-gb-MAMS01000152_1-:1277608-1278579
gi-1092455019-gb-MAMS01000152.1-:1277608-1278579 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold499,
whole genome shotgun sequence 972 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
ATTTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTAGCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACACTAAATTTTG
TTTTCAAACCTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTTAAAGATGAGGAGCGTGGAATAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGT
CACGTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAA
AGTCATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGA
GTTTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCTTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCA
AATTACCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATT
TTCGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTG
TGGGTTGAAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAA
ATCGCAAAACACCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTACG
ATTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCA
AGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACAAAAATCCGGTTTCTAATCTA
ACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.48_gi-1092455472-gb-MAMS01000033_1-:303544-304511
gi-1092455472-gb-MAMS01000033.1-:303544-304511 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold176, whole
genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGTGTCCGG
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATAATTAAGAACGCTACGTTACACA

GATTTTGTATTATTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATATGAGTAAGTCAAGT
GCGTTTTGCGATTTTAGCCTGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACATTAAATGTTGT
TTTAAACTCGGTATACCTTGACCGAACTTTTGGTATACGCTAAGAAAAGTTTACCATG
ATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGG
AGTTTGTCAAAAATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTAACGGCGACTGACATTTGTCACG
TGGAAGAAATGCGGGCAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTA
ATATTCGGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCAACGAGTTT
CAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAATT
ACCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTCG
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTTGGG
TTGAAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAATCG
CAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATTT
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.49_gi-1092441201-gb-MAMS01006425_1-:58013-58983

gi-1092441201-gb-MAMS01006425.1-:58013-58983 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3449, whole
genome shotgun sequence 971 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCACAACTAACCCACAATGCGTCCA
AATTAGGTTTTCTTGAGCTCTCCTGATTGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTATTATTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGACTAAGTCAGA
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACCTTGACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACTA
TGATCATTGTATGAGATGTTTCTACTGTTTTGAATGGGTCAAACGATTCAAACTGGCCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTTAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTCCGAGCTTGTCGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTCATAGAATATGTAGACTCGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGCCAAT
TTTCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTT

CGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTACTTGTG
GGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAATTCGGTCAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTGGGA
TTTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCCTAAGTATATTTTAAGCTATCAGGAGAGCTCAA
GAAACCTAATTTGGTCGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.50_gi-1092454785-gb-MAMS01000211_1-:3473564-3474535
gi-1092454785-gb-MAMS01000211.1-:3473564-3474535 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold651,
whole genome shotgun sequence 972 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTTTTGAGCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTTAGAACGTAGCGTTCAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTGTTGCGATTTTCATCATGCGATCGCTGATAGAGCAAAAATTCAACATTAAATTAT
TTTGTTTTAACTCGGTATACCTTGACCGAACTTTTGGTATGTGCCAAAAAAGTTTAC
CATGATCATTGTATGAGATGTTTCCACTGTTTTGAACGGGTAAACGATTTAAAAGTGGT
TAGGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCTATCCTCAACGGCAACTGACACTTG
CACGAGGAAGAAGTGTTGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAG
AGTAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGA
GTTTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCA
ATTTCCCTTTAGCTGCTTGAACATTATAACAATGATCCTACATTCTTGGATAGGATAATT
TTCGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTG
TGGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAACGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAATA
ATCGCAATACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGG
ATTTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCCTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCA
AGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTA
ACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.51_gi-1092454842-gb-MAMS01000203_1-:989894-990861

gi-1092454842-gb-MAMS01000203.1-:989894-990861 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold637, whole genome shotgun sequence 968 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCGCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTTTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTCA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAGGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACTCTGTACCGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAGA
TCATTGTATGAGATGTTCTCACTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGAA
GTTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCACGT
GGAAGAAGTGCGAGCAAAGGTGCCCCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTAA
TATTTCTGAAGGCTCTGCACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTTC
AGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATTTTC
TCTTTAGCTGCTTGAACGTTGTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTCGG
TGACAATACTTTAAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGG
TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCG
CAAAACATCCTTGAGGTTGCCTAACTTCAAGCCACATACCAACAAAGCTAATTATGATTT
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTTAATATATTTTCAGGTATCAGAAAAGATCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCAGTGTGGGCTAGTTCTGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.52_gi-1092427454-gb-MAMS01018084_1-:255829-256797

gi-1092427454-gb-MAMS01018084.1-:255829-256797 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold859, whole genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGTGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTCATAGCTGAAAATATACTCAAGAACGCTACGTTCA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCGGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTTG

TTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGAATGAGATGTTCCCACTGCTTTGAATGGGTAAACTATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGAAGCATGGAAATCGACCCTCAACAGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTCCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGACTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACCCGCATGGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTGAGTGCTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTTAATT
TCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAAGATAATTTTC
GGTGACAATACTTCGGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTTGG
GTTGAAAAATGTAGTGCAAAACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAAGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAATTATAATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGTTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.8.53_gi-1092434920-gb-MAMS01010618_1:-57-1025

gi-1092434920-gb-MAMS01010618.1:-57-1025 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold52350, whole
genome shotgun sequence 969 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTACCCCAATGCGTTCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTCTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAACAAGATTCAACATTAAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCAAACTTTTGGTATACGCTAAGTCTAGTTTGCCAT
GATCATTGTATGGGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTTGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGTAAGTACATTTGTCAC
GTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATT
TCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAGTGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATATTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACAAAACCTCCAATCGTCCTTGTTGG
GTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGGCAAGATCGGTGAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGGTCATTAGGATT

TTTCAAACCTTATGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTCATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

>Btmar1.8.54_gi-1092446811-gb-MAMS01003786_1-:1540746-1541713
gi-1092446811-gb-MAMS01003786.1-:1540746-1541713 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2348,
whole genome shotgun sequence 968 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTTACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTTATGATAGCTGGAAATATACTTGAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACAAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATTACTGATAGAGCAAAGACTCGACATTTAATTTT
GTTTTAACTAGGTATACCTTGTAACCGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAG
ATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGC
AGTTCGTGAAGATGAGGAGTATGGGAATCTACCTCAACGGCAACTGACATTCGTCACG
TGGAAGAAGTGCGGGCAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTA
ATATTTCTGAAGGCTATGTGCATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTT
CAGGTACACTTGCCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATACAACCGAATGTCAATTT
CCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCT
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTTGGG
TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCG
CAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACAAAGCTAATTATGATTT
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.55_gi-1092454772-gb-MAMS01000214_1-:342443-343411
gi-1092454772-gb-MAMS01000214.1-:342443-343411 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold657, whole
genome shotgun sequence 969 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGAATTTTGGTCATAACTAGCCACAATGCGTCCG
ATTCGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTATGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG

TGCGTTTTGCGATTTTAGCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTAAAGATGAGAAGCGTGGAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAAAGT
CATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATATAATATGTAGACACGCATCGAGTT
TCAGGTACACTTGCCCCTTCATTGTTGTCCTTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAAT
TACCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTC
GGTGACAATACTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTTCAATCGTCCTTGTGG
GTTGAAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATC
GCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATT
TTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTTTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGA
AAACGTAATTTGGACGCACTGTAGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACA
GACCTCGTA

--

>Btmar1.8.56_gi-1092454581-gb-MAMS01000286_1-:260162-261131
gi-1092454581-gb-MAMS01000286.1-:260162-261131 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1011,
whole genome shotgun sequence 970 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAATCCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCA
AATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAGGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTCTTACTTTGATCAGTGTTTATTAGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAACAAAGATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACCTTGTACCGAAACCTTTGGTATGCGCTAATTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCATCAAAGATGAGGAACATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA
CGTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCCTCGATTGTTGTCGGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAT
TCCCCTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAGTGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTT

CGGTGACAATATTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGGCTAAACTCCAATCGTCCTTGTG
GATTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAAAGACAAGTTCGGTGAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACAAAGCTCATTAGGAT
TTTTCAAACCTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.57_gi-1092455658-gb-MAMS01000005_1-:761021-761990
gi-1092455658-gb-MAMS01000005.1-:761021-761990 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold111, whole
genome shotgun sequence 970 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTCACAATGCATCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAGGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACTCTGTACCGAAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTCACCAAG
ATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGA
AGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTAGTCACG
TGGAAGAAGTGCGAGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTA
ATATTTCTGAAGGCTCTGCAATTACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTT
CAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCTGTTGAACGAAAATCAAACCAAATGTCAATTT
CCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCG
GTGACAATACTTAAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAAACTCCAATCGTCCTTGTGGG
TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTGCCTAACTTCAAGCCACATACCAACAAAGCTATTTATGAT
TTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.58_gi-1092436272-gb-MAMS01009266_1-:165630-166398
gi-1092436272-gb-MAMS01009266.1-:165630-166398 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold46539,
whole genome shotgun sequence 769 bp

GATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACACTAAATTTTGTTCAGCTCGGTATACCTTGTA
CCGAAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCATGATCATTGTATGAGATGTTCCCA
CTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGAGTTCGTAAAGATGAGGAGCG
TGGGAATAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGTCACGTGGAAGAAATGCGGGCAAA
AGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTGTAACAAAGTCATATTTCTGAAGGCTCTGT
ACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTTCAGGTACACTTGCCCCTTG
ATTGTCGTCCTTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAATTACCTTTAGCTGCTTGAACG
TTCTAACAATGATCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTCGGTGACAATACTTTAGTGTA
CGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGGTTGAAAAATGTTGTGCAAG
ACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAATCGCAAAACACCCTTGAGGTTG
CCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTACGATTTTTCAAATTTGTGAACGTAG
CGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAACGTAATTTGGACGCATT
GTAGGCTAGTTATGACAAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.59_gi-1092454908-gb-MAMS01000185_1-:470151-471121
gi-1092454908-gb-MAMS01000185.1-:470151-471121 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold591, whole
genome shotgun sequence 971 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTACCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTCTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAGGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATGCGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACTGATAGAACAAAGATTCAACATTAAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTGCCAAAACTTTTGGTATACGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGAGTTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCAC
GTGGAAGAGATGCGGGCAAAAAGTGCTCGAAAACGGTCGTTTCGAGCTTGTGTAACAGAGT
AATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGGTAGAATATGTAGACACGCGCATCGAG
TTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTTTCGTTGAATGAAAATCCAACCAAATGTCAA

TTTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAGTGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTT
TCGGTGACAATATTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACAAAACCTCCAATCGTCCTTGT
GGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACATAAAAA
TCGCAAAACAACCTTGAGGCTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACAAAGCTCATTAGAA
TTTTTCAAACCTTGGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAA
GAAAACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CAGACCTCGTA

>Btmar1.8.60_gi-1092454908-gb-MAMS01000185_1-:413788-414755

gi-1092454908-gb-MAMS01000185.1-:413788-414755 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold591, whole
genome shotgun sequence 968 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATGAGAAACCGGATTTTGGTCTTAAGTACCCACAATGCGTCCA
AATTAGGTTTTCTTGAGCTCTTCTGATAGCTGGAAATATACTTAGGAACGCTACGTTAC
AGGCATTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATGCGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACCTGTACCGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCATG
GTCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGG
AGTTCGTCGAAGATGAGGAGTATGGGAATCGACCCTCAATGGCAACTGACATTTGTCACG
TGGAAGAAGTGCAGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTA
ATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTT
CAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAATGAAAATCCAACCAAATGTCAATTT
CCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCG
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACCAAACCTCCAATCGTCCTTGTGGG
TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTGAAACATAAAAAATCG
CATAACACCATTGAGGTTGCCTTACTTTAAGCCACATACCAACAAAGCTAATTATGATTT
TTCAAATTTGTGAGCGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCGAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.61_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1-:1618539-1619505
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1-:1618539-1619505 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAATCGGGT
GCGTTCTGTGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTAACGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAACGAGTTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAGCGGCAACTGACATTATTGTC
ACGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTATTGAACAGA
GTAATATTTCTGAAGGCTCCGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAG
TTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGCCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAA
TTCCATTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGTTAGGATAATTT
TCAGTGACAGTACTTTAGTGTATGGCTACGATACGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGT
GGGTTGAAAAATGTAGTGTAACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCAGTCAAACATACAAA
TCGCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACCTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGA
TTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGACGCATTGCAGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAAC
AGACCTC

>Btmar1.8.62_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1-:63840-64765
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1-:63840-64765 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294, whole
genome shotgun sequence 926 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGTGTCCAA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTAATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GATTTTTTTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACAAGCAAGTTAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATGATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATATAATTTT
GTTTCAAACCTCGGTATACCTTGTAACGAACTTTTGGCATATGCTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGAATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCA

CATGGAAGAAGTGCGGGTAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAG
TAATATTTCTGAAGGCTCTGTGCATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGT
TTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTTAAT
TTCCCTTAAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATTCTACATTTTTGGATAGGATAATTTT
CGGTGACAATACTTTAGTGTACGGCTATGATACGGAGAAGAACTCCAATCGTTCTTGTG
GGTTGAAAAATGTAGTGCAAAACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAAAT
CGCAAAACACCCCTTGAGGTTCCCTTACTTCAAGCCACATACCAACAAAGCTAATTAGGAT
TTTTCAAATTTGTGAACATAGTGTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAG
AAAACGTAATTTGGATGCATTGTGGG

>Btmar1.8.63_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1:398318-399098
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1:398318-399098 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294,
whole genome shotgun sequence 781 bp

GTAAGTCAGATGCGTTTTGCGATTTTCATAATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTTAAC
ATTAGATTTTGTTTTAACTCAGTATACCTTGTCGGAACTTTTGGTTTGCTAAGTAA
GTTTACAAAGATCATTGTATGAGTTGTTCTTACTGTTTGAGTGGATTAAACAATTCAA
ACTGGTCAGGAGTCTGTTGAAGATGAGGAGAACGACCATCAATGGCAACTGACATTTGCA
ACGTGGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCTAAGTTGGTAATTTTGAGCTTGATGAACAGT
GTAATATTTCTGAAGGCTCTGTACGTACAATTTTGATAGAATATGTAGACATGCATCGAG
TTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCGTTGAACAAAAATCCAATAAATGTCAA
TTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTT
TCAGTGACGAACTTGAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTACAATCATCCTTAT
GGGTTGAAAAAGGTAGTGCAAAACCGAAAAAGTTCGGTCAAACATGAAAATCGCAGAACG
CGCACGAGGTTGCCTTACTTCAAGGCATATACCGATGATGCTAATTCAGATTTTTGAAAT
TTATGAAAGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTAACAGGAAAGTTTAAGAAAACCTAA
GTCGGGCGCATTGTGGGCTAGTTGTCACCAAATCCGTTTCTAATGTGAGAGACCTCGT

A

--

>Btmar1.8.64_gi-1092454879-gb-MAMS01000194_1:3065879-3066846
gi-1092454879-gb-MAMS01000194.1:3065879-3066846 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold610,
whole genome shotgun sequence 968 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCAGAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGACAGCTGAAAATATACCTAAGAACGCTACCTTCAC
AGATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTAGCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACATAAAATTTTG
TTTTAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCAT
GATCATAGTACGAGATGTCCCCACGGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTCAAAAATGAGGAGCATGGGCATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGTCAA
GTGGAAGAAATGTGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTT
ATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCAAGTTT
CAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAATT
ACCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCTTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCG
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGG
TTGAAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCAGTCAAACATAAAAAATCG
CAAACACCCCTTGGGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATTT
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

--

>Btmar1.8.65_gi-1092454059-gb-MAMS01000515_1-:1027855-1028821
gi-1092454059-gb-MAMS01000515.1-:1027855-1028821 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1098,
whole genome shotgun sequence 967 bp

TACGAGGTCTGTTGGATTAGAAACCGGATTTTGGTCGTAAGTACTAGCCCAGAATGCGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAAGCTACGTTACAG
ATTTTGTTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTAAATACGAGTAAGTCAGGTG
CGTTTTGCGATTTTAGCATGTGATCACTGACAGAGCAATTATTCAACATAAAATTTTGT
TTAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCATGA
TCATTGTACGAGATGTCCCCACGGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGA
GTTTCGTCAAAAATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGTCACAT
GGAAGAAATGCGGGCCAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTAA
TATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTAATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTTC

GGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAAATTA
CCTTTAGCTGCTCGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCGG
TGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAACATCCTTGTGGGT
TGAAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCAGTCAAACATAAAAAATCGC
AAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAGGATTTT
TCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAA
ACGTAATTTGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGA
CCTCGTA

>Btmar1.8.66_gi-1092455643-gb-MAMS01000008_1-:1901450-1902420
gi-1092455643-gb-MAMS01000008.1-:1901450-1902420 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold118,
whole genome shotgun sequence 971 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
AATTAAGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCCACGTACAC
AGATTTTGCTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTT
GTTTTAAACTCGGTATACCTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTATGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGCATGAGATGTTCCCGCTGTTTTGAATGGGTTGAAGGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGCTGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTG
TCACGTAGAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACA
GAGTAATATTTTTGAAGGCTCTGCACATACAATTCTGATAGAATATGTAGACACGCATCG
AGTTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCTGTTGAACGAAAATCCAACAAAATGTC
AATTTCCCTTTAGCTGCTTGACTGTTCTAACAATGATTCTACATTTTTGGATAGGATAAT
TTTCGGTGACAATACTTTAATGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTT
GTGGGTTGAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAA
TCGCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTGATTAGGA
TTTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCTAGCTATCAGAAAAGCTCAA
GAAAACGTAATTTGGACAAAATTTGGGCTGGTTGTGACCGAAATCCGGTTTCTAATCTAA
CATACCTCGTA

>Btmar1.8.67_gi-1092455643-gb-MAMS01000008_1-:1216460-1217435
gi-1092455643-gb-MAMS01000008.1-:1216460-1217435 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold118,
whole genome shotgun sequence 976 bp

CGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTAGTGATAACTAGCCATGTAAGCGTCCGAAT
TAGGTTTCCTTGGACTTTCCTGACAGCTGATAACATACTAAAGAACGCTAGATTCACAGA
TTTTTTTTATTTTGATCAGTGTTTAATCTGTGTCATCTGGAATACGAGTAAGTCAGGAGC
GTTTTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACAGTAAATTTTGTT
TTAAACTTGGCATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACAAAGATC
ATTGGATGAGTTATCCTCACTGTTTTGAGTGGGTAAAAGATTTAAACTGGTCTGGAGT
TCGTCGAAGATGAGGAGCATGGAAATCGACTATCAACGCGGCAACTGACATTTGTCATGT
GGAAGAGGTGCGGGCAAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTGTA
TATTTCTGAAGGCTCTATACATACAATTTTGATAGAATAAGTAGACATGCATCGAGTTTC
AGGTACAGCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTATCCGTTGAACAAAAATCCAACCAAAT
GTCAAGTTCCTGTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAACGATCCTACATTTTGGATAGGAT
AATTTTCAGTGACAATACTTGAGTGTACGGCTACGATATGAAGACGAACTCTAATCATC
CTTGTGGGTGAAAAAAGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACAT
AAAAATCGCAGAACCCCATGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAAT
TAGGATTTTCAAATTTGTGAAGGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTACCAGGAAAG
CTCGAGAAAACCTAATTCAGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAATCCGGTTTCTAA
TCTAACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.68_gi-1092453391-gb-MAMS01000823_1-:1070576-1071543
gi-1092453391-gb-MAMS01000823.1-:1070576-1071543 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1194,
whole genome shotgun sequence 968 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
ATTTAGGGTTTCTTGAGCTTTTCTGGTAGCTAGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAGGTCAGG
TGCGCTTTCGCGATTTTCAGCATGCGATCACTAATAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTTT
GTTTTAACTCGGTATAATCTGTACCGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAG

ATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAGTGGGTTAAACGATTCAAACTGGTCAGA
AGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCACG
TGGAAGAAGTGCGAGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTA
ATATTTCTGAAGGCTCTGCACGTACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTT
CAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAATTGTCAATTT
CCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATGGGATAATTTTCG
GTGACAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTGTGGG
TTCAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAATCG
CAAAACACCCTTGAGGTTGCCTAACTGCAAGCCACATACCAACAAAGCTAATTATGATTT
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTTAATATGTTTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAA
AACGTAATTTGGACTCATAGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAG
ACCTCGTA

>Btmar1.8.69_gi-1092444565-gb-MAMS01004765_1:-48282-49253

gi-1092444565-gb-MAMS01004765.1:-48282-49253 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2750, whole
genome shotgun sequence 972 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGCCCCG
ATTTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTTAC
AGATTTTGTATTTTATTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTAGCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACACTAAATTTTG
TTTTCAACTCGGTATACCTTGACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCGT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTAAAGATGAGGAGCGTGGAATAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGT
CACGTGGAAGAAATGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAA
AGTCATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATACAATATGTAGACACGCATCGA
GTTTCAGGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCTTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCA
AATTACCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATTGGATAATT
TTCGGTGACAATACTTTAGGGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATCGTCCTTG
TGGGTTGAAAAATGTTGTGCAAGACCGGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAA
ATCGCAAAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGATAATTACG

ATTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCA
AGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACAAAAATCCGGTTTCTAATCTA
ACAGACCTCGTA

>Btmar1.8.70_gi-1092444565-gb-MAMS01004765_1-:310147-311118
gi-1092444565-gb-MAMS01004765.1-:310147-311118 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2750,
whole genome shotgun sequence 972 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGCCCG
ATTTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCCGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTATTTTATTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTAGCATGCGATCACTGACAGAGCAAAGATTCAACACTAAATTTTG
TTTTCAACTCGGTATACCTTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGAAAAGTTTACCGT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAG
GAGTTCGTTAAAGATGAGGAGCGTGGGAATAATCGACCCTCAACGGCGACTGACATTTGT
CACGTGGAAGAAATGCGGGCAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAA
AGTCATATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGA
GTTTCAGGTACATTTGCCCTTGATTGTTGTCCTTTGAACAAAAATCCAACCAAATGTCA
AATTACCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATTGGATAATT
TTCGGTGACAATACTTTAGGGTACGGCTACGATATGGAGACGAAATCCAATCGTCCTTG
TGGGTTGAAAAATGTTGTGCAAGACCGAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAA
ATCGCAAAACACCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTACG
ATTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCA
AGAAAACGTAATTTGGACGCATTGTAGGCTAGTTATGACAAAAATCCGGTTTCTAATCTA
ACAGACCTCGTA

>Btmar1.8.71_gi-1092436163-gb-MAMS01009375_1-:1379819-1380784
gi-1092436163-gb-MAMS01009375.1-:1379819-1380784 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4704,
whole genome shotgun sequence 966 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAAGCGGATTTTGGACATAACTAGCCCACAATTCGTCCGA
ATCAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTAAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTACA
GGTTTTGTTTATTATGATCAGTGTTTATTCTGTCTCATCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCGTTTTGCGATTTTCATGATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTTTG

TTTTAACTCGGTATACCTTGTAACGAACTTTTGGCATATGCTAAGTAAAGTTTACCAT
GATCATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGATTAAACGATTCAAACTGGTCAA
GAGTTCGTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACACGTGTCAC
GAAGAAGTGCGGGCAAAAGTGCTTGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGAAAT
ATTTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTTCA
GGTACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATTTCC
CTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTTTTGGATAGGATAATTTTCGGT
GACAAATACTTTAGTGTACGGCTACGATATGGAGACGAACTCCAATTGAATTGTGGGTT
GAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGATCAAACATAAAAAATCTCA
AAACACCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCCCATACCAACGAAGCTAATTAGGATTTTT
CAAATTTGTGAACGTAGTGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGATAA
TGTAATTTGGACGCTTTGTGGGCTAGTTATGACCAAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGAC
CTCGTA

>Btmar1.8.72_gi-1092455517-gb-MAMS01000027_1-:537496-538464

gi-1092455517-gb-MAMS01000027.1-:537496-538464 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold155, whole
genome shotgun sequence 969 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCTTACCGTGCGTCCA
AATTAGGTTTTCTTGAACCTTCCTGAAACCTGATAACCTACTAAAGAACGCTACGTTAC
TGATGCTGTTTATTATGATCAGTGTTTATAAGTCATTTTGAATACGAGGAAGTCAGGAGC
GTTCTGCGATTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAAAGATTTAACATTCAATTTTGT
TTAAGCTCGGTATACCTTATACCAAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAGATC
ATTGTATGAGTTGTTCTCACTATTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGGGC
TCGTTGAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACTATCAACGGCAAGTAACATTTGCCAAGTGG
AAGAAGTGCCGGCCAAAGTCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTGTAATAT
TTCTGAAGGCTCTGTACATACAATTTTGAAAGAATATGTAGACATGAATCGAGTTTTAGG
TACACTTGCCCCTTGATTGTTATCCGTTGAACAAAAATCCAACCAAATGTTAATTTCCCT
ATAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGATCCTACATTATTGGATAGGATAATTTTCGGTGA
TAATACTTGAGTGTACGGCTACGATACGGAGACGAACTCCAATCATCCTTGTGGATTGA
AACTGTAGTACAAGACAGAAAAAAGAGAGGCAAGTTCGGTCAAACATAAAAAATCGCATA

ACACCCATGAGGTTGCCGTACTTGAAGCCACATACCAACGAAGCTAATTAAGATTTTTCA
AATCTGTGAACGTAGCGTTCTCAAGTATATTTACGGAAAGATATCAGGAAAGATCAAGGA
AAACCTAATTCGGATTTACAGTAGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTATATTCTAATA
GACCTCGTA

>Btmar1.8.73_gi-1092425808-gb-MAMS01019730_1-:2578359-2579330
gi-1092425808-gb-MAMS01019730.1-:2578359-2579330 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold995,
whole genome shotgun sequence 972 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGAATTCGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCTG
AATTAGGTTTTCTTCAGCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTAAAGATCGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTTTCTGTGTCGTCTTGAATACGAGTAAGTCAGG
TACGTTTTGCGATTTTCGTCATGCGGCCACTGATAGAGCAAAGATTCAACATTAAATTT
GTTTTAACTCGGCATACCTGTACCGGAACTTTTGGTAGATACTAAGTAAAGTTTACCA
TGATCATTGTATGAGATATTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCA
GGAGTTCGTCAAAAATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTCACATTTGTCA
CGTGGAAGAACTGCGGGCAAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTCAACAGCG
TATAATATTTCTGAAGGCTCTGTACGTACAATTTTGATAGAGTATGTAGACACGCATCGA
GTTTCAGGTACACTTGCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCA
ATTTCCCTTTAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATTATCCTACATTTTTGGATAGGATAATT
TTCGGTGACAATACTTTAGTGTGCGGCTACGATATGAAGACGAACTCCAATCGTCCTTG
TGGGTTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAA
ATCGCAAAACATCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGATGCTAATTAGG
ATGTTTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCA
AGAAAACGTAATTTGGACACACTGTGGGCTAGTTATGAGCAAAATCCGGTTTCTAATCTA
ACAGACCTCGTA

--

>Btmar1.8.74_gi-1092425808-gb-MAMS01019730_1-:3371810-3372623
gi-1092425808-gb-MAMS01019730.1-:3371810-3372623 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold995,
whole genome shotgun sequence 814 bp

TACGAGGTCTGTTCAATATGAAACCAGATTTTGGTGATAACTAGCCCACAATGCACCCGA
ATTAGGTTTCCTTGGACTTTCCTGATAGCTAATAACATATTGAAGAACGCAAGATTCTCA

GATTTTGTTTCATCTTGATCAATGTTCAATTCTGTATCACCTTGAATACGAGTAAGTCAGGT
GCATTCTGCGATTTTCATGATGCGATTACTGATAGAGCAAAGATTTAACATTACAATTTG
TTTTAAACTCGGTATACCTTGTAAGTCTGAACTTTTGGTATTCTAAGTAAAGTTTACCAAGA
ACATTGAATAAGTTGTTCTCTGTTTTGAGTGGTTCAAACGATTCAAACTGGTCAAGA
GTCTGTCGAAGATGAGGAGCACGGGAATCAACTATCAATGGCAACTGAAATTTGCCACGT
AGAAGAAATGCGAGCAAAGTGCTCGAAAATAGTTGTTTCGAGCTTGCTGAACAGTGTCA
TATTTCTGAAGGCTCCGTACATACAGTTCTGATAGAATATTTAGACATGCATCGAGCTTC
AGGTAACTTGTCCTGATTGCTGCCCCTGAACAAAAATCTAACCGAAAGTCAATTTTC
CCTTAGCTCCTTGATTTTCTAACTCTAATCTACATTTTGGATAGGATAATTTTCGG
TGGCAAACTTGAGTGTACGGCTACGATATGGAATCGAACTCCAATCATCCTCGTGGGT
TGAAAAAGGTAGTGCAAGAGGACCGAAAAAAGAGAAAAGTTCGGTCGGACATAAAAAAT
CGCAGAACCCCATGAGGTTGCCTTACTTCAAGC

--

>Btmar1.8.75_gi-1092454709-gb-MAMS01000236_1-:173658-174625

gi-1092454709-gb-MAMS01000236.1-:173658-174625 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold707, whole
genome shotgun sequence 968 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
AATTAGGTTTTCTTGAGCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCGGTGTTTATTCTGTGTCATCTTGTCGAGTAAGTCAGGTGC
GTTTTGCGACTTTCATCATGCGATCACTGATAGAGCAACGTTTCAACATTAAAATCTGTT
TTAACTCGGTATACCTGTACCGAACTTTTGGTATATGCTAAGTAAAGTTGACCATGAT
CATTGTATGAGATGTTCCCACTGTTTTGAATGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGGAG
TTCGTCAAAGATGAGGAGCACGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCACGTG
GAAGAAATGCGGGCAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAATAGAGTAAT
ATTTCTGAAGGCTCTGTACATACGATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTTCA
GGTACACTTCCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAAATGTCAATTTCC
CTTCAGCTGCTTGAACGTTCTAACAATGGTCCTACATTTTGGATAGGATAATTTTTTCG
GTGAAAATACTTAAGTGCACGGCTACGATATGGAGACGAACCTCCAATCGTCCTTGTGGG

TTGAAAAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAAAGACAAGTTCGGTCAAACATAAACATCG
CAAACATCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAGCGAAGCTAATTAGGATAC
TTCAAATTTGTGAACGTAGCGTTCATTAATATATTTTCAGCTATAAGAAAAGTTCAAGAA
AACGTAATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTGTAATCTAACAG
ATCTCGTA

--

>Btmar1.8.76_gi-1092438384-gb-MAMS01007714_1-:5549-6511
gi-1092438384-gb-MAMS01007714.1-:5549-6511 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold39834, whole
genome shotgun sequence 963 bp

ATACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCG
ATTTAGGGTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTAGAAATATACTTAAGAACGCTACGTTAC
AGATTTTGTTATTTTGATCAGTGTTTATTCTGTGTCATCTGAATACGAGTAGGTCAGG
TGCGTTTTGCGATTTTCAGCATGCGATCACTAATAGAGCAAAGACTCAACATTTAATTT
GTTTTAACTCGGTATAATCTGTACCGAACTTTTGGTATGCTAAGTAAAGTTTACCAAG
ATCATTGTTCTGTTCCCACTGTTTTGAGTGGGTAAACGATTCAAACTGGTCAGAAGTTC
GTCAAAGATGAGGAGCATGGGAATCGACCCTCAACGGCAACTGACATTTGTCACGTGGAA
GAAGTGCGAGCTAAAGTGCTCGAAAATGGTCGTTTCGAGCTTGTTGAACAGAGTAATATT
TCTGAAGGCTCTGCACATACAATTTTGATAGAATATGTAGACACGCATCGAGTTTCAGGT
ACACTTGCCCCTTGATTGTTGTCCGTTGAACGAAAATCCAACCAATTGTCAATTTCCCTT
TAGCTGCTTGAACGTTTTAACAATGATCCTACATTTTTGGATGGGATAATTTTCGGTGAC
AATACTTTAGTGACGGCTACGATATGGAGACGAACTTTAATCGTCCTTGTTGGGTCAA
AAATGTAGTGCAAGACCGAAAAAAGAGAGACAAGTTCGGTCAAACATAAAAATCGCAAAA
CACCTTGAGGTTGCCTAACTTCAAGCCACATACTAACAAAGCTAATTATGATTTTTCAA
ATTTGTGAACGTAGCGTTCCTTAATATGTTTTCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAACGT
AATTTGCACTCATAGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGGTTCTAATCTAACAGACCTC
GTA

>Btmar1.9.1_gi-1092428515-gb-MAMS01017023_1-:2889234-2889888
gi-1092428515-gb-MAMS01017023.1-:2889234-2889888 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold809,
whole genome shotgun sequence 655 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAAGCGAACCAGCGTCGTA

ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAGGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTGGAATAAAGGAAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACCTAAAAAAAACCC
AGGTTTTAAGTTAAAAATTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAAAGGAAATTAA
CATTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATTCTCGCCAGCTTTGTC
GATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGAAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTT
GAACGATAGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTAAAAACGTCG
ACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAGG
TGAATAAGGGGGATGAGGGAGGACACAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGC
GAATTTGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.2_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1-:638493-639028
gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1-:638493-639028 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276,
whole genome shotgun sequence 536 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTATTGGAGATGCTTGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTAAAAATAAAC
CCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAAT
TAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCTTT
GTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAAACTGTTGGAAATCCTCAGG
TTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGGAAACG
TCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAAAAAAAATCACACGGAGCCA

>Btmar1.9.3_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1-:3954251-3954794
gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1-:3954251-3954794 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276,
whole genome shotgun sequence 544 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCAAGCGTTGT
AATGAGGTTTTCTTGGGTTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAAATGCCTGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGCAAACCTACACGCTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATTCAACTTTAAAAAAAAC

CCAGGTTTTAAATTA AAAA CTTCGTTGCTCTTTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAAT
TAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCTTT
GTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTATTGGAAATCCTCAGA
TTTGAATGATCGCAATTCCTACAAGGTGTTCTCTTGGATTCCGGAATGGTTTGAAAACG
TCGACCTTCAAGGTAGATTTAAGTCATGAAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTC
AGGT

>Btmar1.9.4_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1-:4985664-4986203
gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1-:4985664-4986203 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276,
whole genome shotgun sequence 540 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCAAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATACTTGTTTTACA
GAATGCAAAAATTTGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTGG AATAAAGGAAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGTAAAATTTAGATACTACTTAAGAAACCCAG
GTTTTAAGTTAGATACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAAC
ATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATAACCTATCTCTTCAA AATAGTTGCCAGCTTTGTCA
ATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAACTGGGAGAAACACTGTCGGAAATCCGCAGATTG
AATGATCGCAATTCCTACAATGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTCTGA
CCTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAAGTCAGGT

--

>Btmar1.9.5_gi-1092453380-gb-MAMS01000828_1-:70504-71043
gi-1092453380-gb-MAMS01000828.1-:70504-71043 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1195, whole
genome shotgun sequence 540 bp

TACGAGGGCTGTCCCGAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCAAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTAGGTAAGGAACTACACGCTTGG AATAAAGGAAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAAAAAATTTGGATACAACTTAAAAAATAA
ACCCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTCATTCAAATGCTTAAAAATGAGGAA
ATTAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCT
TTGTCGATGCATTTTTGCCGCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAACACTGTTGGAAATCCT

CAGGTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAA
GACGTCGACCATTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCA

--

>Btmar1.9.6_gi-1092454872-gb-MAMS01000195_1-:4060795-4061330
gi-1092454872-gb-MAMS01000195.1-:4060795-4061330 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold613,
whole genome shotgun sequence 536 bp

TACGAGAGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTCTTGTCATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTATTGGAGATGCTTGTTTTTACA
AAATGCAAAAATTCGTCTTGGTGAGGAACTACACGCTTGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACTTAAAAATAAAC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
AACACTTTAAGCAGCTTACCGAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAAACTGTTGGAAATCCTCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGGAAACGT
CGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGGAGCCA

--

>Btmar1.9.7_gi-1092455197-gb-MAMS01000102_1-:4578-5120
gi-1092455197-gb-MAMS01000102.1-:4578-5120 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold337, whole
genome shotgun sequence 543 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCAAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTTTTTGAAGCTGATAAGCTGCTAAAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAAACAACACGCTTGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTATGAAAAATGTAGATACAACTTAAAAAAAACCC
AGGTTTTAAGTTAAAACTTGGTTGATCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTA
TCATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTTGCCAGCTTTGT
CGATGCATTTTTTCCACCGTTTCTTCAACTGCGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAG
GTTTGAATGATCGCAATTCCTACAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAAC
GTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGT
CAG

--

>Btmar1.9.8_gi-1092455411-gb-MAMS01000045_1-:7229083-7229626
gi-1092455411-gb-MAMS01000045.1-:7229083-7229626 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold199,
whole genome shotgun sequence 544 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTAGTAAAGATGATTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAAAAATCC
AGGTTTTAAGTTAAAAATTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTGA
CATTTTAAGCAGCTTTTACCAAGTCATAACCTATCCCCTTCAAATACTTGCCACCTTTG
TCGATGCATTTTTTCCACCGTTTCTTCAACTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGA
TTTGAATGATCTCAATTCCTACAATGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACG
TCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTTTAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTC
AGGT

--

>Btmar1.9.9_gi-1092434463-gb-MAMS01011075_1-:327620-328156
gi-1092434463-gb-MAMS01011075.1-:327620-328156 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5453,
whole genome shotgun sequence 537 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTCTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTATTGGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACTTAAAAATAAACC
CACGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
CACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTT
TGTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAAAACTGTTGGAAATCCTCAG
GTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGGATGGTTTGGAAAC
GTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAATTCGTGGAAATAAAAAAAAATCACACGGAGCCA

--

>Btmar1.9.10_gi-1092455507-gb-MAMS01000028_1-:4477837-4478372
gi-1092455507-gb-MAMS01000028.1-:4477837-4478372 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold161,
whole genome shotgun sequence 536 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTAGTCATAGAAGGCGAACCAAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTTGGAGTAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACTTAAAAATAAAC
CCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAAT
TTACATTTTAAACAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTT
GTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGAAGAAAACTGTTGGAAATCCTCAGG
TTTGAATGATCGCAATTCCTTTAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAATG
TCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCA

--

>Btmar1.9.11_gi-1092444632-gb-MAMS01004733_1-:1196912-1197453
gi-1092444632-gb-MAMS01004733.1-:1196912-1197453 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2737,
whole genome shotgun sequence 542 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAACTGGACTTTTGTCAATTGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATAAAGTTTTCTTGAGCTTGTTGGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTATACGCTTTGGAATAAAGGAAAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAAAACCC
TGGTTTTAAGTTAAAAATTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAA
CATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATAACCTATCCCCTCCAAAATACTCGCCAGCTTTGTC
GATGCATTTTTTCCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGATT
TGAATGATCGCAATTCCTACAATGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTT
GACCTTTCAAGGTAAATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAG
GT

--

>Btmar1.9.12_gi-1092452270-gb-MAMS01001295_1-:646706-647248
gi-1092452270-gb-MAMS01001295.1-:646706-647248 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1374,
whole genome shotgun sequence 543 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGCTTTCTTGAGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTGGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAAATACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAAAAACC
CAGGTTTTAAGTTAAGAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGTAAATT
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGAT
TTGAATGATCGCAATTCCTACAATGTGTTCTCTTGGATTCCGGAATGGTTTGAAAACGT
CGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCA
GGT

--

>Btmar1.9.13_gi-1092452498-gb-MAMS01001200_1-:1080372-1080920
gi-1092452498-gb-MAMS01001200.1-:1080372-1080920 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1335,
whole genome shotgun sequence 549 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCTTTGAAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTAATTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAA
CCCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAA
TTAACATTTTAAGCAGCTTGCCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTT
TGTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCCATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAG
ATTTGAATAATCGCGCGCAATTCCTACAAGGTGTTCTCTTGGATTCCGGAATGGTTTGA
AAACGTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCC
AGGTTAGGT

--

>Btmar1.9.14_gi-1092453165-gb-MAMS01000916_1-:2588225-2588784
gi-1092453165-gb-MAMS01000916.1-:2588225-2588784 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1224,
whole genome shotgun sequence 560 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGTTTGTGTTGAAAGCTGATAAACTACTGAAGATACTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTCAAGAAAAAGAGAGTTTTGATTTCAAGAAAAATTTAGAC
ACAACCTAAAAAAGAAACAGTTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGC
TTAAAAATGAGGAAATTAACATTTTAAGCCGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAA
AATACTCGCCAGCTTTGTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACT
GTTGGAAATCCTCAGATTTGAATGATCGCAATTCCTACAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCG
GAATGGTTTGAAAACGTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAAT
CACACGGAGCCAGGTCAGGT

--

>Btmar1.9.15_gi-1092425808-gb-MAMS01019730_1-:3363985-3364638
gi-1092425808-gb-MAMS01019730.1-:3363985-3364638 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold995,
whole genome shotgun sequence 654 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGGTTGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACTTAAGAAAAAAC
CCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTCATTCAAATGCTTAAAAATGAGGAAAT
TAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCTTTCAAATACTCGCCAGCTTT
TTCGATGCATTTTTGCCACCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAACACTGTTGGAAATCCTC
AGGTTTGAATGATCGCAATTCCTTCGAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGATTTGAAA
ACGTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAG
GTCAGGTGAATAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCGTGGCATTCTTTGCTCAAAATTCGCG
AATTTGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.16_gi-1092436163-gb-MAMS01009375_1-:1546257-1546906
gi-1092436163-gb-MAMS01009375.1-:1546257-1546906 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4704,
whole genome shotgun sequence 650 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCAAGCGTCGTA
GTGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTGCTTTTACA
GAATGCAAAAATTTGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGGTGCGATTTTTGTCTTTATTCAAGAAAAATTTGGATACACCTTTAAAAAAACC
AGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTGTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAAT
TAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACATATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTT
GTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCATCAATTGGAAGAAAGACTGTTGGAAATCCTCGGG
TTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACG
TCGACCTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAATCACACGGAGCCAGGTC
AGGTGAATAAGAGGGGTGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGACAAAAATTCGCGAATT
TGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.17_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:3503104-3503754
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:3503104-3503754 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 651 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGACTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACGCGCTTGGAGTAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTCAAGAAAAATTTGGATACAACTTAAAAATAAAC
CCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCATATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAAT
TAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCCCCAGCTTT
GTTGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAAACTGTTGGAAATCCTCAGG
TTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGATGTTCTTGAATTTCCGGAACGGTTTGAAAACG
TCGACCTTCCAGGTAGATTTAAGTCGCGGAAATAAGAAAAATTACACGAAGCCAGGTC
AGGTGAATAAGGGGAATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGACAAAAATTCGCGAAT
TTGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.18_gi-1092454896-gb-MAMS01000189_1-:1233064-1233598
gi-1092454896-gb-MAMS01000189.1-:1233064-1233598 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold597,
whole genome shotgun sequence 535 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTGGGAAGCTGATAAGGTACTGGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACAAGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTAAAAAAAACC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCAATTCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAACACTGTTGAAAATCCTCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGCTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGT
CGACCTTTCAAGGTAGTTTTAGGTCGTGGAAATAAGAAAAATCACACGGAGCCA

>Btmar1.9.19_gi-1092454896-gb-MAMS01000189_1-:1234530-1235067
gi-1092454896-gb-MAMS01000189.1-:1234530-1235067 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold597,
whole genome shotgun sequence 538 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAAAGGCGAACCGAGCTTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTGGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACAAGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTAAAAAAAACC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
AACATTTTAAGCACCTTACCAAGTCATCACCTATTCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTATTGGAAGAAACACTGTTGGAATCCTCA
GGTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGCTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAA
CGTCGACCTTTCAAGGTAGTTTTAGGTCGTGGAAATAAGAAAAATCACACGGAGCCA

--

>Btmar1.9.20_gi-1092455188-gb-MAMS01000105_1-:4638516-4639063
gi-1092455188-gb-MAMS01000105.1-:4638516-4639063 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold343,
whole genome shotgun sequence 548 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTCGTCTAGAAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTGGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA

GAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTTAAAAAACCC
AGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTA
ACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCTAACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGT
CGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGGAGAAACGCTGTTGGAAATCCTCAGATT
TGAATGATCGCAATTCCTACAAGGTGCACGTGTTCTTGAATTTCCGGAATAGTTTGAA
AATGTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCA
GGTCAGGT

--

>Btmar1.9.21_gi-1092455312-gb-MAMS01000080_1-:2656370-2657019
gi-1092455312-gb-MAMS01000080.1-:2656370-2657019 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold28,
whole genome shotgun sequence 650 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGTAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTAGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTATTGGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAGTAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGGAAAATTTGGATACAACCTAAAAATAAACCC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
AACATTTTAAGCAGATTACTAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TTGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGAAGAAAAACTGTTGGAAATCCTCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATGTCCGGAACGTTTGAAAACGT
CGACCTTTCCAGGTAGATTTAAGTCGCGGAAATAAGAAAAAATTACACGAAGCCAGGTCA
GGTGAATAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCGAATT
TAGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.22*_gi-1092454629-gb-MAMS01000265_1-:482082-482738
gi-1092454629-gb-MAMS01000265.1-:482082-482738 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1003,
whole genome shotgun sequence 657 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTGGTCATAGAAGGCGAAGCAAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGACTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGAAGCTTGTTTTTACA

GAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTAAAAAAACCC
AGGTTTTAAGTTCAAAACCTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTA
ACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCAATTATCCCCTTCAAATACTCGACAGCTTATT
GTCGATGCATTTTTGCCACCGTCTCTTCAATTGCAAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGG
TTTGAATAATCGCAATTCCTTTAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACG
TCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAATCACACGGAGCCAGGTC
AGGTGAATAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTTGCACAAAATTCGCGAAT
TTGGAGGGATGCGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.23_gi-1092445037-gb-MAMS01004535_1-:106080-106721
gi-1092445037-gb-MAMS01004535.1-:106080-106721 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2663,
whole genome shotgun sequence 642 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAAATTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGGGTTACGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTACAAAAACCC
AGGTTCTAAGTGAAAACTTCTTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTA
ACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTAATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGT
CGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTAGAAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTT
TGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGATTTGAAAACGTC
AACTTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAGAAAATCACACGGAGCCAAGTCAG
GTGAATATGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTTGCACAAAATTCGCGAATTT
GGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACC

--

>Btmar1.9.24_gi-1092454801-gb-MAMS01000208_1-:2515007-2515656
gi-1092454801-gb-MAMS01000208.1-:2515007-2515656 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold649,
whole genome shotgun sequence 650 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGACGAACCGAGCGTCGTA

ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATAAACTTAAAAATAAAC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
AACATTTTAGGCAGCTTGCCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAAACTGTTGGAAATCCACAGGT
TTGAATGATCGCAATTTCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGT
CGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGCGGAAATAAGAAAAAATTTACGGAGCCAGGTCA
GGTGAATAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCGAATT
TGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.25_gi-1092454908-gb-MAMS01000185_1:-551881-552422
gi-1092454908-gb-MAMS01000185.1:-551881-552422 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold591, whole
genome shotgun sequence 542 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA
AAATGCAAAAATTCGTATTGGTAAGGAACTACACGCTTGGAATAAAGGAAAGTCGAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATTCAACTTTAAAAAACCC
AGGTTTCAAGTTTAAACTTCGTTGCTCTCTTACTCAAATTTAAAAATAAGGAAATTAAC
ATTTAAGCAGCTTCCAAGTCATCACCTACCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGTCTG
ATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAGCACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTG
AATGATCGCAATTTCTTATACAAGGTGTTCTCTTGGATTTCGGAATGGTTTGAAAACGTC
GACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAG
GT

--

>Btmar1.9.26_gi-1092453732-gb-MAMS01000665_1:-1732785-1733438
gi-1092453732-gb-MAMS01000665.1:-1732785-1733438 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1145,
whole genome shotgun sequence 654 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGT

AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGGTACAACCTTAAAAA
CCCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTACTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAA
TTAACATTTTAAACAGCTTACCAAGTCATCACCAATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTT
TGTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATCGGAAGAACTGTTGGAAATCCTCAG
GTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAAGTGCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAAC
GTCGACCTTTCAAGGTAGATGTAAGTCGTGGAAATAAGACAAAATCATACGGAGCCAGGT
CATAGGTGAATGAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTTGCACAAAATTCGCG
AATTTGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCTTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.27_gi-1092425936-gb-MAMS01019602_1-:330834-331369
gi-1092425936-gb-MAMS01019602.1-:330834-331369 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold946, whole
genome shotgun sequence 536 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTATTGGAGATGCTTGTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTTAAAAATAAAC
CCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAAT
TAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCTTTCAAATACTCGCCAGCTTT
GTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAAACTGTTGGAAATCCTCAGG
TTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGGAACG
TCAACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGGGCCA

>Btmar1.9.28_gi-1092455079-gb-MAMS01000138_1-:787882-788424
gi-1092455079-gb-MAMS01000138.1-:787882-788424 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold455, whole
genome shotgun sequence 543 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAGGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTAGGCTTGTTTGAAAGCTAATAAGCTACTGAATATGCTTGTTTTACA

GAATGCAAAAATTCGTATGGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAATGTCAAAC
TCAAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGACAAATTTAGATACAACTTAAAAAACCCA
GGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAA
CATTTTATAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTTGCCAGCTTTG
TTGTTGCATTTTTGCCACCGTCTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGAT
TTGATTGATCGCAATTCACAGGGTGTTGCTTGGATTTCGGAATGGTTTGAAAACGT
CGACCTTTCAAGGCAAATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAATCACACGGAGCCAGGTCA
GGT

--

>Btmar1.9.29_gi-1092435905-gb-MAMS01009633_1-:569542-570191
gi-1092435905-gb-MAMS01009633.1-:569542-570191 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4818,
whole genome shotgun sequence 650 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCTTTGGAGTAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACTTAAAAATAAACC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
AACATTTTAAGCAGATTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TTGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAAAACTGTTGGAAATCCTCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAACGGTTTGAAAACGT
CGACCTTTCCAGGTAGATTTAAGTCGCGGAAATAAGAAAAAATTACACGAAGCCAGGTCA
GGTGAATAAGGGGGATGAGGGAGAACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCGAATT
TGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATT

--

>Btmar1.9.30_gi-1092436353-gb-MAMS01009185_1-:91991-92626
gi-1092436353-gb-MAMS01009185.1-:91991-92626 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4622, whole
genome shotgun sequence 636 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATGCAGTTTTCTTGGGCAAGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTAAAGATACTTGTTTTTACA
GAATGCATAAATTCGTCTTGTAAGGAACTGCACGCTTTGGAATAAAGGAAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATATAGATACAACCTAAAAAACCCCT
GGTCTTAAGTTGAAAACCTTCGTTGTTCTCTTCAAATGCTTAAAAAAAAGAAAATTA
ACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTACCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTAT
CGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATAGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTT
TGAATGATCGCAATTCCTCAAGGTGCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAACGTC
GACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGGAAAATCACACGGAGCCAGGTCAGA
TGAATAAGGGGGATAAGGGAGGACATTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCGAATTTG
GAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATACAG

--

>Btmar1.9.31_gi-1092453894-gb-MAMS01000592_1:-10001-10537
gi-1092453894-gb-MAMS01000592.1:-10001-10537 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold11199, whole
genome shotgun sequence 537 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAACTGGACTTTGGTCATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTCTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGTTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTAAAAAAAAC
CCAGGTTTTATGTTAAAACTTCGTTGCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAAT
TAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAACCTT
TGTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTGTTCAATTGGAAGAAACACTGTTGGAAATCCACAG
GTTTGAATGATCGCAATTCCTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAAC
GTCGACCTTTCAAGGTAGACTTAAGTCGTGGAAATAAAAAAAATCATTGAGGCCA

--

>Btmar1.9.32_gi-1092440209-gb-MAMS01006820_1:-57075-57609
gi-1092440209-gb-MAMS01006820.1:-57075-57609 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3609, whole
genome shotgun sequence 535 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCTTCGTA

ATGAAGTTTTCTGGGTTTGTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGGTGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCATCTTGGTAAGGAACTACACACTTTGGAATGAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTAAAAATAAACCC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTGGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATC
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTGCTAAATACTCGCTAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGAAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGAT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGT
CGACCTTCCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCA

--

>Btmar1.9.33_gi-1092450413-gb-MAMS01002223_1-:18346-18881
gi-1092450413-gb-MAMS01002223.1-:18346-18881 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17384, whole
genome shotgun sequence 536 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAAAGGCGAACCGAGCGTGGTA
ATGAAGTTTTCTGGGGTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTAGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGGATACAACCTAAAAATAACCC
AGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGTTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTA
ACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGT
CGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGAAAGAAACACTGTTGGAAATCCACAGGTT
TGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTC
GACCCTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAAAAAAAAAATCACACGGAGCCA

--

>Btmar1.9.34_gi-1092428161-gb-MAMS01017377_1-:14385-14919
gi-1092428161-gb-MAMS01017377.1-:14385-14919 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold82463, whole
genome shotgun sequence 535 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAGGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTATTGTTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAGGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATCTCAAGAGATACAACCTAAAAAAAACCCAGGTTTC
AAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGAAAATTAACATTTT

AAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTTGCCAGCTTTGTCGATGCA
GTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGATTTGATTGA
TCGCAATTCCTACAGGGTGTCTCTTGGATTTCGGAATGGTTTGAAAACGTCGACCTTT
CAAGGTAAATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCTGGT

>Btmar1.10.1_gi-1092455158-gb-MAMS01000115_1-:2858892-2859434
gi-1092455158-gb-MAMS01000115.1-:2858892-2859434 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold374,
whole genome shotgun sequence 543 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTCTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTGCCTTGAAAGG
TCGGCGTTTTCAAACATTCCAGAAATTCAAGAGAACACAAGGAATTGCGATCATTCAA
TCTGAGGATTTCCAACAGTGTCTCTCCCAATTGAAGAAATGGTGGCAAAAATGCATCAAC
AAAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTGAAAATGTTA
ATTCCTTATTTTTAAGTATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGA
GTTTTTTTTTAAGTTGTACCTAACTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACT
CGAGTTTGACTTTCCTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGGCA
TTCTGTAAAAACAAGCATCTTCAGTAGCTCATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTT
CATTACAACGCTCGGTTTCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTC
GTA

--

>Btmar1.10.2*_gi-1092455599-gb-MAMS01000015_1-:2613173-2613875
gi-1092455599-gb-MAMS01000015.1-:2613173-2613875 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold130,
whole genome shotgun sequence 703 bp

GAGACGATTACGCGAAAATGTCCGTAGAAAAGGGCCCGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCTG
GTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAAATTCGCGAATTTTGTG
CAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCTTCATCCCCCTTATTCACCTGCCCTGGTTCCCCGTG
ATTTTTCTTATTTCCGCGACTTAAATCTACCTGAAAGGTCGACGTTTTCAAACCATTC
CGGAAATTCAAGAGAACGCCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAAC
AGTGTTTCTCCGCATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATT
TTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTCCTTATTTTTAA

GCATTTGAAGAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGTTTTTGTAAAGTTG
TATCTAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTAT
TCCAAAGCGTGTAGTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCCGTAAAAACAAGCATCT
TTAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCCAGAAACTTCATTACGACGGTCGGTTCGC
CTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.3_gi-1092437712-gb-MAMS01008062_1-:1632397-1632934
gi-1092437712-gb-MAMS01008062.1-:1632397-1632934 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4122,
whole genome shotgun sequence 538 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTATTCTTATTCCACGACTTTTACCTTGAAAGGTCG
ACGTTTTCAAACCATTCGAAAATTCAAGAGAACACCTGTAGGAATTGCGATCATTCAA
ATCTGAGGATTTCCAACAGTGTTTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGAATCG
ACAAAGCTGGCGAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGAAGCTGCTTAAATGT
TAATTCCTTATTTACAAGCATTTGAATGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTGAAACCTCG
GTTTTTTTTAAGTTGTATCTAAAGTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTG
ACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAGTTTTTGCATTCTGTAA
AAATAAGCATCTTCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCAAAGAAACTTCATTACGA
CGCTCGGTGATCGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTAC

--

>Btmar1.10.4_gi-1092428515-gb-MAMS01017023_1-:2889888-2890415
gi-1092428515-gb-MAMS01017023.1-:2889888-2890415 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold809,
whole genome shotgun sequence 528 bp

TGGCTCCGTGTGATTTTTTCTTATTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTT
TTCAAACCATTCAGAAATTCAAGAGAACACCTCGAAGGAATTGCTATCGTTCAAACCTG
AGGATTTCCAACAGTGTTGCTTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAAG
CTTGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGAAGCTGCTTAAATGTTAATTT
CCTTATTTTTAAGCATTTGAATGAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGTTT
TTTTAAGTTGTATCCAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGAC

TTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAA
ACAAACATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACTTCATTACGACG
CTCGGTTCGTCTTCTATGACGAAAGTCCGGTTTCTTTTAGGACAGCCC

>Btmar1.10.5_gi-1092449997-gb-MAMS01002403_1-:899725-900263
gi-1092449997-gb-MAMS01002403.1-:899725-900263 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1805,
whole genome shotgun sequence 539 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGG
TCGACGTTTTCAAACCATTCCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGTAGGAATTGGGATCATT
CAAATCTGAGGATTTCCGACATTGTTTCTCCCAGTTGAAGAACAGTGGAATAATGCATC
GACAAAGCTGGCGAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTAGTGTAAGCTGCTTAAAA
TTTTAATTTCTTATTTTTAAGCATTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAAA
CCTGGGTTTTTTAAGTTGTATCTAAATTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAG
TTTGACTTTCCTTTATTCCAAAGTGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCT
GTAAAAACAAGCATCTTCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACTTCATT
ACAACACTCGGTTTCGCTTCTATAAGAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTGGTA

--

>Btmar1.10.6_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1-:639028-639676
gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1-:639028-639676 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276,
whole genome shotgun sequence 649 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCGAATTCGCGAA
TTTTGTGCAAAGAATGCCGTGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTGACCTGACT
CCGTGTGATTTTTTTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTCCAAA
CCATTCCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATT
TCCAACAGTTTTTCTTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCG
AGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGTAAGCTGCTTAAATGTTAATTCCTTAT
TTTTAAGCATTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGTTTATTTTT
AAGTTGTATCCAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTC
CTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAAACAA

GCATCTCCAATAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTCG
GTTTCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.7_gi-1092453380-gb-MAMS01000828_1-:71043-71697
gi-1092453380-gb-MAMS01000828.1-:71043-71697 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1195, whole
genome shotgun sequence 655 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCGCGAA
TTTTGCGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTGACCTGGCT
CCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTCAA
ACCATTCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGAT
TTCCAACAGTGTTCCTCAATTGAAGAAACGGTGCGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTG
GCGAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTAAATTTCTT
CATTTTAAAGCATTTGAATGAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGTTTATT
TTTTTAAAGTTGTATCCAAATTTTTTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTG
ACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAA
AAACAAGCATCTCCAGTAGGTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCACTACGA
CGCTCGGTTTCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.8_gi-1092454872-gb-MAMS01000195_1-:4061330-4061979
gi-1092454872-gb-MAMS01000195.1-:4061330-4061979 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold613,
whole genome shotgun sequence 650 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCGCGAA
TTTTGTGCAAAAATGCCGTGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTGACCTGACT
CCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTCAA
ACCATTCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGAT
TTCCAACAGTTTTTCTTCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCTACAAAACCTGGC
GAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTCGGTAAGCTGCTTAAAATGTAAATTTCTTA
TTTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGTTTATTTT
TTAGTTGTATCCAAATTTTTCTTGAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTT
CCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTTTGTA AAAACA

AGCATCTCCAATAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTC
GGTTCGCCTTCTATGACAAGAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.9_gi-1092454837-gb-MAMS01000204_1-:186215-186756
gi-1092454837-gb-MAMS01000204.1-:186215-186756 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold64, whole
genome shotgun sequence 542 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATTTACCTTGAAAGG
TCGACGTTTTCAAACCATTCGGAAATCCAAGAGAACACCCTGTAGGAATTGCGATCAAT
CAAATCTGAGGATTTCCAACAGTGTTTCTCCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCAT
CGACAAAGCTGGCAAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAT
GTTAATTTCTTATTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAC
CTGGGTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAATTTGTCTTGAGATGAAGACAAAATCGCAACTC
GAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAATACGAATTTTTCAT
TCTGTAAAAACAAGCATCTTCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTC
ATTACGACGCTCGGTTCGCCCTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCG
TA

--

>Btmar1.10.10_gi-1092434463-gb-MAMS01011075_1-:328156-328805
gi-1092434463-gb-MAMS01011075.1-:328156-328805 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5453,
whole genome shotgun sequence 650 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCGAATTCGCGAA
TTTTGTGCAAAGAATGCCGTGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTGACCTGACT
CCGTGTGATTTTTTTTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTCAA
ACCATTCCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGAT
TTCCAACAGTTTTTCTTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGC
GAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAATGTTAATTTCTTA
TTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACGTGGGTTTATTTT
TAAGTTGTATCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTT
CCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAAACA
AGCATCTCCAATAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTC

GGTTCGCCTTCTATGACAAGAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.11_gi-1092455507-gb-MAMS01000028_1-:4478372-4479021
gi-1092455507-gb-MAMS01000028.1-:4478372-4479021 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold161,
whole genome shotgun sequence 650 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCGCGAA
TTTTGTGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCACCCCCTTATTCACCTGACCTGGCT
TCGTGTAATTTTTCTTATTTCCGCGACTTAAATCTACCTGGAAAGGTCGACGTTTTCAA
ACCGTTCCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGAT
TTCCAATAGTTTTCTTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCAACAAAGCTGGC
GAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAATCTGCTTAAAATGTTAATTTCTTA
TTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGTTTATTTT
TAAGTTGTATCCAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAATTTGACTTT
CCTTTACTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTATCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAAACA
AGCATCTCCAATAGCTTATCAGCTTTCAGACAAGCCCAAGAAAACCTCATTACGACGCTC
GGTTCGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.12_gi-1092455566-gb-MAMS01000020_1-:8219594-8220137
gi-1092455566-gb-MAMS01000020.1-:8219594-8220137 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold14,
whole genome shotgun sequence 544 bp

ACCTTACCTGGCTCCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTAAAAGG
TCGAAGTTTTTCAGACCATTCCGGAATTCAAGAAAACATCTTGTAGGAATTGCGATCATT
CAAATCTGAGGATTTCCAACTAGTGTTCTCCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCA
TCGACAAAGCTGGCGAGTATTTGAAGGGGATATGTTATGACTTGGTAGGCTGCTTAAAA
TGTTAATTTCTTATGTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAA
CCTGGGTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAATGTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACT
TCAGTTTGACTTTCCTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTGCCAATACGAATTTTGCA
TTCTGTAAAAACAAGCATCTTCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCTCAAGAAAACCT
CATTACGACGCTCGGTTTCGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTCTTTTGGGACAGCCCTC
GTAC

--

>Btmar1.10.13_gi-1092425808-gb-MAMS01019730_1-:3364638-3365175
gi-1092425808-gb-MAMS01019730.1-:3364638-3365175 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold995,
whole genome shotgun sequence 538 bp

TGGCTCCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCAACGTT
TTCAAATCATTCCGGAAATTCAAGAGAACACCTCGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTG
AGGATTTCCAACAGTGTTTCTTCCAATTGAAGAAACGGTGGTGGCAAAAATGCATCGAAA
AAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTAA
TTTCCTCATTTTTAAGCATTTGAATGAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGG
TTTTTCTTAAGTTGTATCCAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGT
TTGACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTTGCATTCTG
TAAAAACAACCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTA
CGACGCTCGGTTGCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.14_gi-1092436163-gb-MAMS01009375_1-:1546906-1547441
gi-1092436163-gb-MAMS01009375.1-:1546906-1547441 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4704,
whole genome shotgun sequence 536 bp

TGGCTACGAGTGATTTTTTCATATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTT
CTCAAACCATTCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCCG
AGGATTTCCAACAGTCTTTCTTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAG
CTGGCGAGTATTTTGAAGGGAATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTT
CCTTATTTTTAAGCATTTGAATAAGAGACAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGT
TTTTTTAAGTTGTATCGAAATTTTTCTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTG
ACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCTTTACCAAGACGAATTTTTGCATTGTGTAA
AGAGCAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCTCAAGAAAACCTCATTACGA
CGCTCGGTTGCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTAC

--

>Btmar1.10.15_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:3503754-3504288
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:3503754-3504288 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 535 bp

TGGCTCCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACCTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACATT
TTCAAACCATTTTCGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTG
AGGATTTCCAACAGTTTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAG
CTGGCGAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTAAATTT
CCTTATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGTTT
ATTTTAAAGTTGTATCCAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTG
ACTTTCCTTTACTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAA
AAACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTCATTACGA
CGCTCGGTTTCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

>Btmar1.10.16_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:183806-184350
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:183806-184350 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147, whole
genome shotgun sequence 545 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGG
TCGACGTTTTCAAACCATTCGGAATTCAAGAGAACACCTTGTAGGAATTGCGATCATT
CAAATCTGAGGATTTCCGACATTGTTTCTCCAGTTGAAGAACGGTGGAAAAAATGCAT
CGACAAAGCTGGCGAGTATTTGGAGGGGATAGGTGATTGGTGTAAGCTGCTTAAATG
TTAATTCCTTATTTTAAACATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAACC
TGGGTTTTTTAAGTTGTATCTAAAATTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGA
GTTGGACTTTCCTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTC
TGTA AAAACAAGCATCTTCAGTAGCTTATCACCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTCAA
TAGGTACGACACTCGGTTTCGCTTCTATGAGAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCT
CGTAC

--

>Btmar1.10.17_gi-1092454896-gb-MAMS01000189_1-:1235067-1235718
gi-1092454896-gb-MAMS01000189.1-:1235067-1235718 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold597,
whole genome shotgun sequence 652 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACAATAATGCACCTGCCTATGCATCCCTCCAAATTCGCGAA
TTTTGTGTAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTATTACCTGACCTGACT
CTGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTCAA

ACCATTCCGGAAATTCAAGAGAGCACCTTAAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGAT
TTCCAACAGTGTCTTCTCCAATAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCT
GGCGAGTATTTTGAAGGGAATAGGTGATGACTTGGTAAGGTGCTTAAAATGTTAATTTC
TTATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGTTTTT
TTTAAGTTGTATCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACT
TTCCTTTATTCCAAAGCTTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAA
CAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTCATTACGAAGC
TCGGTTCGCCTTCTACGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.18_gi-1092455225-gb-MAMS01000096_1-:4735065-4735607
gi-1092455225-gb-MAMS01000096.1-:4735065-4735607 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold322,
whole genome shotgun sequence 543 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTTTCTGGTTCCACGACTTAGATCTACCTTGAAAGG
TCGACGTTTTTAAACCATTCCAGAAATCCAAGAGAACACCTTGTAGGAATTGCAATCATT
CAAATCTGAGGATTTCCAACACTGTTTCTCCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCAT
CGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAAT
GTTAATTTCTTATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTGAAAAC
CTGGGTTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACT
CGAGTTTGACTTTCCTCTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGA
TTCTGTAAAAACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTCAAACAAGCTCAAGAAAACCT
CATTACGACGCTCAGTTCGCCATCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTC
GTA

--

>Btmar1.10.19_gi-1092455371-gb-MAMS01000058_1-:3033980-3034520
gi-1092455371-gb-MAMS01000058.1-:3033980-3034520 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold232,
whole genome shotgun sequence 541 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTTTTCTTATTTCCACGACTTGAATCTACCTTGAAAA
GGTCGACGTTTTCAAACCATTCCGGAAATTCAAGAGAACACATTGTAGGAATTGCGATCA
TTCAAATCTGAGGACTTCCAACAGTGTCTCCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGC

ATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTTTAAAGGGATAGGTTATGACTTGGTAAGCTGCTTAAA
ATGTCAATTCCTTGTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGAAACGAATTTTAACTTAAAA
CCTGGGTTTTTTAAGTTGTATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTC
GAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAGGACGAATTTTGCAT
TCTGTAAAAACAAGCATCTTTAGTAGCCTATCAGCTTTCAAAAAGCCCAAGAAAACTTCA
TTACGACGCGCGGTTTCGCTTCTATGACAAAAATCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGT
A

--

>Btmar1.10.20_gi-1092455312-gb-MAMS01000080_1:-2657019-2657554
gi-1092455312-gb-MAMS01000080.1:-2657019-2657554 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold28,
whole genome shotgun sequence 536 bp

TGGCTCTGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACATT
TTCAAACCATTCGGAAATTCAAGAGAACACTTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTG
AGGATTTCCAACAGTTTTTCTTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAG
CTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTAGCTTAAAATGTAAATT
TCCTATTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGT
TATTTTAAAGTTGTATCCAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTT
GACTTTCCTTTACTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTA
AAAACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACTTCATTACG
ACGCTCGGTTTCGCTTCTATGACTAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.21_gi-1092445037-gb-MAMS01004535_1:-322389-323042
gi-1092445037-gb-MAMS01004535.1:-322389-323042 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2663,
whole genome shotgun sequence 654 bp

AATTCCTGTTTCTGCATCAAGATAATGCACCTGCCATGCATCCCTCAAATTCGCGAA
TTTTGTGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTCATTACCTATGACCTGG
CTCCGTGTGATTTTGTCTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTTC
AAACCATTCGGAAATTCAAGAGAGCACTTCGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGG

ATTCCAACAGTGTCTTCCGATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTG
GCGAGTATTTTGAATGGGATTGGTGATGACTTGGTAAGCTGTTTAAAATGTTAATTCCT
TATTTTAAAGCATTTGAGTAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGTTTTTT
TTTTAAAGTTGTACCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGA
CTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAA
AACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTCATTACGAC
GCTCGGTTGCGCTTCTATGACAAAAGTCCGTTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

>Btmar1.10.22_gi-1092445037-gb-MAMS01004535_1-:110926-111567
gi-1092445037-gb-MAMS01004535.1-:110926-111567 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2663,
whole genome shotgun sequence 642 bp

GGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCGCGAATTTTGTG
CAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCATATTGACCTGACTTGGCTCCGTGTG
ATTTTCTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTGAAAAGTTGACGTTTTCAAATCATT
CGGAAATTCAAGAGAACACCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAAC
AGTGTCTCTTCTAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATT
TTGAAGGGGATAGGTGATTACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTCCTTATTTTTAA
GCATTTGAATAAGAGAGCAAAGAAGTTTTTCACTTAGAACCTGGGTTTTTTGTAAGTTGT
ATCCAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACCCGAGTTTGACTTTCCTTTATT
CCAAAGCGTGTAATTTCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAAACAAGCATCTC
CAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTCATCACGACGCTCGGTTTCGCC
TTCTATGACAAAAGTCAGGTTTTCTTTGGGACAGCCCCCGTA

--

>Btmar1.10.23_gi-1092454801-gb-MAMS01000208_1-:2515656-2516189
gi-1092454801-gb-MAMS01000208.1-:2515656-2516189 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold649,
whole genome shotgun sequence 534 bp

TGGCTCCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAGGTCGACGTT
TTCAAACCATTCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGAAATTGCGATCATTCAAACCTG
TGGATTTCTAACAGTTTTTCTTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAG

CTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGCAAGCTGCCTAAAATGTTAATTT
CCTTATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGTTT
ATTTTAAAGTTTTATCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGA
CTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAA
AACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAACTTCATTACGAC
GCTCGGTTCTGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.24_gi-1092438700-gb-MAMS01007559_1-:105498-106039
gi-1092438700-gb-MAMS01007559.1-:105498-106039 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold39221,
whole genome shotgun sequence 542 bp

ACCTGAACGGCTCGGTGTGATTTTTCTTGTTCACGACTTAAATTTACCTTGAAAGGT
CGACGTTTTCAAACCATTCGGGAAATCCAAGAGAACACCCTGTAGGAATTGCGATCAATC
AAATCTGAGGATTTCCAACAGTGTTCCTCCAATTGAAGAAACAGTGGCAAAAATGCATC
GACAAAGCTGGCAAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAATG
TTAATTCCTTATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAC
TGGGTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAATTTGTCTTGAGATGAAGACAAAATCGCAACTCG
AGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAATACGAATTTTGCATT
CTGTAAAAACAAGCATCTTCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAACTTCA
TTACGACGCTCGGTTCCGCTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGT
AC

--

>Btmar1.10.25_gi-1092453732-gb-MAMS01000665_1-:1733438-1733973
gi-1092453732-gb-MAMS01000665.1-:1733438-1733973 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1145,
whole genome shotgun sequence 536 bp

TGGCTCCGTATGATTTTGTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTT
TTCAAACCATTCGGGAAATCAAGAGAACACTTTGAAGGAATTGCGATCATTAACCTG
AGGATTTCCAACAGTGTTCCTCCGATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAG
CTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATTGGCGATGACTTGTAAGCTGCTTAAATGTTAATTTT
CTTATTTTAAAGTATTTGAGTAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGTTT

TCTTTTAAAGTTGTATCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTT
GACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTA
AAAACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACG
ACGCTCGGTTTCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.26_gi-1092425936-gb-MAMS01019602_1-:331369-332018
gi-1092425936-gb-MAMS01019602.1-:331369-332018 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold946, whole
genome shotgun sequence 650 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCGCGAA
TTTTGTGCAAAGAATGCCGTGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTGACCTGACT
CCGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTCAA
ACCATTCGGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAAGAATTGCGATCATTCAAACCTGAAGAT
TTCCAACAGTTTTTCTTCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGC
GAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTCTTA
TTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGTTTATTTT
TAAGTTGTATCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTT
CCTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAAACA
AGCATCTCCAATAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTC
GGTTCGCCTTCTATGACAAGAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.27_gi-1092435905-gb-MAMS01009633_1-:570191-570725
gi-1092435905-gb-MAMS01009633.1-:570191-570725 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4818,
whole genome shotgun sequence 535 bp

TGGCTCCGTGTGATTTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTATCTTGAAAGGTCGACATT
TTCAAACCATTCGGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAAGAATTGCGAACATTCAAACCTG
AGGATTTCCAACAGTTTTTCTTCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCAACAAAG
CTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGAATCTGCTTAAAATGTTAATTT
CCTATTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTCAAAACCTGGGTTT
ATTTTTAAGTTGTATCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTG
ACTTTCCTTTACTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAA

AAACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCTCAAGAAAACCTTCATTACGA
CGCTCGGTTTCGCCTTCTATGACTAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.28_gi-1092453894-gb-MAMS01000592_1-:10537-11188
gi-1092453894-gb-MAMS01000592.1-:10537-11188 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold11199, whole
genome shotgun sequence 652 bp

AATTCCTGGTTTCGGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCGCGAA
TTTTGTGCCAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCTTATTACCTGACCTGGCT
CCGAGTGATTTTTTTTTATTTCCACGACTTAAGTCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTCAA
ACCATTCCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGTGGAT
TTCCAACAGTGTTTCTTCCAATTGAACAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGGTTGG
CGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAATGTTAATTCCTT
ATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACATAAAACCTGGGTTTTTTT
TTAAGTTGTATCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACT
TTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAAA
CAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAACTTCAAACAAGCCCAAGAAGACTTCATTACGACGC
TCGGTTCGCCTTCTATGACCAAAGTCCAGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.29_gi-1092440209-gb-MAMS01006820_1-:57609-58258
gi-1092440209-gb-MAMS01006820.1-:57609-58258 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3609, whole
genome shotgun sequence 650 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATCCGCGAA
TTTTGTGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCACTCATCCCCTTATTACCTGACCTGGCT
CCGTGAGATTTCTTCTTATCTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTCAA
ACCATTCTGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGAAT
TTCCAACAGTATTTCTTCCAATTGAAAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGC
AAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAATGTTGATTCCTTA
TTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAACACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGTTTATTTT
TAAGTTGTATCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATTGCAACTCGAGTTTGACTTT
CCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTGAAAACA

AGCACCTCCAGTAACTTATCAGCTTTCAAATAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTC
GGTTCGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGATAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.30_gi-1092442381-gb-MAMS01005928_1-:58-685
gi-1092442381-gb-MAMS01005928.1-:58-685 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold32319, whole
genome shotgun sequence 628 bp

GATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTGGCGAATTTGTGCAAAGAATGCCATG
AGTGTCTCCTCATCCCCCTTATTCACCTAACCTGGCTCCGCGTGATTTTTTATTATTC
CCACAACCTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTCAAACCATTCCGGAAATTCAAGAG
AACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTCCTACAGTGTTTCTCCCAA
TTGAAGAAACAGTGGCAAAAATGCATTGACAAAGCTGGCGAGTATTTGAAGGGGATAGG
TGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTCCTTATTTTAAGCATTTGAATGAGA
GCAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGTTTTTTAAGTTGTATTGAAATTTTCTTGA
AATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTCGACTTCTTTTATTCCAAAGCGTGATGTTTC
CTTACCAGGACGAATTTTTGCATTCTGTAAAAACCAGTATCTCCAATAGCGTATCAGCTT
TTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTCGGTTTCGCCCTCTTATGACAAAAG
TCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

>Btmar1.10.31_gi-1092450413-gb-MAMS01002223_1-:18881-19516
gi-1092450413-gb-MAMS01002223.1-:18881-19516 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17384, whole
genome shotgun sequence 636 bp

AATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCGCGAA
TTTTGTGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCTCATCCCCCTTATTCACCTGACTTGGCT
CCGTGTGATTTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTCAA
ACCATTCCGGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCCGTGGAT
TTCCAACAGTGTTTCTTCAAGTTGAAGAAACGGTGGCAAAGCTGGCGAGTATTTGAAGG
GGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTCCTTATTTTAAGCATTTG
AATAAGAGAGCAACGAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGTTCTTTTTAAGTTGTATCCAA
ATTTATCTTGATATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAAG
CGTGTAGTTTCTTACCAAGACGAATTTTTGGATTCTGTAAAAACAAGCATCTCCAGTAG
CTTATCAGCTTTCAAACAACCCCAAGAAAACCTTCATTACCACGCTCGGTTTCGCCTTCTAG

GACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.10.32_gi-1092454665-gb-MAMS01000250_1-:120198-120740

gi-1092454665-gb-MAMS01000250.1-:120198-120740 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold87, whole genome shotgun sequence 543 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTTTCTATTTCATGACTTAAATCTACCTGAAAGG
TCGACGTTTTCAAACCATTCGGAAATCCAAGAGAACACCTGTAGGAATTGCAATCATT
CAAATCTGAGGATTTCCAACAGTGTCTCCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCAT
CGACAAAGCTGGCGAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAT
GTTAATTCCTTATTTTAAAGCATTTGAATAAAAGAGCAACGAAGTTTTTAATTTAAAC
CTGGGTTTTTTTAAAGTTGTATCCAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACT
CGAGTTTGACTTACCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTGCTTACCAAGACGAATTTTGCAT
TTTTGTAAAAACAAGCATTTTCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCT
CATTACAACGCTTGCTTCGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTC
GTA

>Btmar1.10.33_gi-1092430114-gb-MAMS01015424_1-:50414-50954

gi-1092430114-gb-MAMS01015424.1-:50414-50954 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold737, whole genome shotgun sequence 541 bp

ACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTTCACTTATTCCACGACTTAAATCTACCTGAAAGG
TCGACGTTTTCAAACCATTCGGAAATTCAAAAGAGCACCTGTAGGAATTGCGATCATT
CAAATCTGAGGATATCCAACAGTGTCTCCTAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCAT
CGACAAAGCTGGCGAGTATTTGAAGGGGGTAGGTGATGACTTGGTAAGTTGCTTAAAT
GTTAATTCCTTATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGTAACGAAGTTTTTAACTTAAAC
CTGGGTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAATTTTCTTGAAATAAAAACAAAAATCGCAACTCG
AGTTTGACTTTCCTTCATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATT
CTGTAAAAATAAGCATCTTCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAATAAGCTCAAGAAAACCTCA
GTACGACGCTCGATTTCGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGT
A

>Btmar1.11.1_gi-1092452480-gb-MAMS01001206_1-:1018792-1019955
gi-1092452480-gb-MAMS01001206.1-:1018792-1019955 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1339,
whole genome shotgun sequence 1164 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTCGTCATAGAGGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTATTGAAGATGCTGGTTTTTAC
AGTATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTGCACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTATCTTTATTTCAAGAAAATTTTAGGTACAACCTTTAAAAACCC
AGGTTTTAAGTTAATAACTTCGTTGCTCTTATTAATAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAAC
ATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCATTCAAATACTCGCCAGCTTTGTCTG
ATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTG
AATGATCACAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTCCC
TTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGAAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTTAGGTGA
ATAAGGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCATCAATTTGGAG
GGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATTCTCTCTCCAGGCCTT
TATCTGCGGATATTTTCGCGTAATCGTCTTAGAACACCATTGTAATATTCGCGATTGACA
GTTTCACCTTGAAGGAATTCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAACAGTGTTTCTCCC
AATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGTATCGACAAAGCTGGCTAGTATTTTGAAGGGGATA
GGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTCTTATTTTTAAGCATTTTAATAA
GAGCAACGAAGTTATTAACCTAAAACCTGGGTTTTTTAAAGTTGTACCTAAAATTTTCTT
GAAATAAAGATAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAGCGTGACGTT
TCCTTACCAAGACGAATTTTTGCATTCTGTAAAAACCAGCATCTTCAGTAGCTTATCAGC
TTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTCGGTTCCGCCCTCTATGACGAAAGT
CCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTC

>Btmar1.11.2_gi-1092425897-gb-MAMS01019641_1-:1411023-1412201
gi-1092425897-gb-MAMS01019641.1-:1411023-1412201 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold959,
whole genome shotgun sequence 1179 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGAGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTGGTTTTAACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC

TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTTAAAAAAAAGC
CCAGGTTTTAAGTTAAAACTTTGCTGCTCTCATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAAATA
ACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCCCTAACTCGCCAACTTTGT
CGATGTATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTAGGAAATCCTCAGGTT
TGAATGATCGCTATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAACCTCCGGAATGGTTTGAAGACGTC
GACCTTCCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAATCACACGGAGCCAGGTTAG
GTGAATAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTGCGCAATTT
GGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGGAACCAGGAATTCTCTCTCAAA
GCTCAGGCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGCGTAATCGTCTTAGAACACCATTGTAATATT
CGCGATTGACATTTTACCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTCCTATA
GTGTTTCTCCCGATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGTTGGCGAGTATT
TGGGGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTCTTATTTTAAAG
CATTTGAATGAGAGCAGCAAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGTTTTTTTTTAAAGTTGT
ATCTAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTATT
TCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAATCAAGCATCTC
CAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACTTCATTACGACGCTCGGTTCTCC
TTCTATGACAAAAGTCCAGTTTCTTTGGGACAGCCCTC

>Btmar1.11.3_gi-1092446718-gb-MAMS01003827_1-:381074-381804
gi-1092446718-gb-MAMS01003827.1-:381074-381804 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2362,
whole genome shotgun sequence 731 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTAATGA
AGTTTTCTTGGGCTTGTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTTTACAGAAT
GCAAAAATTTGGCTTGGTAAGGAACTACACACTTTGGAAGAAAGGAAAGTCAAACCTCGA
GTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTCAGATACAACTAAGAAAAACCCAGGTT
TTAAGTTATAAACTTCGTTGCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAACATT
TTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCTCTTCAAAACACTCGCCCGCTTGTGATG
CATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATTCTCAGGTTTGAAT
GATCGCAATTCCTCCAAGGTGTTCTTTGGAATTTCTGGAATGGTTTGAAAACATCGACCT
TTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTGAGGTGAA
TAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCTCGAATTTGGAGG

GATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAAAAACCAGGAATTCTCTCTCAAAGCTCG
GGCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGTGTAAGTGTCTTAGAACACCTTTGTATTATTTGCGA
TTGACAGTTTC

--

>Btmar1.11.4_gi-1092454418-gb-MAMS01000356_1-:61517-62688
gi-1092454418-gb-MAMS01000356.1-:61517-62688 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1040, whole
genome shotgun sequence 1172 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAGGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTGGACTTGTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATACTGGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCTTTGGAATGAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACCTAAAAAAACCCA
GTTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAACA
TTTAAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTTCTCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGTCGA
TGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGGAGAAACACTGTAGGAAATCCTCAGGTTTGA
ATGATTGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTCGAC
CTTCAAGGTAGATTAAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTTAGGCG
AATAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCCAATTTGGA
GGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGACGCAGAAAGCAGGAAATCTCTCTCAAAGCT
CAGGCCTTCTCTGCGGACATTTTCGCTTAATCGTCTCAGAACACCATTGTAATATTCGC
GATTGACAGTTTCACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTCCTACAGTG
TTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGA
AGGAGAAAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAATGTTAATTTCTTATTTTAAGCAT
TTGAATGAGAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGTTTTTTTAAGTTGTATCTAAA
TTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGAATTCCTTTATTCAAAGC
GTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAATACCAGTATCTCCAGTAGC
TTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTATTACAACGCTCGGTTGCGCCTCTATG
ACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTC

--

>Btmar1.11.5_gi-1092449723-gb-MAMS01002522_1-:4319065-4320243
gi-1092449723-gb-MAMS01002522.1-:4319065-4320243 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold18461,
whole genome shotgun sequence 1179 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTGGTCTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACCCTTGAATGAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTATCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAAAAACC
CAGGTTTTAAGTTAGAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTAGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTCCCGGAATGGTTTGAAAACGT
CGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAATCACACGGAGCCAGGTTA
GGTGAATAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCCAATT
TGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATTCTCTCTCAA
AGCTCAGGCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGCGTAATCGTCTCAGAACACCATTGTAATAT
TCGCGATTGACAGTTTCACCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAAC
AGTGTTTCTCCCAACTGAAGAAACGGTGGCAAATATGCATCGACAAAGCTGGCTAGTATT
TTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGAAGCTGCTTAAATGTAAATTCCTTATTTTTAA
GCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTATAACTTAAACCTGGGTTTTTTTTAAGTTGT
ATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGATAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTCATT
CCAAAGGGTGATTTTCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAGACCAGCATCTC
CAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTCATTACGACGCTCGGTTCCGC
TTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTC

--

>Btmar1.11.6_gi-1092453380-gb-MAMS01000828_1-:1508002-1508799
gi-1092453380-gb-MAMS01000828.1-:1508002-1508799 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1195,
whole genome shotgun sequence 798 bp

TCCATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTGAATGATCGCAATTTCTTCAAGG
TGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTCGACCTTTCGAGGTAGATTTAAGTC

GTGGAAATAAGAAGAAATCACACGGAGCAAGGTCAGGTGAATAAAGATGATGAGAGAAGA
CACTCGTGGCATTCTTTGCACAAATTCGCGAATTTGGAGGGATGCTTGGGCAGGTGCATT
ATCGTGATGCAGAAACCAGGAATTCTCTCTCAAAGCTCGGGCCTTTTTCTGCGGACATT
TTCACGTAATCGTCTCAGAACACCATTGTATTATTCTCCGTTGACAGTTTCACATTGAAG
GAATTGCGATCATTCAAACCTGCGGATTTTCAACAGTGTTTCTCCAATTGAAGAAACGG
TGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGATGATGACTTGGT
ACCTAAGCTGCTTAAAATGTTAATATCCTTATTTTTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACG
AAATTTTTAACTTAAACCTGGGTTTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAATTTTCCTTGAAAT
AAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTCATTCCAAGCGTGTAGTTTCCTTA
CCAAGACGAATGTTTGCATTCTGTAAAAACAAGCATCTTCAGTAGTATATTAGCTTTCAA
ACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTCGGTTGCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTT
TCTTTTGGGACAGCCCTC

--

>Btmar1.11.7_gi-1092455272-gb-MAMS01000090_1:-2536250-2537432
gi-1092455272-gb-MAMS01000090.1:-2536250-2537432 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold300,
whole genome shotgun sequence 1183 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGC
AATGAAGTTTTCTTGAGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGACATGCTTGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTCGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATATACAACTTTAAAAAAA
AACCCAGGTTTTAAGTCAAAAACCTTCGTTGCTCTTATTCAAATGCTTAGAAATAAGGA
AATTAACATTTTAAGCAGCCACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGC
TTTGTCGATGCATTTTCGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTTGAAATCCTC
AGGTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGAATTGAAA
ACGTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACATGGAGCCAG
GTCAGGTGAATAAGGGGGGTGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTTGCACAAAATTCGCC
AATTTGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACAAGGAATTCTCTCT
CCAAAGCTCGGCCCTTTTTCTGAGGACATTTTCACGTAATCGTCTCAGAACACTATTGTA
ATATTGCGGATTAACAGTTTCACCTTGAAAGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTTC
CAACAGTGTTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCGAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAG

TATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGCGGGCTGCTTAAAATGTTAATTTCTTTATTT
CTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTGACTTAAAACCTGGGTTTTTTTAAAG
TTGTATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTT
TATCCGAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAAAACAAGCA
TGTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCTCAAGAAAACCTCATTGCGACGCTCGGTT
CGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTC

--

>Btmar1.11.8_gi-1092455566-gb-MAMS01000020_1-:3048665-3049829
gi-1092455566-gb-MAMS01000020.1-:3048665-3049829 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold14,
whole genome shotgun sequence 1165 bp

GAGGGCTGTCCCAAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTAATG
AAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGGTAAGTGAAGATGCTTGTTTTTACAGAA
TGCAAAAATTCGTCTTGATAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAACCTCG
AGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACCTTAAAAAAACCCAGG
TTTTGAGTTAAAAACTTTGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTATAAATGAGGAAATTAACA
TTTTAAGCAGCTTACCAAGTTATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGTCGA
TGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGGTGGAAATCCTCAGGTTTGA
ATGTTTCTTCAAGGTGGTTCTCTGAATCTTCGGAATGGTTTGAAAACGTCGACCTTTCA
AGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAGGTGAATAAG
GGGGATGAGGAGGGACACTCATGGCATTCTTTGCACAAAATTCGCGAATTTGGAGGGATC
AGGTGCATTATCGTGACGCAGAAACCAGGAATTCTCTCTCAAAGCTCGGGCCTTTTCTG
CGGACATTTTCGCGTAATCATCTCAGAACTTTATTATAATATTCGCGATTGACAGTTTCA
CCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGGGGATTCCAATAGTGTTCCTCCAATTGA
AGAGACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGAT
AACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTCTCATTATAAGCATTGAATAAGAGAGC
AACGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGTTTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAATTTTTCTTG
AAATAAAGATAAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTAATCCAAGCGTGTAGTTT
CCTTACCAAGACGAATTTTTTTGCATTCTGTAAAAAGAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAG
CTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTCATTACGACTCTCGGTTCGCTTCTATGACAAAAG

TCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTC

--

>Btmar1.11.9_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:1306220-1307408
gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:1306220-1307408 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 1189 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGCAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATATAGATACAACCTAAAAAACCCC
AGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAAAAAGGAAATT
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCTCTTCAAAATACTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGT
TTGAATGATTGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGATAAAGT
CGACCTTTCTAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCA
GGTGAATAAGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCGAATT
TGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATTCTCTTTCCAA
AGCTCGGGACATTTTCTGCGGACATTTTCGCGCAAACGTCTCGGAACACCATTGTAATAT
TCGCCATTGACAGTTTCTCCTTCGGTAAAAATTCATGATGGACAATTCCTCGAACCTGA
GGATTTCCAACAGTGTTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGC
TGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATATC
CTTATTTTAAAGCATTTGAATAGGAGAGCAACAAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGGTTT
TTTCAAGTTGTATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAATCGCAACTCGAGTTTGACT
TTCCTTCATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTATGCATTCTGTAAAAA
CAAACATCTTCAGTAGCTTATCAGCTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTGCATTACGACGC
TCGGTTCGCCTTCATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTC

--

>Btmar1.11.10_gi-1092454879-gb-MAMS01000194_1-:288607-289785
gi-1092454879-gb-MAMS01000194.1-:288607-289785 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold610, whole
genome shotgun sequence 1179 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGAGAACCAAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTAAAGATGCTGGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTCAGATACAACCTTTAAAAAAACC
CAGGTTTTAAGTTAAGAACTTCGTTGCTCTCATTCAAATGCTTAAAAATAAGAAATTTAA
CATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCTTTGTC
GATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTAGGAAATCCTCAGGTTT
GAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTTCTG
AGACGATTACGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCTGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCTGG
TTCCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTGGCGAATTTTGTGCG
AAGAATGCCATTAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTAACCTGGCTCCGTGTGAT
TGTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTGAAAGGTCGACGTTTTCAAACCATTCGG
GAAGTTCAAGAGAACACTTTGAAGGAATTGCGGTCATTCAAACCTGAGGATTCCTACAG
TGTTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTT
GAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTCTTATTTTAAGC
ATTTGAATGAGAGCAAAGAAGTTTTTA ACTTAAAACCTGGGTTTTTTTAAAGTTGTATCT
AAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAA
AGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTTTTCATTCTGTAAAAACCAGCATCTCCAGT
ATCTTATCAGCTTTCAAACAAACCCAAGAAAACCTTATTACAACGCTCGGTTCTCCTTCT
ATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTAC

--

>Btmar1.11.11_gi-1092454896-gb-MAMS01000189_1-:2443006-2444197
gi-1092454896-gb-MAMS01000189.1-:2443006-2444197 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold597,
whole genome shotgun sequence 1192 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCTAGCGTTGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGTTGATAAGCTACTGGAGATGCTGGATTTTAC
GGAATGCAAAAATTCGTCTTAGTAAGGAACTACACACTTTGGAATAAAGGAAAGTCAA
TTCGAGTTGCGATTTTTATCTTTATTTCAAGAAAAATTAGATACAACCTTAAAAAACCCAG
TTTTTAAGTTATAAACTTCGGTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTATC
ATTTAAGCAGCTTATCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCTTTGTCA

ATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTG
AATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTCTAA
GACGATTACGCGAAAATGTCCGCAATGTCCGCTGAAAAAGGCCTGAGCTTTGGAGAGAAA
ATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTGGCGAAT
TTCGTGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTAACCTGGCTC
CGTGTGATTCTTCCTTATTTCCACGACATAAATCTACCTTGAAAGATCGACATTTTCAA
CCATTCCGGAAATTTAAGAGAATACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATT
TCCAACAGTGTTCCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAACCTGGCG
GGTATTTTGAAGGAGATAGGTGATGACTTAGTAAGCTGCTTGAAATATTAATTCCTTAC
CTACTTTTAAGCATTGAATGAGAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAATCCTAGGTATTTT
TTAAAGTTGTAGCTAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTTGAGTTTGACT
TTCCTTTATTCAAAGCGTGTAGTTTCTTACTAGGACGAATTTTGCATTTTGTA
CCAGCATCTCCAGTAGCTCATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTCATTACGACGC
TCGGTTCGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.11.12*_gi-1092434953-gb-MAMS01010585_1-:107772-108964
gi-1092434953-gb-MAMS01010585.1-:107772-108964 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5223,
whole genome shotgun sequence 1193 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATGCAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAACCACTGGAGATGCTTGTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTCTGGAAGCTCTGGAATAAAGGA
AAGTCAAACCTCAAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACATCTTAA
GAAAAACCCAGGTTTTAAGTTAAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAGAATA
AGGAAATTAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCCATCCCCTTCAAATACTCGC
CAGCTTTGTGATGCATTTTGGACACAGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAAT
CCTCAGGTTTGAATGATCGCAATTTCTTCAAGGTGCTCTCTTGAATTTCCGGAATGTTTT
GAAAACGTGACCTTTCAAGGTAGATATAAGTCGTGGAAATGAGAAAAAATCACAAGGAG
CCAGGTCAAGTGAATAAGTGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATATTCTTGCACAAAA
TTCGCGAATTTGGAGAGATGCATGGGACAGGTGCATTATCCTGATGCAGAAACCAGGAATT
CTCTCTCAAAGCTCGCGCCTTTTCTGCGGACATTTTCGCGTAATCGTCTCATAACACC

ATTGTAATATTCGCGATTGACAGTTTCACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAG
GAGTTCCAACAGTGTTTCTCCCTTATTGAAGAAACGGTGTCCAAAATGCATCGACAAAGC
TGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAAT
TTCCTTATTTTCAAGCATTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTCAACTTAAACCTGGGT
TTTTCTTAAGTTGTATCTAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAATGT
GACTTTTCTTATTCCAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACTATTTTTTGCATTCTGTA
AAAACAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCACACAAGTCCAAGAAAACCTCATTACG
ACGCTCGGTTGCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTC

--

>Btmar1.11.13_gi-1092455517-gb-MAMS01000027_1-:4955996-4956745
gi-1092455517-gb-MAMS01000027.1-:4955996-4956745 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold155,
whole genome shotgun sequence 750 bp

TACGAGGGCTGTCCGAAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGATTGCGAACCGATCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTTGGCTTGTTGAAAACCAATAAGCTCCTGGAGATGCTTGCTTTACA
GAAATCGAAAATTCCTCCTGGTAAGGAACTGCAGGCTTTGCAATAAAGGATAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTGTATTTCAAGAAAAATTTAGGTACAACCTAAAAAAAACC
CAGGTTTCAAGTTAATATCCTCGTTGCTCTTATTCAAATGCTTATAAATAAGGAATTT
AACATTTTAAGCAGCTTATCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TCGATGCCTTTTTATCACCGTTTCTTTAATTGGGAGAAACATTGTTGGATCTCCGCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTGTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGT
CGACCTTTCAAGATAGATTTAAGTCGTGAAATAAGATAAAATCACACGGAGCCAGGTCA
AGTGAATAAGGGAGATGAGGAAGGACACTCATGGTATTCTTGCACAAAATTCGCGAATT
TGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTAATGCAGAAACCAAGAATTCTCTCCCCAA
AGCTTGGGCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGCGTACTCGTCTCAGAACACCATTGTAATAT
TCGCGATTGACAGTTTCTCCTTTCGGTAAA

--

>Btmar1.11.14_gi-1092454888-gb-MAMS01000191_1:-96894-97681

gi-1092454888-gb-MAMS01000191.1:-96894-97681 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold607, whole genome shotgun sequence 788 bp

ATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGT
TCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGGCATA
GAAATAAGAAGAAATCACACGGAGCCAGGTTAGGTGAATAAGGGGGATGAGGGAGGATAC
TCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCCAATTTGGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTAT
CGTGATGCAGAAATCAGGGATTCTCTCTCAAAGCTCAGGCCTTTTTCTGCGGACTCGCG
TAATCGTCTCAGAACACCATTGTAATATTCGGGATTGACAGTTTCACCTTTAAGGAATTG
CGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAACAGTGTTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAA
AAATGCATAGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTG
CTTAAAATGTTAATTTACTTATTTTTAAGGATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTCATAA
CTTAAACCCTGGGTTTTTTTTTAAGTTGTATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGATAAAAA
TCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTCTTCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACTAAGACGAA
TTTTTGATTCTGTAAACACCAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAA
GAAAACGTCATTACGACGCTCGGTTTCGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGA
CAGCCCTC

--

>Btmar1.11.15_gi-1092438700-gb-MAMS01007559_1:-385432-386623

gi-1092438700-gb-MAMS01007559.1:-385432-386623 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold39221, whole genome shotgun sequence 1192 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAGACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGT
AATGCAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTAC
AGAATGCATAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATATAGAGACAACTTAAAAACCCC
TGGTTTTAAGTTGAAAACCTTCGTTGCTCTCTTCTTCAAATGCTTAAAAAAAAGGAAATTA
ACATTTAACGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGT
CGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTAATGGAATTCCTCAGGTT
TGAATGATTGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTC

GACCTTTT TAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAAAAAAAAATGACACGGAGCCAGGTCAG
GTGAATAGGGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTTGCACAAAATTCGCGAATTT
GGAGGGATGCATGGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATTCTCTTCCAAA
GCTCGGGACATTTTCTGCGGACATTTTCGCGCAAACGTCTCAGAACACCATTGTAATATT
CGCCATTGACAGTTTCTCCTTTCGGTAAAAATTCATGATGGACAATTCCTCGAACCTGAG
GATTTCCAACAGTGTTTCTCCCAATTGAAGAACAGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTG
GCGAGTATTTTGAAGGAGATAAGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATATCCT
TATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAACAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGTTTTTT
TCAAGTTGTATCTAAATTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTT
TCCTTCATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTATGCATTCTGTAAAAAC
AAGCATCTTCAAAGCTTATCAGCTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTGCATTACAACGCT
CGGTTGCGCTTCTATGACAAAAGACCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCATAC

--

>Btmar1.11.16_gi-1092425799-gb-MAMS01019739_1-:124663-125850
gi-1092425799-gb-MAMS01019739.1-:124663-125850 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold9984,
whole genome shotgun sequence 1188 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGT CATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATAAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACCAGAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCCTTGAATAAAGGAAAGTCAGAC
TCAAGTTGCGATTTTTGTGATATTTCAAGAAAAATTTAGATACATCTTTAAAAAAAACC
CCAGGTTTAAAGTTAAAACTACGTTGCTCTTATTCAAATGCTGAAAGATAAGGAAAT
TAACATTTTAAACAGTTCACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTT
GTCGATGAATTTTTGCCACCGTTTCTTAATTGGGAGAAACACTGTTTGAAATCCCGAGG
TTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTT
CTGAGATGATTACGCGGAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCCGAACTTTGGAGAGAGAATTTT
TGGTTTCTGCATCACGAGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCAAATTCGCGAATTTT
GTGCAAAGAATGTCATGAGTGTCTCCCTTATCCCCCTTATTACCTGATCTGGCTTCGT
GTGATTTTTTCTTATTTCCATGACTTAAATTTATCTTGAAAGATCGACGTTTTCAAACC
ATTCCGGAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACATCAGGATTTT
AAACAGTGTTTCTCCCAATTGAAGAAACGCTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAG

TGCTTTCAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTGAGCTGCTTAAATTGTTAATTCCTTATTC
TTAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGGTTTTTTTAAA
GATGTATCTAAATTCTTCTTGAAATATCGACAAAAATCGCAACTTGAGTCTGACTTTCCT
TTATTCCGAAGCATGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTTGCATTCTGTAAAAACAAGC
ATCTCTGGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACCACGCTCGGT
TCGCCTTCTATGACACAAGTCTGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTAC

--

>Btmar1.11.17_gi-1092442913-gb-MAMS01005707_1-:266038-267215
gi-1092442913-gb-MAMS01005707.1-:266038-267215 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3142,
whole genome shotgun sequence 1178 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACAGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAACATTGGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTCTAAAAAAAACC
CAGGTTTTAAGTTAAAAACTTCGTTGCAATCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATC
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATATTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATCGGGAGAAACACTGTTGAAAATCCGCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAAACTGTCAACCGAGAATATTACAATGGTGTTCT
TGAGACGATTACGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCCGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCT
GGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCAAGCATCCCTCCAAATTCGTGAATTTTGTG
CAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCTCTATTTACCTGACCTGGCTCCGTGTG
ATTTTTCTTCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCTACGTTTTCAAACATTCCGGAA
ATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAACAGTGT
TTCTCCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGAA
GGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTGATTTCTTATTTTTAAGCATT
TGAATAAGATTGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGTTTTTTTTAGAGTTGTATCT
AAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAA
AGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACCAATGTTTGCATTCTGTAAAAACAAGCATCTTCAGT
AGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTCGGTTCGCCTTCT
ATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.11.18_gi-1092440840-gb-MAMS01006571_1-:14487-15677

gi-1092440840-gb-MAMS01006571.1-:14487-15677 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3518, whole genome shotgun sequence 1191 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAAGGCGAACCGAGCGTAATG
CAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTAAAGATACTTGTTTTTACAGAA
TGCATACATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAACCTCG
AGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAATATATAGATACAACTTAAAAAACCCCTGGT
TTTAAGTTGAAAACCTTCGTTGCTCTCTTCTTCAAATGCTTAAAAAAAAGGAAATTAACAT
TTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGTCGAT
GCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATCGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTGAA
TGATCGCAATTCCTTCAAGGTGCTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTCGACC
TTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGGAAATAAGGGAAATCACACGGAGCTAGGTCAGGGGGA
TAAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCGAATTTGGAGGGATGCATGG
GCAGGTGCATTATCGTGATACAGAAACCAGGAATTCTCTCCCCAAAGCTCAGGCCTATTT
TTCTGCGGACATTTTTGCGTAATCGTCTCAGAACACCATTGGAATATTCGCGATTGACAG
TTTGTCCTTTCCGTAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGGGATCATTCAAACCTGA
GGATTTCCAACAGTGTCTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATTCATCGACAAAGC
TGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACATGGTAAGCTGCTTAAAATTTTAATTC
CTTATATTTAAGCATTTGAAGAAGAGAGCAACGAAGTTTTCAACTTAAAACCTGGGTTTC
TTTTTAAGTTGTATCTAAATTTTTTTTGTACATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGA
CTTCCTTTATTCAAAGCGTGAGTTTCTTACCAAGACGAATTTTGCATTCTGTAAA
AACAAGCATCTTTAATAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACAAC
GCTCGGTTTCGCTTCTATGACGAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAACCTC

>Btmar1.11.19_gi-1092441018-gb-MAMS01006501_1-:91834-93015

gi-1092441018-gb-MAMS01006501.1-:91834-93015 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3488, whole genome shotgun sequence 1182 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAAGGCGAACAGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAGAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA

GAATGCAAACATTGGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTTGGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTGCTACAATTTAAAAAAAAAAAA
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATC
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATATTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATCGGGAGAAACACTGTTGAAAATCCGCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAAACCGTCAACCGAGAATATTACAATGGTGTTT
ATGAGACGATTACGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCCGAGCTTTGGAGAGAGAATTCC
TGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCAAGTATCCCTCAAATTCGCGAATTTTGT
GCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCTCTATTACCTGACCTGGCTTCGTGT
GATTTTTTCTTCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTGACGTTTTCAAACCATTCGGGA
AATTCAAGAGAATACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAATAGTG
TTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGA
AGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTGATTTCTTATTTTAAGCAT
TTGAATAAGATTGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGTTTTTTTAAAGTTGTATCT
AAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTATTCCAA
AGCGTGTAAGTTTCTTACCAAGACCAATGTTTGCATTCTGTAAAAACAAGCATCTT
CAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACTTCATTACGACGCTCGGTTGCC
TTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

>Btmar1.11.20_gi-1092434474-gb-MAMS01011064_1-:8895-10085
gi-1092434474-gb-MAMS01011064.1-:8895-10085 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold54472, whole
genome shotgun sequence 1191 bp

TACGAGGGCTGTCCAAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCTAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTGGGCTTGTTTGAAGTTGATAAGCTACTGGAGATGCTGGTTTTTACG
GAATGCAAAAATTCGTCTTAGTAAGGAACTACACACTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTATCTTTATTTCAAGAAAAATTAGATACAACTTAAAAACCCAGT
TTTTAAGTTATAAACTTCGGTGCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAACA
TTTTAAGCAGCTTATCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGTCAA
TGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTGA
ATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTTCTAAG
ACGATTACGCGAAAATGTCCGCAATGTCCGCTGAAAAAGGCCTGAGCTTTGGAGAGAAAA

TTCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTGGCGAATT
TCGTGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTAACCTGGCTCC
GTGTGATTCTTCCTTATTTCCACGACATAAATCTACCTTGAAAGATCGACGTTTTCAAAC
CATTCTGGAAATTTAAGAGAATACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATT
CCAACACTGTTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAACCTGGCGG
GCATTTTGAAGGAGATAGGTGATGACTTAGTAAGCTGCTTGAAATATTAATTCCTTACC
TACTTTTAAGCATTTGAATGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAATCCTAGGTATTTTTT
TTAAGTTGTAGCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTTGAGTTTGACTT
TCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACTAGGACGAATTTTTGCATTTTGAAAAAC
CAGCATCTCCAGTAGCTCATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACTTCATTACGACGCT
CGGTTACCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

>Btmar1.11.21_gi-1092448321-gb-MAMS01003128_1-:1-1029

gi-1092448321-gb-MAMS01003128.1-:1-1029 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold20933, whole
genome shotgun sequence 1029 bp

ACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAACCTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTATTTTA
AGAAAAATTTAGATACAACAGTAAAAAAAACCCAGGTTTTAAGTTAAAAAACTTCGTTGC
AATCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATCAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCAT
CACCTATCCCCTTCAGAATACTCGCCAGCTTTGTCGATGCATTTTGCCACCGTTTCTTC
AATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTG
TTCTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAACGTGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGT
GAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAGGTCAATAGAGGGGATGAGGGAGGACACTCAT
GGCATTCTTTGCACAAAATTCGCGAATTTGGAGGGATGCTTGGGCAGGTGCATTATCGTG
ATGCAGAAACCAGGAATTCTCTCTCAAAGCTCGGGCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGCG
TAATTGTCTCAGAACACCATTGTAAAATTCTCGGTTGACAGTTTCACCTGAAGGAATTG
CGATCATTCAAACCTGCGGATTTTCAACAGTGTTTCTCCGATTGAAGAAACGGTGGCAA
AAATGCATCCACAAAGCTGGCGAATATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTG
CTTAAAATGTTGATTTCTTATTTTTAAGCATTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAA
CTTAAAACCTGGTTTTTTTTTTTAAAGTTATATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAA
ATCCAAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACCA
ATGTTTGCATTCTGTAAAAACAAGCATCTTCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCA

AGAAAACCTTCATTACGACGCTCTGTTTGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGG
ACAGCCCTC

>Btmar1.11.22_gi-1092437759-gb-MAMS01008035_1-:1-788
gi-1092437759-gb-MAMS01008035.1-:1-788 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold41110, whole
genome shotgun sequence 788 bp

ACTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTTAAAAAATA
CCCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAA
TCAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCTT
TGTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGAGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAG
GTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTCCGGAATGGTTTGAAAAC
GTCGACCTTTCAAGGTAGATTTAAGTCGTGAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAGGT
GAATAGAGGGGATGAGGGAGGACACTCATGGCATTCTTTGCACAAAATTTGCGAATTTGG
AGGGATGCTTGGCAGGTGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATTCTCTCTCAAAGCT
CGGGCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGCGTAATCGTCTCAGAACACCATTGTAATATTCTC
GGTTGACAGTTTCACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGCGGATTTTAAACAGTG
TTTCTCCCGATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAATATTTTGA
AGGGGATAGGTGATGACTTGGAAGCTGCTTAAATGTTGATTTCTTATTTTAAGCAT
TTGAATAGGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGTTTTTTTTTTAAGTATTGT
ATCTAAAT

--

>Btmar1.11.23_gi-1092433352-gb-MAMS01012186_1-:1-753
gi-1092433352-gb-MAMS01012186.1-:1-753 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold59187, whole
genome shotgun sequence 753 bp

AAAATTTAGATACAACTTTAAAAAAAACCCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCT
CTTATTCAAATGCTTAGAAATAAGGAAATTAATATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCAC
CTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCTTTGTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAAT
TGGGAGAACCACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGTTT
TCTTGAATTTCCGAATGGTTTGAAAACGTCGACCTTTAAGTCCTGAAAATAAGAAAAAAT
CACACGGAGCAAGGTCAGGTGAATAAAGGGGATGAGAGAGGACACTCGTGGCATTCTTTG

CACAAATTCGCGAATTTGGAGGGATGCTTGGGCAGGTGCACTATCGTGATGCAGAAACCA
GGAATTCTCTCTCCAAAGCTCGGGCCTTTTTCTGCGGACATTTTCGCGTAATCGTCTCAG
AAGACCATTATAATATTCTCGGTTGACAGTTTCAGATTGAAGGAATTGCGATCATTCAAA
CCTGCGGATTTTCAACAGTGTTTCTCCCAATTGAAGAAACAGTGGCAAAAATGCATCGAC
AAAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGAGATAGGTGATGACTTGGTACCTAAGGTGCTTAAAT
GTTAATTTCTTATTTTTAAGCGTTTGAATAAGAAAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAAC
CTGGGTTTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAATTTT

>Btmar1.12.1_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1-:2588495-2589459
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1-:2588495-2589459 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 965 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACAGGATTTTGGTCTTAAATAGCCTACCTTCGTCCGA
ATTAGGTAATCTTAACTTTTCTGATAGCTGAAAATATGCTTAAGAACGCTACGCTCACA
AATTTGAAGAACTTAATTAGCTTTGTTGGTATGAGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCATGG
GTGCTCTGCGATTTTTATGTTTGACCAAACATGTCTCTTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTCTTCAATCCACGAGGATGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGGACACTCAAGT
TTTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTCAGAACGTTTCGAGCAG
CTATAGAGAAATTGACATTCGGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCATG
TGTACCTGAAACTCGATGCATGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAAAACAGAG
CCTTCAGAAATATTACACTATTCAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTTGT
GCGCACTTCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCTCATGCTCCTC
ATCTTCGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCATAACAGAGAGAACA
ACTCAAACAATGATCTTGGTAACTTTACTTAGCATACTTAAAGTTTCGGTACAAGGTAT
ACCGAGTTTAAACAAAATTTAATGTTAAATTTTTGCTCTATCAGTGATCGTGCGATGAA
AATCGCAGAACGCACCTGACTTACTCGTATTAAAGGTGACATACTGATCAAAATAAACAA
AATCTGTGAATCTAGCGTTCTTTAGTATGTTATCAGCTATCAAAAAAGTCCAAGGAAACC
TAATTCGGACGCACACTGGGCTAGTTATCACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACCT
CGTAT

--

>Btmar1.12.2_gi-1092455529-gb-MAMS01000026_1-:6467613-6468254
gi-1092455529-gb-MAMS01000026.1-:6467613-6468254 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15,
whole genome shotgun sequence 642 bp

AATTATTGTATCCAAAAATGTAGGATAATTGTTAGAACGTTCAAGAAGCTCAAGGGAAAT
TGACATTTGGTTGGATTTTTGTTGAATATACAATCACAGGACAAGTTTAGCTGAAACTCG
ATGCATGTATAAATATTCTATCAAAATTGTATGTGCAGAGTCCTCAGAAATATCACACTG
CCTAGAGAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGGACTTTAGCCTGCATTTCAAAATGTTAGTT
GCCGTTGATGGTCGATTCCCGTTCTCCTCATCTCCGACGGACTCCTGACCAGTTTTGAAC
CGTTTAGGTCATTCAAACACTGAGATAACTTATAAAATGATCTTAGTAACTTTAGTTA
ACATATCAAAGTTTTGGTACAAGGTATACTGAGTTTAAACAAAATTTAATGTTAAATC
TTTGCTCTATCAGTGGTTGCATGAAAAAATCGCAGAACGCACCTGACTTGCTGGTATTC
AAGGTGACACAGAATGAACACTGATCAAAGTAAACAAAATCCATGAATCTAGCGTTCTCC
AGTATTTTATCAGCTATCAGGAAAGTCCAAGGAAACCTAATTTTGACGCAAAATGAGCTA
ATTATCACCCAACCTCCGTTTCTTATCTAACAGACCTTGAT

--

>Btmar1.12.3*_gi-1092454111-gb-MAMS01000491_1-:1196898-1197863
gi-1092454111-gb-MAMS01000491.1-:1196898-1197863 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1090,
whole genome shotgun sequence 966 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCTACTGTGCGTCCAA
ATTTAATTTTCTTGATCTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACGTCCACA
GATTTGAAAAATCTTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTCAAGTACGGCAACCTCATAG
GTGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAATCCACAAGGATGATTGGAGTTTCGTCTCCGTATCTTAGCCGTACACTCAAGT
ATTATACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGCACGTTCAAGCAG
CTATAGGGAAATTAACATTCGGTTGGATTTTGTTCAACGGACAACAATGAAGGGGCAAGT
GTACCTGAAACTCGATGCATGTCTACATATTCATCAAAATTGTATATACAGAGCCTTCA
GAAATATTACATTGTTGAGCAAGCTCGAAACGACGATTTTCGAGACTTTTGCCAGCACTT
CTTCCATGTGACAAATGTTAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTCAA
CGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAATAGTGAGTACAACCTCATAT

AATGATCTTGGTAAACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGGTGCAAGGTATACCGAGCT
TAGAACAAGATGTAATGTAAATCTTTGCTCTGTCAGTGATCGCATAATGAAAATCGCAA
AACGCACCTGACTTCCTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACTGATCAACATAAACA
AAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTTAGTATGTTATCAGTTATCAGAAAAGTCCAAGAAACC
CTAATTCGGACGCACAGCAAGCTAGTTATGCCCAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACC
TCGTAT

--

>Btmar1.12.4_gi-1092455378-gb-MAMS01000055_1-:2861450-2862387
gi-1092455378-gb-MAMS01000055.1-:2861450-2862387 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold226,
whole genome shotgun sequence 938 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTTATAACTAGCCTATTGTGCGTCCGA
ATTGGGTTTTTTTGATATTTCTGATAGCTGAAAATATATTAAAGAACGCTACGTTCACA
GATTTGAAGAATCTTAATAATGAACTTCGTTGGTATGTGGCTTCAAGTACGGTAACCTCA
TGGGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACATTTT
TCAATCCACAAGGATGAATGGAGTTTCGTCTCCATATCGTGGCCGTACACTCAAGTATTG
TCACCGAAAATTATCCTATCCAAATATGTAGGATCATCGTTAGAACGTTCAAGCAGCTAT
AGGGAAATTAACATTTGGTTGGATTTTGTTCACGGACAACAATCAAGGGGGAAATGTAA
TTGAACTCGATGCATGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTCAGAAA
TATTACACTGTTGAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGACTTTTGCCCGCACTTCTTC
CACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCCTCGACGAA
CTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAGCCCACTAAAAAAGTGAGAACAACTCATATAAGG
ATCTAACTTCACTCAGCATACCAAAATCTTCGATACAAGGTATACCGAGCTTAAACAAA
ATTCAATGTAAATCTTTGCGCTGGCAGTGATCGAATGATGAAAATCGCAGAACGCACCT
GACTTCCTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAAACAAAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTTA
TTATGTTCTAAGCTATCAGAAAAGCCCAAGAAAACCTAATTCGGATGCACAGTAAGCTAA
TTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAACCTCG

>Btmar1.12.5_gi-1092455378-gb-MAMS01000055_1-:1783447-1784404
gi-1092455378-gb-MAMS01000055.1-:1783447-1784404 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold226,
whole genome shotgun sequence 958 bp

TACGAGGTCTGTTAGGTAAGAAACCGGATTTTGGTGATAACTAGCCCATCATGCGTCCGA

ATTAAGTTTTCTGGACTTTCTTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACATTCACA
AATTTAAAAAATCTCAATTAGCTTTATTGGTACGTGGTTTGAAGTAAGGCAACCTCATGG
ATGTTCTGCAATTTTCACGTTTGACCAAACCTGTGCGCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACC
TTTATCAACCCACACGGATGGTTGGAGTTTTGTCTCCATATAGTTTCCGTACACCCAAGT
TCTATCAACGGAAATGATCATATCCAAAAATGTAGGATCAGTGTTAGAACGTTCAAGAAG
CTCAAGGAAAATTTATTCTTGGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAGTCTCGGGACAAG
TTTAGCTGAAACTCGATGCATGTGTAAATATTCTATCAAAATTCTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATCACACTGTTTCAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCCCAT
TTTTTCCACGTGGCAGATGTCAGGTGCCGTTGGTCGATTCCCATGCTCCTTATCTCCAAC
GGACTCCTGACCAGTTTTGAACCGTTTAAACCACTCAAAACACTGAGAACAACCTCATACA
ATGATCTTGGTACACTATACTTAGCATACCAAATGTTTTGATACAAGGTATGCCGAGTTC
AAAATAAAATTTAATGATAAATCTTTGCTCTATCAGTGATTGCATGATGAAAATCGTAGA
ACGCACCTGACTCCCTCGTATTCAAGGTGACACAGAATGAACACTGATCAAAATAAACAA
AATCTGTAAATCTAGCGTTCTTTAGTATGTTATTAGCTATCAGGAAAGTCCAAGGAAACC
TAATTTGGACACAAAATGCGCTAGTTATCACCAAAATCGGATTTCTTATCTAACAGAC

--

>Btmar1.12.6_gi-1092440704-gb-MAMS01006626_1-:712709-713673
gi-1092440704-gb-MAMS01006626.1-:712709-713673 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3536,
whole genome shotgun sequence 965 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTGGAAACCGGATTTTGGTGATAACTAGCCCACAATGCTTCCGA
ATTAGGTTTTCTGAACTTTCCTGATAGCTGAAAATACACTTAAGAACGCTACGTTCACA
AATTTGAAAAATCCTGATTAGCTTCGTTGGTGTGTGAATTGAAGTAAGGCAACTTCATGG
GTGTTCTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTGTTTTTTGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAATCCACAAGGATGATTGAAGTTTCGTCTCCATATCATAGCCGTACAGTCAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTATGATCGTTCTTAGAACGTTTAAGCAG
CTAAAAGGAAATTGACATTCGGTTGGATTTTTGTTTGACGGACAACGATCAAGGGGCAAG
AGTACCTGAAACTCGATGCATGTCTACATTCTGTCAAAATTGTATGTCCAGAACCTTCAG
AAATATTACACTGGTCAGCAAGCTCGAAAGGACCATTTTCGAGCAATTCTGCCCCGCACTT
CTCCACGTGACGAATGTCAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCGTGCTCCTCATCTTCGA

TGAACTCCTGACCAATTTTGAATCGTTTAAACCACTCAAATAGTGAGAACAACATCATGC
AATGATCTTGGTAAACTTTACTTAGCATACAAAAATTTCCGGTACAGGTATACCGGGTTT
AAAATAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTATATCAGTGATCGCATGACAAAAATCGCAGA
ACGCACCTGACTTACTCGTATTCATGATGAAACAGAATAAACTGATCAGAATAAACAA
AATCTGTGAACCTAGCGTTCTTCAGTATGTTATTAGCCATCACAAAAGTTCAAGGAAACC
GAATTCGGACGCACACTGGGCTAGTTATCACAAAATCCAGTTTTTTATCTAACAGACCT
CGTAT

--

>Btmar1.12.7_gi-1092428043-gb-MAMS01017495_1-:2005894-2006847
gi-1092428043-gb-MAMS01017495.1-:2005894-2006847 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold831,
whole genome shotgun sequence 954 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTTACA
AATTTGAAAAAGCCAAATCAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTAACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAA
TGTACCTGAAACTCGATGTGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTACGTACAGAACCTTC
AGAAATTAGACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCATTTCGAGCTTTTTTGCCCGAAC
TTCTTTCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTT
GACGAACTCCTGACCAGTTGTGAATCGTTTAAACCAATTCAAACAGTGGAACATCTCAT
ACAATGATCATAGTAAACATTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTATAAGGTATACC
GAGTTTAAAGCATAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGCGATCGTATGATGAAAAT
CGCAAAACGCACCTGACTTACTCGCATTCAAGATGACACAGAATAAACAAAATCTGTGAA
GGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAACCTAATTCGGAC
GCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACCTCGTA

>Btmar1.12.8_gi-1092428043-gb-MAMS01017495_1-:6236095-6237060
gi-1092428043-gb-MAMS01017495.1-:6236095-6237060 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold831,
whole genome shotgun sequence 966 bp

TACGAGGTCTATTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTAGGTTTTCTTGGACTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTAAGAACGCTACATTCACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTCTTCATTGCTGTGTGGCTTGAAGTAGGGCAAC
CTTATGGGTGTTCTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGCCTCTCTTTTTTCGGTCTTG
CACTACAATTTTCAACCCACAAGGATGATTGGAGTTTCGTCTCCATATCGTAGCCGTACA
CTCAAGTATTTTCAACGAAAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAATGGT
TAAGTAGCTAAAGGGAAATCCACATTTGGTTGGATTTTAGTTCAACAGACAACAATCAAG
GGGCAAGTGTGCCTGAAACTCGATGCATGTCTATATATTCTATCAAAATTGTATGTGCAG
AGCCTTCAGAAATATTACACTGTTTCAAGAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCATT
TCTTCCACATGACAAATGTCAGTTGCTGTTGATGGTCGATTCCCTTGCTCCTCATCTTCG
ACAACTGCTGATCAGTTTTGAATCGTTTAACCCACTCAAAACAAAGAGAACAACCTGATA
CAATGATCTTGGTAACTTTACTTAGCATATCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAGA
TTAAACAAAATTTAATGTAAATTATTGCTCCATCAGTGATCGCATGATTAATCGCA
GAACGCCCTTGAGGTTGCCTTACTTCAAGCCACATACCAACGAAGCTAACTAGGATTTTT
CAAATTTGTGAACGTAGCGTTCTTAAATATATTTTCAGCTATCAGGAAAGTTGAAGAAAA
CCTAATTCGGATGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGAC
CTTGTA

--

>Btmar1.12.9_gi-1092430170-gb-MAMS01015368_1-:9048-10009
gi-1092430170-gb-MAMS01015368.1-:9048-10009 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold735, whole
genome shotgun sequence 962 bp

TATGAGGTCTATTAGAGTAGAAACCGATTTTGGTGATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTAGGTTTTTTTGGACTTTCCTGATAGCTGAAAATATACTTGAGAATGCTACATTCACA
AATTTGAAAAATTCTAATTAACCTTCATTGGTATGTGGCTCGAAGTAAGGCAACCTCATGG
GTGTTCTGCGATTTTTATGTGTGGCCGAACTTTCTCTTTTTTTTTTGGTCTTGCACTATA
TTTTTCAACCTACAAGGATAAGTGGAGCCTTGTCTCCATATCGTAGCCTCACTCTCAAGT
TTTGTACCCGAAAATTGTCCTATCAAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
TTAAAGAGAAATTGACATTGAATTTTGTCCAATAGACAACAATCAAGGGGCAAGGTGAC
CTGAAACTTGATGCATGTCCACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCTTTCAGAAA

TATTACACTATTTCAGCAAGCTCAAAACGACCACATTCCAGCACTTTTGCCCGCACTTCTT
CCATGTGGCAAATGTCAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCTCGTGCTCCTCATCTTTGACGG
ACTCCTGGCCAGTTTTGCACATTTAACCTCTCAAAACAGTGAGAGCAACTCATACAATG
ATCTTGTTGAACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGGTACAAGGTATACAGAGTTTAAA
ACAAAATTCAATGTTAAATCTTTGCTCCATCAGTGATCGCATGATGAAAATTGCAGAACG
CACCTGACTTACTTGAATGAAGGTGACACAGAATGAACACTCATCATGATAATCAAAAT
CTGTGAATCTAGCGTTCGTAAGTATATTTCCAGCTCTCAGGAAAGTCCAAGAAAACCTAT
TTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATCACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAATAGACCTCGT
AT

--

>Btmar1.12.10_gi-1092428515-gb-MAMS01017023_1-:414314-415265
gi-1092428515-gb-MAMS01017023.1-:414314-415265 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold809, whole
genome shotgun sequence 952 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGCTCATAACTAGCCACAGTGTGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCACA
AATTTGAAACATCCTAATTAGCATCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGG
GTGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCATCCACCTTCATATCGTAGCCGCACACTAAAGTATTGTCACCGAAAATTATCC
TATCCAAAAATGTAGGATAATTGTTAGAACGTTCAAGCAGCTAAAGGGAAATTGACATTT
GGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGTCAAGTGTACCTGAAACTCGATGCG
TGTCTACATACTCTATCAAAATTGTACGTACAGAGCCTTCAGAAATATTATACTCTGTTG
AACAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCAGTTCTTCACGTGACAAAT
GTGAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATTTTTGACGAACTCCTGACCACT
TTTGAATCGTTTAACCCATTCAAAACAGTAGGAATATTTCATACAATGATCATGGTAAAC
TTTACTTAGTATATACCAAAAGTTCCGGTACAAGGTATGCCGAGTTTAAAACAAAATTTA
ATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGACGAAAATCGCAAAACGCACCTGACTT
ACTCGTATTCAAGACGACACAGAAAAAACACTGATCAAAATAAACAAAATCTGTGAACGT
AGCGATCTTTAGTATATTTTCAGCTATCAGGGAAGCTGAAGAAAACCTAATTCAGACGCA
TTGTGGGCTAATTATGACCAAAATTCGGTTTCTAATCTAACAGACCTCGTAT

>Btmar1.12.11_gi-1092428515-gb-MAMS01017023_1-:6609163-6610121
gi-1092428515-gb-MAMS01017023.1-:6609163-6610121 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold809,
whole genome shotgun sequence 959 bp

TACGAGGTCTGTTTGATTAGAAACCGGATTTTCGGTCATAACTAGCCCACAATAGGTCCGA
ATTAGGTTTTCTTAATTTTCTGATAGCTGGAATATACTTAAGAACGCTACCTTCGCA
AATTTGAAAAATCCTAATAAGCTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCATGG
GTATTCTGCAATTTTATGTTTGACCGAACTCGCCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAAACCACAAAGATGATTGGAGTTTTGCCTCCATATCGTAGCCGTACACTCAAGT
ATTGTCACCGAAAATTATCCTATCCGAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAG
CAAAAGGGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTGTTCACGGACAACAATCAAGGGGCAAG
TGTACCTGAAACTCGATGCATATCTATATATTCTATCAACATTGTATGTACAGAGCCTTC
AGAAATATTGCACTGTTGAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTAGCCCGCAC
TTCTTCAAATGTTAGTTGCCGTTGATGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTCAACGACC
TCTTGTCCAGTTTGAATCGTCTAACCCACTCAAAACAGTGAGGACAACCTCATACAATGA
TCTTGGTAACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGGTACATGTATACGGAGTTTAAAC
AAAATTTAATGTTAAATTTTGTCTATCAGTGATTGCATGATGAACATCGCAGAACGCA
CCTAACTTACTCGTATTCAAGATGATACAGAATAAACACTGATCAAAATCAACAAAATCT
GTGAACGTAGCGTTCTTCAGTATGTTATCAGCTATCAGGAAAGTTCAAGAAAACCTAATT
CGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCAGTTTCTAATCTAACAGATCTCGTA

--

>Btmar1.12.12_gi-1092441835-gb-MAMS01006152_1-:340838-341803
gi-1092441835-gb-MAMS01006152.1-:340838-341803 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3332,
whole genome shotgun sequence 966 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATAACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCCACGTTCA
AATTTGAAAAATCATAATTACTTTGTTGGTATGTGGCTTGAAGAAAGGCAACCTCAAGGG
TGTTTTGCGATTTTATGTTTGACCAAACCTGTCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACAT
TTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTTCATATCGTAGCCGTACAATAAAGTA
TTGTCACCGAAAATTATCCTACCAAAAATGTAGGATCATTGTTAGAACGTTCAAGCAGCT

AAAGGGAAATTAACGTTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGTG
TACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTTTCAGAGCCTTCAG
AAATACTACTATGTTCAACAAGCTCAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCACTT
CTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATACTCCTCATCTTCGA
CGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTCTAACCCACTCAAACAGTGGGAACATCTCATAC
AATGATCTTGGTAACTTCACTTAGCATACCAAAGTTTCGGTACAAGGTATACCGAGTT
TAAAACAAAATTAAGTGTTGAGTCTTTGCTCTATCAGTGTTTCGCATGCTGAAAATCGCAA
AACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAACAA
AAATCTGTGAACGTAGCGTTCTTATGTATATTTCCAGCTATCAGGAAAGCTCAAGAAAAC
CTAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACC
TCGTAT

--

>Btmar1.12.13_gi-1092454650-gb-MAMS01000255_1-:269747-270710
gi-1092454650-gb-MAMS01000255.1-:269747-270710 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold98, whole
genome shotgun sequence 964 bp

TACGGGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCACAAGTAGCCACAAATGCGTCCAA
ATTCCGTTTTCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGAAAATATATTTAAGAACGCTACGTTCAACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACCTCAAGA
ATGTTTTGCGATTTTTATGTTTGACCGAACTTGTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTCGTCTCCACATCGTAGCCGTACACTAAAGT
ATTGTCACCGAAAATTTTCTATCCAAAAATGTAGGATCATTGTCAAACGTTCAAGCAG
CTAAAGGGAAATTGACATTTTGTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGTTCAAG
TGTACCTACCTGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGGACAGAGC
CCTCAGAAATATTACTCTGTTCAACAAGCGGGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTCCCG
CACTTCTCCACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTTAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATC
TTTGACGAACTCCTGACCAGTTTTGAATCGTTTAACCCATTCAAACAGTGGGAACATCT
CATACAATGATCATGGTAAAATTTACTTAGCATATACCAAAGTTTCGGTACGAGGTATA
CCGAGAAAATTTAATGTTGAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCGCAAA
ACGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAACAA

AATCTGTGAACGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAACC
TAATTCGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGGTTTCTAATCTAACAGACCT
CGTA

--

>Btmar1.12.14_gi-1092454908-gb-MAMS01000185_1-:112063-113010
gi-1092454908-gb-MAMS01000185.1-:112063-113010 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold591, whole
genome shotgun sequence 948 bp

TACGAGGTCTGTTAGATAAGAAACAGGATTTTGGTGATACTAGTACATCATGCGGCCGA
ATTATGTTTCCTTGGACTTTCTTGATAGCTGAAAATATACTTGAGAACGCTACATTCACG
AATTTGTAAAATTTAATTAGCTTTGTTGGTAAGTGGTTTGAAGTAAAGCAACCTCATGG
GTGTTCAAGCGATTTTCACGTATGACCAAACCTTTCGCTCTTTTTTTGGTCTTGACAACC
TTTTTCAACCCGCACGGATGGTTGGAGTTTTGTCTCCATATTGTAGCCGCACTTCAAATT
AGTCAACGGAAATTATCTTATCCAAAAATGCAGGATCATTGTCAGAACGTTCAAGAAGCT
CAAGGAAAATTTACACTTGGTTGGATTTTTGTTCAACGGACAACAGTCGCGGGACAAGTT
TAGCTGAAACTCGATGCATGTGTAAATATTCTATCAAAATTGTATGTACGTACAGAGCCC
TCAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCCCACTTTTTCCGCGTGTCAA
ATGTCAGGTGCCATTGATGGTCGATTCCCGTGCTCCTCATCTTCGACAAACTCCTGACCA
GTTTTGAACCATTTAAACCGTTTAAAACTCTAAGAACAACCTATACAATGATCTTGGTAA
ACTTTACTTAGCATACCAAAAGTTTCGATACAAGGTATACCGAGTTCAAAATAAAATTTA
ATGATAAATCTTTGCTCTATCAGTGATCGCATGATGTAAATTGCAGAACGCCCTGACTT
ACTCGTATTCAAGGTGACACAGAATGAACACTGATCAAAATAAGCAAAATCTGTGAATCT
AGCGTTCTTTAGTAAGCTATCAGCTATCAGGAAATTCCAAGAAAACCTAATTCGGATGCA
CAATGCGCTGGTTATCACCAAAATCCGGTTTCTTATCTAACAGACCTC

--

>Btmar1.12.15_gi-1092454059-gb-MAMS01000515_1-:84761-85724
gi-1092454059-gb-MAMS01000515.1-:84761-85724 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1098, whole
genome shotgun sequence 964 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTTTGGTCATACTAGCCCACAATGCGTCCAA
ATTACGTTTCCTTGAGCTTTTCTGATAGCTGGAAATATACGTAAGAACGCTACGTTGCA
AGTTTGAAAAATCCTAATGAGCTTCGTTGGTATGTGGCTTGAAGTAAGGCAACTTCAAGG

GTGTTTTGCGGTTTTTATGTTTCACCGAACTTGCTCTCTTTTTTCGGTCTTGCACTACA
TTTTTCAACCCACAAGGACGATTGGAGTTTTGTCTCCATATCGTAGCCGTACACTAAAAT
ATTGTCACCGATAATTATCCTATCCAAAAATGTAGGATTTGAACGTTCAAGCAGCTAAAG
GGAAATTGACATTTGGTTGGATTTTCGTTCAACGGACAACAATCAAGGGGCAAGTGTACC
TGAAACTCGATGCGTGTCTACATATTCTATCAAAATTGTATGTACAGAGCCTTCAGTAAT
ATTACTCTGTTCAACAAGCTCGAAACGACCGTTTTTCGAGCACTTTTGCCCGCATTCTTC
CACGTGACAAATGTCAGTTGCCGTTGAGGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTTGACGAA
CTCCTGACCAGTTTTGAATTGTTTAACTCATTCAAAACAGTGGGAACATCTCATACAATG
ATCATGGTAACTTTACTTAGCGTATACCAAATGTTTTGGTACAAGGTATACCGAGTTTA
AAACAAAATTTAATGTTGAATCTTTGTTCTATCAGTGATCGCATGATGAAAATCGCAAAA
CGCACCTGACTTACTCGTATTCAAGATGACACAGAATAAACACTGATCAAAATAAACAAA
ATCTGTGAAAGTAGCGTTCTTAAGTATATTTCCAGCTATCAGAAAAGCTCAAGAAAACGT
AATTTGGACGCATTGTGGGCTAGTTATGACCAAAATCCGTTTTCTAATCTAACATACCTC
GTAT

--

>Btmar1.12.16_gi-1092425808-gb-MAMS01019730_1-:3672646-3673593
gi-1092425808-gb-MAMS01019730.1-:3672646-3673593 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold995,
whole genome shotgun sequence 948 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAACCGGATTCTGGTGATAACTAGCCCACAATGCGTCGGA
ATTAGGTTTTCTGAACTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAATGCTACATTCACA
ACTTTGAAAAATCCTAATTTGCTTCGTTGGTATTTGGGTTGAAGTAAGGCAACCTCATGG
GTGTTCTGCGATTTTCATGTTTGATCGAACTCGTTTCTTTTTTTTTTCGGTCTAGCACCAC
CTTTTTCAACCCACAAGGATGCTTTGAGTTTCGTCTTCATATCGTAGCCGTACACTCAAG
TTTTGTCACCGAAAATTATCCTATCAAAAAATGTAGGATTATTGTCAGAACGTTCAAGCA
GCTAAAGGGAAATTGACGTTTGGTTGGATTTTTGTTCAACAGACAACAATCAAGGGGCAA
GTGTACCTGAAAATCGATGTATGTCTACATATTCTATCAAAATTGTACGTACAGAGCCTT
CAGAAATATTACACTGTTGAGCAAGCTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCACACA
CTTCTTCCTTTTGGCAAATGTCAGTTGCTGTTGATGGTCGATTCCCGTGCTACTCATCTT
GGACTGACTCCTGGCCAGTTTTGCACCTTTTAACCCTCTCAAAACAGTTAAAACAACCTCA
TACAATGATCTTGGTAACTTTACTTAGCATACCAAAAGTATTATTAAATTAAGTTTGAA

GTAATCTAATGTAAATCTTTGCTCTATCAGCGATCGTATGATGAAAATCGCAGAACGCA
CCTGACTTGCTCGTATTCAAGGTGACACAGAATGAACACTGAATAAACAAAATCTGTGAA
TGTAGCGTTGGCCAGTTTGTATTAGCCATCAGAAAAGTCCAAGGAAACCTAATTCGGGC
GCAGAATGGGCTAGTTATCACCAAAATCCGGTTTCTAATCTTACAGAC

--

>Btmar1.12.17_gi-1092454709-gb-MAMS01000236_1-:1392262-1393225
gi-1092454709-gb-MAMS01000236.1-:1392262-1393225 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold707,
whole genome shotgun sequence 964 bp

TACGAGGTCTGTTAGATTAGAAATCGGATTTTGGTGATAACTAGCCAACAATGCGTCCGA
ATTAAGTTTTCTTGACTTTCCTGATAGCTGGAAATATACTTAAGAACACTACAATCACA
AATTTGAAAAATCCTAATTAGCTTCGTTGATATGTAGCTTGAAGTGAGGCGACCTCATGG
GTGTTCTGCGATTTTTATGTTGACCAAACCTGTCTCTTTTTTCGGCCTTGCACTACAATT
TTCAACCGACAAGGATGATTAGAGTTTCATCTCCATATCGTAGCCGTACTCTCAAGTTTT
GTCACCGAAAATTATCCTAACCAAAAATGTGGGATCACTGTTAGAACGTTCAAGCAGCTA
AAGGGAAATTGACATTCGGTTGGATTTTTGTTCAACAGACAACAATCAAAGGGCAAGTGT
ACCTGAAACTCGATGCATGTCTACATATTGTATCAAATTGTACGTACAGAGCCTTCCAA
AATATTACACTGATCAGCAAGTTCGAAACGACCATTTTCGAGCACTTTTGCCCGCACTTC
TTCCACATGGCAAATGTCAGTTGCCATTGATGGTCGATTCCCATGCTCCTCATCTTCGGC
GGACTCCTGACCAGTTTTGCATCGTTTAACCCACTCGAAACAGTGAGAACAACCTCATACA
ATGATCTTGGTAACTTTACTTAACATACCAAAAGTTTCAGTTCAAGGTATACCAAGTTT
AAAACAAAATTTAATGTGAACTCTTTGCTGTATCAGTGATCGCATTATGAAAATCGCAGA
ACGCATCTGACTTACTCGTATTCAAGGTGACACAGAATGAAAACCTGATCATAATAAACAA
AATCTGTGAACCTAGCGTTCTTAAGTATATTTTCAGCTATCAGGAAAGTCCAAAAAAACC
AAATTCGGATGCATTGTGGGCCAGTTATCACCAAAATCTGGTTTCTAATCTAATAGACCT
CGTA

>Btmar1.13.1_gi-1092455329-gb-MAMS01000074_1-:5396264-5397134
gi-1092455329-gb-MAMS01000074.1-:5396264-5397134 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold27,
whole genome shotgun sequence 871 bp

TACGAGGGGTGTCCAAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGGGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTGGTCTTTACA

GAATGCAAAAATTCGTCTTAGTACGGAACTACACGCTTTGGAATGAAGGAAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTATCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAAAAACCC
AGGTTTTAAGTTATAAACTTCATTGCTCTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTA
ACATTTTATAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTAGCCAGCTTT
GTCGATGCATATTTGCCACCGTTTCTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGG
TTTGAATGATCGCAATTCCTCAAGGTGAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTT
CTGAGACGATTACGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCTGAGCTTTGGAGAGAGAATTCC
TGGTTTCTGCATCACTATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTGGCGAATTTTGT
GCTATAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCCCTTATTCACCTAACCTGGCTCCGTGTGATTTT
TTCTTATTTCCATGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTGCGACGTTTTCAAACCATTCGGAA
ATTCAAGAGATCACCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAACAGTGT
TTCTCCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAATATGCATCGACAAAGCTGGCTAGTATTTTGAA
GGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTA

--

>Btmar1.13.2_gi-1092428515-gb-MAMS01017023_1-:5308584-5309758
gi-1092428515-gb-MAMS01017023.1-:5308584-5309758 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold809,
whole genome shotgun sequence 1175 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAGGGCGAAACGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATACTGGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAAAAACCCA
GGTTTTACGTAAAAAATTCGTTGCTCTCACTCAAATGCTTAAAAGTAAGGAAATTAACA
TTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATACTCGCCAGCTTTGTCGA
TGCATTTTTGCCACTGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTAGGAAATCCTCAGGTTTGA
ATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTTCTGAG
ACGATTAAGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCTGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCTGCTT
TCTGCATCACGATAGTGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTGGCGAATTTTGTGCAAA
GAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTAACCTGGCTCCGTGTGATTT
TTTATTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTGCGACGTTTTCAAACCATTCGGGA
AATTCAAAAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCTACAGTG

TTTCTCCAATTGAAGAAATGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGA
AGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTCTTACTTTTAAGCAT
TTGAATGAGAGCATCGAAGTTTTTAACTTAAAACCTGGGTTTCTTTAAGTTGTATCTAAA
TTTTTCTTGAAATGAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAAGC
GTATAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTTGCATTCTTTAAAAACCAGTATCTCCAGTAGC
TTATCAGCTTTCAAACAAGCCCCAAAAAACTTCATTACGACGCTCGCTTCGCCCTCTATG
ACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.13.3_gi-1092455529-gb-MAMS01000026_1-:2839730-2840904
gi-1092455529-gb-MAMS01000026.1-:2839730-2840904 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15,
whole genome shotgun sequence 1175 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAAGAAACCAGACTTTTGTATAGAAGGCAAACCAAGCGTCGTA
ATGAAGCTTCTTCGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTGTTCTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTAGACGCTCTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TTGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTGAGATACAACCTAAAAAAAACCC
AGGTTTTCAAGTAAAACTTCGTTGCTCTCTTATTCAAATGTTTAAAAATAAGGGAATTA
ACATTTTAAGCAGCTTACCCAATCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCACCAGCTTTGT
CGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTT
CGAGGAGTTTTCCATCATGAATTTTTACCGAAAGGAGAAACTGTAAATCGCGAATATTAC
AATGGTGCTCTGAGACGATTACGTGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCCGAGCTTTGGAGA
GAGAATTCCTGGTTTCTGTATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCGC
GAATTTTGTCAAAAAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTGACCTG
GCTCTGGCTGATGTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACCTGAAAGGTCGACGATT
CAAACCATTCGGAAATTCAAGAGAACACCTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTAAG
GATTTCCAACAGTGTTTCTCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCT
GGCGAGTATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTCC
TTATTTTAAAGCATTTGAATAAGAGAGCAACGAAGTTTATAACTTAAAACCTGGGTTTTT
TTAAAGTTGTATCCAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACT
TTCCTTTATTTCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTTGCATTCTGTAAAAA
CAAGCATCTCCAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAGCTTCATTACAACGC

TCAGTTTGCCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTT

--

>Btmar1.13.4_gi-1092434463-gb-MAMS01011075_1-:206878-207862
gi-1092434463-gb-MAMS01011075.1-:206878-207862 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5453,
whole genome shotgun sequence 985 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCAGACTTTTGTTCATGGAAGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGTTTGTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTGATAAGCTAGCTGATGCT
TGTTTTTACAGAATGCAAACATCCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTGGAATAAAGGA
AAGTCAAACCTCGAGTTGCGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGGAAAATTTAGATACAACCT
TAAAAAAAAAACCAGGTTTTAAGTTAAAAACTTCGTTGCTTTCTTATTCAAATGCTTAAA
AATAAGGAAATTAACATTTTAAGCAGCTCAGGTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAA
ATACTCGCCAGCTTTGTTCGATGCATTTTGGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTG
TTGAAAATCCGCAGGTTTGAGTGATCGTAATTCCTCAATCTGAAACTGTCAACCGAGAA
TATTACAATGGTCTTCTGAGACGATTACGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCCGAGCTT
TGGAGAGAGAATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCAAGCATCCCTCCAA
ATTCGCGGATTTGTGCAAAGAATGCCACGAGTGTCTCTCATCATCTTTATTCACCTG
ACCTTGCTCCGTGTGATTTCTTCTTATTTTACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGAC
GTTTTCAAACCATTTCGAAATTCAAGAGAACACCTTGAAAGAATTGCGATCATTCAAACC
TGAGGATTTCCAACAGTGGTTCTCCCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAA
AGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTACCTAAGCTGCTTAAAATGT
TAATTCCTTATTTTTAAGCATTTGAATAAGAAAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCT
GGTTTTTTTTTTAAAGTTGTATCTA

--

>Btmar1.13.5_gi-1092434463-gb-MAMS01011075_1-:206918-207865
gi-1092434463-gb-MAMS01011075.1-:206918-207865 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5453,
whole genome shotgun sequence 948 bp

GAAGGCGAACCGAGCGTCGTAATGAAGTTTTCTTGGGTTTGTGTTGAAAGCTGATAAGCTA
CTGATAAGCTAGCTGATGCTTGTGTTTTACAGAATGCAAACATCCGTCTTGGTAAGGAAAC
TACACGCTTGGAATAAAGGAAAGTCAAACCTCGAGTTGCGCGATTTTTGTCTTTATTTCAA
GGAAAATTTAGATACAACCTTAAAAAAAAAACCAGGTTTTAAGTTAAAAACTTCGTTGCT

TTCTTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAACATTTTAAGCAGCTCAGGTACCAAGT
CATCACCTATCCCCTTCAAAAATACTCGCCAGCTTTGTGCGATGCATTTTTGCCACCGTTTC
TTCAATTGGGAGAAACACTGTTGAAAATCCGCAGGTTTGAGTGATCGTAATCCCTCAAT
CTGAAACTGTCAACCGAGAATATTACAATGGTCTTCTGAGACGATTACGCGAAAATGTCC
GCAGAAAAAGGCCCGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCAC
CTGCCCAAGCATCCCTCCAAATTCGCGGATTTGTGCAAAGAATGCCACGAGTGTCTCTC
TCATCATCTTTATTACCTGACCTTGCTCCGTGTGATTTCTTCTATTTTCACGACTTAA
ATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTCAAACCATTCGGAATTCAAGAGAACACCTTGAAA
GAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCCAACAGTGGTCTCCCAATTGAAGAAACGG
TGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGT
ACCTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTCTTATTTTAAAGCATTTGAATAAGAAAGCAACG
AAGTTTTTAACTTAAACCTGGTTTTTTTTTAAAGTTGTATCTAAAT

--

>Btmar1.13.6*_gi-1092444632-gb-MAMS01004733_1-:1321680-1322856
gi-1092444632-gb-MAMS01004733.1-:1321680-1322856 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2737,
whole genome shotgun sequence 1177 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAGGGCGAACCGAGCGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTATTGGAGATACTGGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGGAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATATAGATACAACCTAAAAAACCCA
GGTTTTAAGTTAAAAACTTCGTTGCTCTCATTCAAATGCTTAAAAATAAAGGAAATTAAC
ATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTCCAAAATACTCGCCAGCTTTGTGCG
ATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTAGGAAATCCTCAGGTTTG
AATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTCTGA
GACGATTAAACGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCTGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCTGCT
TTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTGGCGAATTTTGTGCAA
AGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCAAACCTGGCTCCGTGTGATT
TTTTTATTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTTTCAAACCATTCGG

GAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCCATCATTCAAACCTGAGGATTTCTACAG
TGTTTCTCTCAATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGCTGGCGAGTATTTT
GAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTGAAATGTTAATTCCTTATTTTTAAGC
ATTTGAATAAGAGCAACGAAGTTTTTAACCTAAAACCTGGGTTTTTTAAGTTGTATCTA
AATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTCCCTTTATTCCAAA
GCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATTTTTGCATTCTGTAAAAACCAGTATCTCCAATA
GCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAACCTTCATTACGACGCTCGGTTCCGCCCTCTA
TGACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

--

>Btmar1.13.7_gi-1092454879-gb-MAMS01000194_1:-972167-972959
gi-1092454879-gb-MAMS01000194.1:-972167-972959 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold610, whole
genome shotgun sequence 793 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAGGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGTTTGTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTGGTTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAGAAATTTAGATACAACCTAAAAAAAAC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGATCTCATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAA
CATTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGTC
GATGCATTTTTGCCACCGTTTCTCATTTGGGGGAAACACTGTAGGAAATCCTCAGGTTT
GAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTTCTG
AGACGATTAAGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCTGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCTGC
TTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCATGCACCCCTCCAAATTGGCGAATTTGTGAA
AAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTAACCTGGCTCCGTGTGAT
TTTTCTTATTTCCACGACTTAATTCTACCTGAAAGGTCGACGTTTTCAAACCATTCGG
GAAATTCAAGAGAACACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGAGGATTTCTTAAAG
TGTTTCTCCCAAT

>Btmar1.14.1_gi-1092455625-gb-MAMS01000011_1:-942346-943002
gi-1092455625-gb-MAMS01000011.1:-942346-943002 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold123, whole
genome shotgun sequence 657 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGATTTTTGTCTAGAAAGGTGAACCGAGCGTTGTA

ATGCAGTTTTCTTGGGGTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTATTACA
GAATGCATAAATTCGTCTTTGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTATTTCAAGAAAAATATAGATACAACCTAAAAAACCCCT
GGTTTTAAGTTGAAACTTCGTTGCTCTCTTCTTCAAATGCTTAAAAAAAGGAAATTAA
CATTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTGTC
GATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTT
GAATGATTGCGATTCTTCAAGGTGTTCTTGAATTTTCGGAATGGTTTGAAAACGTCG
ACCTTTCTAGGTAGATTTAAGTCGTGGGAATAAGAAAAAATCACACGGAGCCAGGTCAGG
GGAATAAGGGGGATGAGGAAGGACACTCATGGCATTCTTGCACAAAATTCGCGAATTTG
GAGGGATGCATGGGCATTATCGTGATGCAGAAACCAGGAATTCTATTCCAAAGCTC

>Btmar1.14.2_gi-1092455625-gb-MAMS01000011_1-:7723731-7724284
gi-1092455625-gb-MAMS01000011.1-:7723731-7724284 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold123,
whole genome shotgun sequence 554 bp

GTACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAGGGCGAACCGAGGGTCGT
AATGAAGTTTTCTTGAGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATACTGGTTTTTAC
AGAATGCAAAAATTCGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATTCAGGAAAGTCAAA
CTCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACCTAAAAAACCC
AGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATTAAC
ATTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTAGCTTTGTCGATGC
ATTTTGGCACTGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGTTTGAATG
ATCGCAATTCCTTCAAGGTGAACTGTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTCCGAGACG
ATTAAGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCTGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCTGCTTCCT
GCATCACGATAATG

--

>Btmar1.14.3*_gi-1092428348-gb-MAMS01017190_1-:553-1252
gi-1092428348-gb-MAMS01017190.1-:553-1252 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold81686, whole
genome shotgun sequence 700 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTCTAGAGGGCGAACAGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTTGAAAGCTGATAAGCTACTGAAGATGCTTGTTTTTACA

GAATGCAAACATTGGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTTGGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAAAAAAA
ACCAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAA
TCAACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATATTCGCCAGCTT
TGTCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATCGGGAGAAACACTGTTGAAAATCCGCAG
GTTTGAATGATCGCAATTCCTTGAAGGTGAAACCGTCAACCGAGAATATTACAATGGTGT
TCTGAGACGATTACGCGAATATGTCCGCAGAAAAAGGCCCGAGCTTTGGAGAGAGAATTC
CTGGTTTCTGTATCACGATAACGCACCTGCCCAAGCATCCCTCCAAATTCGCGAATTTTG
TGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCTCTATTTACCTGACCTGGCTCCGTG
TGATTTTTTCTTCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCG

>Btmar1.14.4_gi-1092427692-gb-MAMS01017846_1-:145-790

gi-1092427692-gb-MAMS01017846.1-:145-790 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold84775, whole genome shotgun sequence 646 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACAGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTACTAAAGATGCTTGTTTTTACA
GAATGCAAACATTGGTCTTGGTAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTTGGATTTTTTTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTAAAAAAAAAAC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTGCTCTCTATTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATC
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAAATATTCGCCAGCTTTG
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATCGGGAGAAACACTGTTGAAAATCCGCAGGT
TTGAATGATCGCAATTCCTTCAAGGTGAAACCGTCAACCGAGAATATCACAATGGTGTTT
TGAGACGACTACGCGAAAATGTCCGCAGAAAAAGGCCCGAGCTTTGGAGAGAGAATTCCT
GGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCAAGCATCCCTCCAAATTTGCGAATTTGTG
CAAAGAATGCCATGATTGTCTCCCTCATCCCCTCTATTACCTGA

>Btmar1.15.1*_gi-1092454581-gb-MAMS01000286_1-:294639-295854

gi-1092454581-gb-MAMS01000286.1-:294639-295854 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1011, whole genome shotgun sequence 1216 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTTGGGCTTGGTTAAAAGCTGATAAGCTACTGGAGATGCTTATTTTTACA

AAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCCTTGAATAAAGGGAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTTAAAAAAACCC
TGGCTTTGAGTTAAAACTTCATTTCTCTTATTCAAATGCTTTAAAATAAGGAAATTA
ACATTTGATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATTACCTGTCCCTTTCAAATACTCACCAGC
TTTGTGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAATACTGTTGGAAATCCTC
CGATTTGAATGATGGGAATTCCTTCGAGGTGTTCTTGAATTTACCGAAAGGAGAACT
TTCAATCGCGAATATTACAATGGTGTCTGAGACGATTACGCAAAAATGTCCGCAGAAAA
AGGCCCCGAGCTTTGGGGAGAGAGTTCCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCAT
GCATCCCTCCAAATTCGCGACTTTTTTGCAAAGAATGCCATGGGTGTCCTCCCTCATCCC
CCTTATTCACCTGACCTGGCTCCGTGTGATTTTGTCTTATTTCCACGACTTAAATCTACC
TTAAAAGGTCGACGTTTTCAAACCATTCCGGAAATTCATAGAACACCTTGAAGGAATTG
CGATCATTTCAACCTGAGGATTTCCAACAGTATTTCTCCAATGGAAGAAACGGTGGCAA
AAATGCATCGACAAAGCTGGTGAGTATTTGAAAGGGACAGGTAATGACTTGTAAGCTG
CTTAAAATCAATTGTTAATTTCTTATTTTTAAGCATTGAATAAAAGAGCAATGAAGTT
TTTAACTTAAAGCCAGGGGTTTTTAAAGTTGTATCTAAATTTTTCTTGAAATCAAGACA
AAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGA
TGAATTTTTGCATGCTGTAAAAACAAGCATCTCTAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGC
CCAAGAAAACCTTCATTACAACGCTCGGTTCACTTTCTATGACAAAAGTCCTGTTTCTTTT
GGGACAGCCCTCGTAC

>Btmar1.15.2_gi-1092442913-gb-MAMS01005707_1-:115951-117147

gi-1092442913-gb-MAMS01005707.1-:115951-117147 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3142,
whole genome shotgun sequence 1197 bp

TACGAGGGCTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTTGTATAGAAGGCGAACCGAGCGTCGTA
ATGAAGTTTTCTGGGGCTTGTTTGAAAGCTAATAAGCTACTGAAGATGCTTTTTTTTACG
GAATGCAAAAATTCGTCTTGGAAGGAACTACACGCTTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATTTCAAGAAAAATTTAGATACAACTTTACAAAAAACC
CAGGTTTTAAGTTAAAACTTCGTTACTCTCTTCTTCAAATGCTTAAAAATAAGGAAATT
AACATTTTAAGCAGCTTACCAAGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTA
TCGATGCATTTTTGCCACCGTTTCTTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATTCTCAGGT
TCGAGGAGTTGTCCATCATGAATTTTTACCGAAAGGAGAACTGTCAATGGCGAATATTA

CAATGGTGTCTGAGACGATTACGCGAAAATGTCCGTAGAAAAAGGCTCGAGCTTTGGAG
AGAGAATTCTGGTTTCTGCATCACGATAATGCACCTGCCCATGCATCCCTCCAAATTCG
CGAATTGTGTGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTCATCCCCCTTATTCACCTGCCCT
GGTCCCCGTGATTTTTCTATTTCGCGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGACGTTT
TCAAACCATCCGGAAATTCAAGAGAACGCCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAAACCTGA
GGATTTCCAACAGTGTCTCCGCATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGACAAAGC
TGGCGAATATTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAAATGTTAATTTT
CTTATTTTAAAGCATTTGAAGAAGAGAGCAACGAAGTTTTTAACTTAAACCTGGGTTT
TTTTGTAAAGTTGTATCTAAATTTTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTT
GACTTTCCTTTATTCCAAAGCGTGTAGTTCCTTACCAAGACGAATTTTTGCATGCCGTA
AAAACAAGCATCTTTAGTAGCTTATCAGCTTCAAACAAGCCCCAGAAAACCTCATTACG
ACGCTCGGTCGCCTTCTATGACGAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTAC
--

>Btmar1.15.3_gi-1092427212-gb-MAMS01018326_1:-48530-49723

gi-1092427212-gb-MAMS01018326.1:-48530-49723 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold8703, whole
genome shotgun sequence 1194 bp

TACGAGGGTTGTCCCAAAGAAACCGGACTTTCGTCATAGAAGGCGAACCGAGCGTTGTA
ATGAAGTTTTCTGGGCTTGTTGAAAGCTGATAAGCTATTAAAGATGCTTGTTTTACA
GAATGCAAAAATTCGTCTTGTAAGGAACTACACGCTTGGAATAAAGGAAAGTCAAAC
TCGAGTTGCGATTTTTGTCTTTATGTCAAAAAAATTTAGATACAACCTAAAAAGAAACC
CAGGTTTTAAGTTGAAAACCTCGTTGCTCTCTTCTTCAAATGCTTAAATATAAGGAAATT
AAAATTTTAAGCAGCTTACCATGTCATCACCTATCCCCTTCAAATACTCGCCAGCTTTG
TCGATGAATTTTTGCCACCGTTTCTCAATTGGGAGAAACACTGTTGGAAATCCTCAGGT
TTGAATGATCCCAATTCCTTCAAGGTGTTCTCTTGAATTTACCGAAAGGACAAACTGTCA
ATCGCGAATATTCCAATGGTGTCTGAGACGATTACGCAAAAATGTCCGCAGAAAAATAG
GCCTGAGCTTTGGGGAGAGAATTCTGGTTTCTGTATCACGATAATGCACCTGCCCATGC
ATCCCTCCAAATTCGCGAATTTGTGCAAAGAATGCCATGAGTGTCTCCCTTATCCCCC
TGACCTAGCTCCGTGTGATTTCCCTATTTCCACGACTTAAATCTACCTTGAAAGGTCGA
CGTTTTCAAACCATCCGGAAATTCAAGAGAGCACCTTGAAGGAATTGCGATCATTCAA
CCTGAGGATTTCCAACAGTGTCTCCCGATTGAAGAAACGGTGGCAAAAATGCATCGAC

AAAGCTGGCGAGTATTTTGAAGGGGATAGGTGATGACTTGGTAAGCTGCTTAAATGTTA
ATTCCTTTTTTTTAAAGCATTTGAAGAAGAGAGCAACGAAGTTTTCAACTTAAACCAGG
GGTTTTTAAAGTTGTATCTATATATTTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTT
TGACTTTCCTTTATTCAAAGCGTGTAGTTTCCTTACCAAGACGAATGTATGCATTCTGT
AAAAACAAGTATCTTTAGTAGCTTATCAGCTTTCAAACAAGCCCAAGAAAAGTGCATTAC
GCTCGGTTGCGCTTCTATGACAAAAGTCCGGTTTCTTTTGGGACAGCCCTCGTA

>Btmar1.16.1*_gi-1092454946-gb-MAMS01000174_1-:499068-500772

gi-1092454946-gb-MAMS01000174.1-:499068-500772 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold562, whole genome shotgun sequence 1705 bp

TATCCAGCAGACCTTCGCCAAAGGTCCATCTCAGTTGCCCTTGCCCTTAGCATGTCTTCAGTTCTTTCTTTAGTTGC
CAGACCTCACTCCCCTAAGTTACGATACTCTTCACGATGACGTTGTAAATTTTCTTTGGTCTCCTTGAGATACTC
TTGTCACAGAGAACCCCATTTAGCATCGCGATAGCTTTCATGCCTTGCATATTCCGATCTTTAATAGCTCGATCCAAA
TTCCGTCCTCAGTTAACCAAACTCCTAGATACGTGGTCTGTCCGAAAGTATCAGAACTTTTAGATTTTGAGAAA
GCGAGCGTAAGTACTCTCCGTAAGACACAATGCACTTGTCTAGCGATTTTGGAGCTTTTCAAACAGTCCAAAAA
GCACTCCTTTGCGATGTCCCTCAGCGCTCTCGTCGTATTCTCTTTAATGTCATTGATGGAGTCAAATCGAGTCCCTTT
CATAAGAGATTTAGCTATGGGAACAGCCAGAAGTCGCAAGGAGCTAAGTCTGGACTGCATGGAGGATGTGGAA
CCAGAGGAATACCGTGCTTTACCAAAAAGTGTGCACAAGACAGAAGGAACGAGCCGGAGCGTTGTCATGTTGGA
GCATCCAGTCACCGCTTGCCATAATGCAGGGCGCTTGCCTGATAGCATCCCGCAAACGCCGTAAAGTTTCCTG
ATATGCTTCTTTAGTGATGGTTGTACCCTGGGGAGCATATTCGTGATTCTTAATACCTTGGTAGTCGAAAAAACAG
TGAGCATGACCTTGATGTTGCTGTGACTTCGCCGTGCTTCTTTGGGGCGCGCGTCCCGGGTGCGATCCATTCTGA
GGACTGTGCTTTTGTCTCAGAGTCATAGCCGTAGACCCAAGACTCATCCCGGTTATGATTTTCTTCAAAAAGTCTAG
GGTCATTCTCAGTGTTGCTGTAACTCGTCGAAATGAAAAGTCGCCACTCCTTTGCTCTGCTGTCAAAAATCTTT
GGCACAATTTTCGCTGCCACTCTACGGAGCCCGAGTTTTCAGTTAAAAGGACCCTACAACAAAACGGCCAAATCG
GCCTAAACACGGAATCGTACGATTTTCTCAGGAATGATAGAGGGTCTTCCAGACACTCAAAAGTGGTCATATTTT
TGCGTAACCCCAAGGAAAAGGGAGGAGGGGGTCAAAGTCAAACCTTTAAATTAGCATAACTTCTCAACGGT
TTGTCGTAGAAAGATGATCTTGGTGTCAAAAATTTCCAGAAAAATGAGAGCTTTCAGAATATATGTATGAAATTACTA
AAATTATGAAATTTGACCCACTTTTGGGGCATTTTACAAGGTCCCCCTTTCGTAAATTTTCGTTTTTTGAGATTTTCG
GTTGTTGCGTTTCGTACGGATTAAGACAAAAACAATTTCAAATGAAAGGAGAGCGTTTAAAGCTTTAAAACAAGACCA
AGATGATCCTTAGAAAACGATTAGAAGCGGAGTTATGAGTCTTCAAAGTTGACGCGGCGCGCGGGAACCTTGAT
GTTCCGAGTCTCAAGGTACCTGCGCGCCCCGGATTGCCTGCAGGTTGCAAGTTTTTGTGTTTTATGCTTCTGTAA
GTAGGTCATTTTTAATGTAAATCATTCAATGAAGATAGTTTAATCAGAATTTTTTAAATTTACGCAATGGGCCTTGG
GCGAGGTACACCTCTTTA

>Btmar1.16.2*_gi-1092454946-gb-MAMS01000174_1-:499219-500804

gi-1092454946-gb-MAMS01000174.1-:499219-500804 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold562, whole genome shotgun sequence 1586 bp

ATACTCTTGTCACAGAGAACCCCATTTAGCATCGCGATAGCTTTCATGCCTTGCATATTCCGATCTTTAATAGCTCGA
TCCAAATTTCCGTCCTCAGTTAACCAAACTCCTAGATACGTGGTCTGTCCGAAAGTATCAGAACTTTTAGATTTTG
AGAAAGCGAGCGTAAGTACTCTCCGTAAGACACAATGCACTTGTCTAGCGATTTTGGAGCTTTTCAAACAGTCC
AAAAAGCACTCCTTTGCGATGTCCCTCAGCGCTCTCGTCGTATTCTCTTTAATGTCATTGATGGAGTCAAATCGAGTC

CCTTTCATAAGAGATTTTCTAGCTATGGGAACAGCCAGAAAGTCGCAAGGAGCTAAGTCTGGACTGCATGGAGGATGT
GGAACCAGAGGAATACCGTGCTTTACCAAAAAGTGTGCACAAGACAGAAGGAACGAGCCGGAGCGTTGTCATGT
TGGAGCATCCAGTCACCGCTTGCCCATATGCAGGGCGCTTGCGTCTGATAGCATCCCGCAAACGCCGTAAAGTTT
CCTGATATGCTTCTTTAGTGATGGTTGTACCCTGGGGAGCATATTCGTGATTCTTAATACCTTGGTAGTCGAAAAA
ACAGTGAGCATGACCTTGATGTTGCTGTGACTTCGCCGTGCTTCTTTGGGGCGCGGCGTCCCGGGTGCGATCCATT
CTGAGGACTGTGCTTTTGTCTCAGAGTCATAGCCGTAGACCCAAGACTCATCCCCGGTTATGATTTTCTTCAAAAAC
TCAGGGTCATTCTCAGTGTTGCTGTAACTCGTCGAAATGAAAAGTCGCCACTCCTTTTGCTCTGCTGTCAAAAT
CTTTGGCACAATTTTCGCTGCCACTCTACGGAGCCCGAGTTTTTCAGTTAAAAGGACCCTACAACAAAACGGCCAAA
TCGGCCTAAACACGGAATCGTACGATTTTCTCAGGAATGATAGAGGGTCTTCCAGACACTCAAACTGGTCATATT
TTTTGCGTAACCCCCAGGGAAAAGGGAGGAGAGGGGGTCAAAGTCAAAACCTTTAAATTAGCATAACTTCTCAAC
GGTTTGTCTAGAAAGATGATCTTGGTGTCAAAATTTCCAGAAAAATGAGAGCTTTCAGAATATATGTATGAAATT
ACTAAAATTATGAAATTTGACCCACTTTTGGGGCATTTTACAAGGTCCCCCTTCGTAAATTTTCTGTTTTTTGAGATTT
TCGGTTGTTTCGGTTTCGTACGGATTAAGACAAAAACAATTTCAAATGAAAGGAGAGCGTTTAAGCTTTAAAAACAAGA
CCAAGATGATCCTTAGAAAAACGATTAGAAGCGGAGTTATGAGTCTTCAAAGTTGACGCGGCGCGCGGGAACCTTG
TATGTTCCGAGTCTCAAGGTACCTGCGCGCCCCGATTGCCTGCAGGTTGCAAGTTTTTGTGTTTTTATGCTTCTGT
AAGTAGGTCATTTTTAATGTAAATCATTCAATGAAGATAGTTAATCAGAATTTTTTTAATTTTACGCAATGGGCCTT
GGGCGAGGTACACCTCTTTAACGTCAAAAAAGTTTGACTGCGTTTCAAGTAG

>Btmar2.1|gi|1092428043|gb|MAMS01017495_1|:3236801-3238607 | NW_017564582.1|en amant
LOC109042459|GeneID:109042459||XM_019059206.1|Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold831,
whole genome shotgun sequence 1807 bp

TACGAGGGGCGTTCAATAAGTAAGTATCCCCCCTCTAAAATCTATAAAAATGGACCAA
TTTTTAAAACTTGGGCTTAAATCTTCCTTAGGATATTCTGAGCTCAACAAAACAAACC
GCACTAAAATCGGACCATTTCGCGCCGAACGCGAGCCGTTTGAACGCGCCGAAGCGCGCG
CCGCTCCCGCCAAATCCGCGGGTATTTTAAGTCAGCGAAAAGAGAGCAGCTTCTTCGCCA
AGGCTTCCATCGTTTCATCCCTGCCGAAAATACAAATAAGATATATGTAGAATAAGGGGCT
TACCTTACTTCTCCACATAGTCACCAGCCCGATCCAAGCACTCCGGTACCGAGTGGACA
GCTTGTGGATGCCACACGCGTAAAATTCCTTCGGCTGACTAATGAAGAAGGTGTGGACGG
CTTGTTAAGCTCTTCTACGGATTCAAAATGAATTCCCCCAAGTTCTGCCTTTAGGTACG
GAAATAGATGGTAGTCTGACGGTGCCAAATCAGGAGAGTAAGGAGGATGTGGGAATACTT
CCCATTTGAATGATGCTAAACGATCCTTTGAAATGGCTGCAGCATGTGGGCGCGCATTGT
CGTGGAGAAAAAGAACACCCCGTCTCAATTTCCGCGGCGCTTATTCTGGATAGCTCGTC
TTAACCGATCCAGAATGCCGCAATAATTCAGCATTGATTGTTCTGCCTTTTCAAGAT
AATCCTCCAGGAGGACACCTTCTGCATCCCCAAAAAAGTGTGAGCATCACTTCCCGGCAG
AATTTTGCCTTTTGAATTCGTGCGGGATTTTTCTCCCGGCCCGATCCAAGACATGGATT
GTTTCTTGGTTTCAGGAGTATAGTGATGCACCCATGTTTCATCACCCGTGACTATACTTT

GGTAAACCTCCTCTTGACCAAATTCTTTAATTTGCAGGAAAAATTCGTCTCCTGCTGCTA
CACGCTGAGCTTTGTGAGCTGCAGTCAGTTCGCGCGGCACCCAACGAGCACAACTTTAC
GCATGAACATTTTTTCGTGAATAATGGTTTCAATGGAACCAACCGAAAGGTCAATACAAT
ATTGTTGCGGTAACAGACGTTTCATTTCTTTGACTTTTACCCGACGATTGTCCTCAATCA
CGGCTTCAACTGATTGCGACTGCATCGTCGGTGATGGCTTCACATGGACGACCCGAGCGTT
GCAGATCGTGGATATCCGCGCGACCTTTTTTGAATTGATCAACCCATCTGCGCACCATAC
ACACAGTCATACATGTTGCACCGTATACGGCGACCAGTTTTTCGATGGATAGCATTGCCGG
TTTTCCCTTCCGCACTTAAAAACCGAATAACTGCGCGAATTTACAATCCTGAACAATTT
GAAGCGGTAACTCCATGATGCACACGTGAAAAAACGCTGCCACTAGACTGATTGTTTTTC
GGAATCATGATGCCACGGCATTATTATCAACGCGTTTTTCATGTTATCTTGTTATCTGT
ATGCACCGTGATTTTATGATTAATACAGATTGTGTGATCCACTCGCAGAGAGGATCCAAA
TCACTACCTCAGAAAGGTGATAACTGAACACCAAGCTGCGATTGCTAGCAGATTGGGCGG
GAGCGGCGAGCGCTTCGGCGCGTTCAAACGGCTCGCGTTCGGCCGCAAATGGTCCGATT
TAGTGCGGTTTGTTTTGTTGAGCTCAGAATATCCTAAGGAAGATTTTAAGCCCAAGTTTT
TAAAAATTGGTCCATTTTTATAGATTTTAGAGGGGGGGGATACTTACTCATTGAACGCC
CCTCGTA

>Btmar2.2|gi|1092425825|gb|MAMS01019713_1|:1862878-1863402
gi|1092425825|gb|MAMS01019713.1|:1862878-1863402 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold988,
whole genome shotgun sequence 525 bp

TACGAGCCTCTTGCAACGCTGCGTCGGTGGAGAACTTTTGGCCACCCAAGCTCTTCTTTA
ACGCAAGAAAGAGATGAAAATCGCTTAGAGGAAGGACCGGTGAGTACCGTGGATGAGGAA
AAAGGTCCCAATTGAATGAGCCGAACAAGTCTTGAGTCACATGAGCCACATGAGGCCTAG
CGTTGTCTTGAAGGAAGAACAATTGACGAGACAAAAGACCGGGCCGTTTTTCGCTTGATCG
CTGACTTAATTTTTTGCAAACTTCACAATATCTTTCGGCATCGATCGTTTTTCCTCTCT
CCAAGAAATCGATCAGTAATATTCCTTGAGCGCCCCAAAACACCTTAGCATGTACTCGTC
TGAGGAGCTCCGCCGCACTCGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGGTGGGTGCGAGA
AAAATGACGTCACTCGCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAACGAAGACTTTTTGAAAAG
CTGAGAGTATGGCGGTAAAAACGACGTTTACCGATTTAATTTATC

>Btmar2.3|gi|1092435004|gb|MAMS01010534_1|:8762007-8763707
gi|1092435004|gb|MAMS01010534.1|:8762007-8763707 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold52,
whole genome shotgun sequence 1701 bp

GTAAGTTTTGTGATGCTAAATGGTAAAATATATGTTATAAGAATATCTGACCCCGCTCA
GGCTTTCTAGGGGCACTCGTGAATTTTTGATCTCTCATGCACTTTTTTTTTTTTCCCCC
TTCAAAATCGTGTTCTAGATGTTTTGTAGAGCTATTTGTGAAGGACAAAAATTTCTGT
GCATACCACGAGAAATGGCAAAGAGTTGAAACTCCGGTGGGGTCAATCTGACCCCACTCA
GGCAGACTAGGGTTAATCTCCTTCGAAGTACTCTCCGTAAGACACAATGCACTTGTTCCA
GCGATTTTTGAGCTTTTCAAACAGTCCAAAAGCACTCCTTTGGGATATCCTTCAGCGC
TCTCGTCGTATTCTTTGATGTCATTGATGGAGTCAAATCGAGTCCCTTTCATTGGAGA
TTTCAGCTTTGGGAACAGCCAGAAGTCGCAAGGAGCTAAGTCTGGACTGTATGGAGGATG
TGGAACCAGAGGAATACCGTGCTTTGCCAAAACCTGTTGCACAAGACAGGAGGAATGGGC
CGGAGCGTTGTCATGCTGGAGCATCCAGTCAACGCTTGCCATAATGCAGGGCGCTTGCG
TCTGATAGCATCCCGCAAACGCCGTAAAGTTTCTGGTATGCTTCTTTAGTGATGGTTGT
ACCCTGGGGAGCATATTCGTGATGCACAATACCTTGGTAGTCGAAAAAACAGTGAGCAT
GACCTTGATGTTGCTGCGACTTCGCCGTGCTTTTTTGGGGCGCGGCGTCCCGGGTGCCAT
CCATTCTGAGGACTGTGCTTTCGTCTCAGGGTCATAGCCGTAGACCCAAAACATCCCC
GGTTATGATTTTCTTCACAACTCAGGATCATTCTCAGTAGCTGCCTGTAACCTCGTCGGA
AATGAAAAGTCGCCGCTCCTTTTGCTCAGCTGCGCTGTCAAACCTTTGGCACTTTGCT
GCCACTCTACGGAGCCCGAGTTTTTCAGTTAAATTTCCGCAACGATGGTCTTCGGGATG
TTTAGCTGCTCTTCCAGTTCCCGCACGGTTAATCGACTGTCTTGGGCGATAGCTTCCCGA
ACTTCTCCACGTTATCGGGAGAATTCGTGACGAAGGTCTCCCGACCGCGGATCACTA
GCGACTGTTTCACGACCCGATTTAAAACGATTATACCACTCATAAATATTGCTCTTGCTC
ATAGAATCAGTGCCGAAAGCTTTCGAATCATTTTCATGATCTCCTTGGCAGTTTTTCT
AGATTAAAGCAAAATTTAATACAAATTCTCTGATCTTCACGCTCGGTCATTTTACGAAAA
AAAAACGCGACGATAGCACTTGACACACACACTTTGATCAGTTGATTGCAATCGACTGA
TTAAAGGTGTGAAAGCCCGATTGTGTGGCTGCATTGGAGAGGACATGGGCAAAGTCCAAC
CCAAGTTTCAACTCATTATCTGCATTACATTCCGAGATAATCAAAAAGTCCTGATACTTT
CCGGACAGACCAGTAGTACCCTATTGACGCCAGCGTGGGTGCCAACAGTTTACCCACTG
CAATACCATGTTGAGATTAGTAGGTAGGTGCGGGGATGTTACCACGATGAAACATACACA

GTAACACACCTACTTGTTCACATTGTTCCGCGTTGGGAATACCTTATTTGACAGCATA
TTACATCGACAGTGAAGCTAC

>Btmar2.4|gi|1092425825|gb|MAMS01019713_1|:4047405-4048975
gi|1092425825|gb|MAMS01019713.1|:4047405-4048975 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold988,
whole genome shotgun sequence 1571 bp

TATCATGATTGTGGAATCATCTGCAGTTGGCCAACTATGCAGCTTCTGTGAACACATAAG
ATACTTCCCTTAGAAAAAATACATTGTACGAGGGGTTTTCCAAAAGTAAGGTCTCCATA
ATTTTTTCAAGTAGATAAAAGCATATATTTTCTAAAAGTATTCATGGTTCGAAAGGTAA
TATCCTAAGCTATTTTTGAACATAATCACCGTCTCAATCGATGCATTTTTGTAGTTTTGG
GAGCAGTTTCCGTATGCCCTCATCGTAATGCTGTACCGCCACCTCTCAGAAGTACCGTGC
CATCTCTTCCTTCATGTCGTCAGTGTGCGCGAAGTGCTGTCCACCCAAGTGTTCCTCAA
TGCTGGGAATAGATGGTAATCACTGGGGGCTAAATCCGGGCTATAGGGGGGATGATCAAG
GACAATCCATCCAAATTGAGCCGGGAGATCATTAGTAAGACAGGCTGCATGTGGACGGGC
ATTGTCGTGAAGAAAGTTCACACCCTTTGTGAGCAATCCTCTTTGTTTGTTCGAATAGC
TCGTCTCAATTTTTTAAAGTCTCACAATAAGTCAATGCATTAATTGTGGTTCCAGGCTC
CATGTATTCAAGCTACAATACTCTTTTGTAGTCCCAAAAACGGTTGCCATGATCTTACC
GGTAGACGGGGTTTGCTTGAATTTCTTAGGCTTTGGCGAAGTTGTATGCATCCACTGACG
AGACTGTTCTTTGGTCTCGGGTGTGTACAGATAGATCCATGTTTTGTCACCTGTAACAAT
AGAATTCAAGAGATCATCCTTTTTGTTGGCATAGCGCTCAATGAATTCTTGTGAAGCCTG
CACTTGTTGCTGTTTGTGTTTATACGTCAGCATTCGCGGAACCCTCCGGGCGCACACTTT
GTGATACTGGAGTTTTTCAGTCAAAATTCGGTAAATGGTGGTTTGAGAAACATCAGGAAC
CAAGGAAGTAAGCTCCTTGAGCGTCACTCTTCTATCTTCAAGCAATGCTGCTTCAATCTT
TGCAATTGTCTCATCAGAAGTCGACGGCCGGCTGCTTCTCTTTCATCGTGAATGTCGGT
ATGACCTGCTGTGAATTCACGGCACCATTTACGGACATTTTTACGTCCATAACCTCATC
TCCGCACACTTCTACTAATTGACGATATGGGTTTTACGCCCTTGCATCCAAGAATCGAA
TCACTTCGCGAATTCTGCACTTTGCGGAAATGGCGATTGGAAGACTCATCGAAGCTGACC
TGGCAAGAACAAGGATTGCGCGATCTGACTAAAATGACTGCCAAAGCACAACCTGGACATG
TCAGCTGATCGGTGGACCACGTGTTTTAAAGGTGAGGAGTTACCCAAGGAGGCTGTGTCTG
TCGGATTTGCGCTAACGTAATTATGTGGTCCACCAGCGTGTGGAGATCTTACTTTTGAA
AAACCCCTCCTTGATTTTTCCAAGTGAAGACGGAGCTCTGCCTTCTACAGGCAAATCTTA

AAATTACAAGACTGGGCCATTGTGGCGCCTAAAAAAGTTAACGTACCAAAATGAATGCAC
CATAATGCATA

>Btmar2.5|gi|1092455237|gb|MAMS01000094_1|:5245361-5245875
gi|1092455237|gb|MAMS01000094.1|:5245361-5245875 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold320,
whole genome shotgun sequence 515 bp

ACCTGACCTGGCTCTGTGTGATTTTTCTTATTTCCACGACTTAAATTTACCTTGAAAGG
TCGACGTTTTCAAACCATTCTGGAAATCCAAGAGAACACCCTGTAGAAATTGCGATCAAT
CAAATCTGAGGATTTCCAACAGTGTTCTCTCCAGTTGAAGAAACGGTGGAAAAAATGCA
TCGATAAAGCTGGCAAGTATTTTGAAGGGGATAGGTTATGACTTGGTAAGCTTTTAAGCA
TTTGAATAGAGCAACAAATTTTAACTTAAATCCTGGGTTTTCTTAAGTTGTATCTAAA
TTTGTCTTGAAATAAAGACAAAAATCGCAACTCGAGTTTGACTTTCCTTCATTCCAAAGC
GTGTAGTTTCCTTACCAATACGAATTTTGCATTCTGTAAAAACAAGCATCTTCAGTAGC
TTATTAGCTTTGAAACAAGCCCCAAAAAACTTCATTACGACGCTTGGTTCGTCTTCTATG
ACAAAAGTCCGGTTTCTTTGGGACAGCCCTCGTA

>Btmar2.6|gi|1092455566|gb|MAMS01000020_1|:9258537-9259142
gi|1092455566|gb|MAMS01000020.1|:9258537-9259142 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold14,
whole genome shotgun sequence 606 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTAACCGGTAAAAAGTGTTTAAACCGTCATACTTTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTTGT
TTTTGAATTTGGTCTACCCGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAATATTCGAACGCGGCGGAGTTCCTCAGACGAGTGAGTACGCACGT
TTTCACTTTAAAAAAGGTTGTAACACCATTAATTGGATTCATATGTGAACTTTCAGGCT
TTGAATTGTCTTACCTTGCTTTTCGACATGATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATT
ATATGTTAGCAGTTTGTGGATTCAATCTTCAAAAAAGTGCGCATATCCTGTCGTTGGAAT
CATTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTGGAGAACTTTCGGCTACCCAAGCTC
TTCTTTAACGCAGGAAAAAGATGAAAATCGCGGTGAGTCATCATCGGTGAGTACGATGGA
TGAGGAAAAAGGTCCCATTTGAATGAGGCGAACAAGTCTCTAGTCACATGAGCCACATGA
GGCCTG

>Btmar2.7|gi|1092455544|gb|MAMS01000025_1|:699250-699854
gi|1092455544|gb|MAMS01000025.1|:699250-699854 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 605 bp

AACAGTGGACAGTGCTTACTACTGTAAAGTTTTGGCCGAGCTGCGGAAGCATGTTGCGCG
GAAGCGGCCGCATTGAAAGCTGTTTGGCTTTTCCACCAGGATAACGCTCGGCCTCATAC
GTCAAATTACACCAAGAATTCTTTGCAAAAAATGGTATTGAAAGTATCCGCCACCCACC
GTACAGCCCCGACCTCGCACCATGCGATTTTTGGCTCTTCCCCACGCTCAAGAAGGGAAT
GCGCGGCTGCAAGTTTGAGTCGAAGGCAGAAATCAAGACCGCAGTCGAGAAGTTCTTCAA
CACCTTCAGATCGAAGAATTTATAAAACAATGACCGAAAAATGGCAAGAACGCATGAG
ATTGTGCATCAAGTCTCACGGACAATACTTCGAAAAGGAATCGAACAATTCATCATTGTT
AGCAAGTAGCGAAGACGAAGCTTGAAACTTGTAACCTCTCGGTAAGAATAAATTTCTTCA
AAAAACGGTAGGCTGAATTTTTACTCCTCTCACGGAAAACGTCATAACTCGGTCAATTTT
TGACCGATTTTGATGATCTTGGTCTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAACGCG
ACCAA

>Btmar2.8.1_gi-1092428043-gb-MAMS01017495_1-:67688-68667
gi-1092428043-gb-MAMS01017495.1-:67688-68667 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold831, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCATTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA

TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.2_gi-1092452480-gb-MAMS01001206_1-:140940-141919
gi-1092452480-gb-MAMS01001206.1-:140940-141919 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1339,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTCACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCTACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTACGTA

--

>Btmar2.8.3_gi-1092455116-gb-MAMS01000124_1-:3916509-3917488
gi-1092455116-gb-MAMS01000124.1-:3916509-3917488 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold403,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT

TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTCGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTATTTCAACTCCATTTTACTTATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTGAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.4_gi-1092455116-gb-MAMS01000124_1-:4689601-4690579
gi-1092455116-gb-MAMS01000124.1-:4689601-4690579 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold403,
whole genome shotgun sequence 979 bp

TACGTCGGGTGTCCCAAAGTACCTCGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAAGTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTTCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCATTTTACTCATAAATTCACG
TGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCAAGCTTCAAGTCC
GACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGCACTC
TCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATACTTAAATGACACCTCGAAAATAAAA

TAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTC
CTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTAAAATTGCCATAACTCGTCCAAT
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTCAAAAT
GAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGC
TTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.5_gi-1092454721-gb-MAMS01000233_1-:2320086-2321067
gi-1092454721-gb-MAMS01000233.1-:2320086-2321067 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold699,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGAGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTGAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAGTTAGTATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCAAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTAGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTCTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAGTCAAGGGCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGCGG
TGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.6_gi-1092454721-gb-MAMS01000233_1-:59897-60876
gi-1092454721-gb-MAMS01000233.1-:59897-60876 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold699, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAACATTGACCGAGTTATGACCATTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ACCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAAAATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
CGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCACGAACTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTACTACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATGTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTCATTCGATTGAGCTGACCTTGGTTTAAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAAA
TAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTCCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.7_gi-1092454721-gb-MAMS01000233_1-:1330945-1331881
gi-1092454721-gb-MAMS01000233.1-:1330945-1331881 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold699,
whole genome shotgun sequence 937 bp

TAAGATAGATACAGACATGATTTTGGTTTCATTTTAGAGATCAACTCAATACCTGTCGAT
TAAACCAAGATCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGATAATTTGAAATTAG
TGAGGAAAGTTTACCCCTACGTTTTTLAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAG
TTAATAATCGTATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTA
CCGTCCATCAAACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTT
CCTGAATTCTTCTCTGGGATGGAGTTGAGGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGT
CTTCGATACGAATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATC
ACATGGAGCCAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACT
CATAAATGCACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTATTGTCTTGATGGCAGAG
TATCCACGAAGCTTTCAAGTCCGACAGTTTCCGGGAAATGTGCTTCTCAACTCCTTTAG

TACTTTGCAATAATACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAAT
GACACCTCGAAAATAAAAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTA
CGGCGATGAAGAATCTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAAT
TACCATAACTCGGTCAATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGAATTTAATCGATAGGTAT
TGAGTTGATCTTTAAAATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCCATCTTACTTTCGAAGTTA
CAGAACAAGTCCCGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.8_gi-1092454789-gb-MAMS01000210_1-:393885-394864
gi-1092454789-gb-MAMS01000210.1-:393885-394864 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold650, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGTGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGAGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGGGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTTATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.9_gi-1092454789-gb-MAMS01000210_1-:2177078-2178057
gi-1092454789-gb-MAMS01000210.1-:2177078-2178057 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold650,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCCT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTCGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAAAATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCAAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTTATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTGAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTAACCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.10_gi-1092454418-gb-MAMS01000356_1-:1103150-1104102
gi-1092454418-gb-MAMS01000356.1-:1103150-1104102 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1040,
whole genome shotgun sequence 953 bp

TACGTAGGCTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGAAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTAAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACATTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCA

AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGAGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACA
CACTGTCAATTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTTGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATATTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGT

--

>Btmar2.8.11_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1:-4119501-4120480
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1:-4119501-4120480 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGGTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGAGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.12_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:4241369-4242348
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:4241369-4242348 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAATTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATTAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.13_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:4421325-4422302
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:4421325-4422302 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 978 bp

CGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATACA
GACATGATTTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGATC
AGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAAGTTTA
CCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGTAT
CCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAAC
CGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCC
TCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGAAT

CTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAG
TCAGCGCTATTAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCACGT
GTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAAG
TCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGCA
CTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAAA
AACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTTCC
TTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAATT
TTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTAAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATG
AAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGCT
TTTGGGACACCTTACGTA

--

>Btmar2.8.14_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:4305728-4306707
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:4305728-4306707 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAGTACCTATCGATTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATGAAAATTGACCGAGTCATGACAATTTGAAATTAGCGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAGTATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCTAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACTGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCAGAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTAAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG

GTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.15_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:5110454-5111437
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:5110454-5111437 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 984 bp

TACGTCGGGTGTCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGACAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATATCTATCGATAAAAAACCAAG
ATCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTCATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGT
TTACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCG
TATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCA
AACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCT
TCCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTATTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATTCTG
AATCTTCGTCCGCGAAGCTTCTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCC
AAGTCAGGGCTCTAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCA
CGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCACTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATACTTAAATGACACCTCGAAAA
TAAAATAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAA
TCTTCCTGAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGG
TCAATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTT
AAAATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCC
GGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.16_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:3268152-3268880
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:3268152-3268880 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGCGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA

ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTATT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTACTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

--

>Btmar2.8.17_gi-1092455599-gb-MAMS01000015_1-:5696255-5697234
gi-1092455599-gb-MAMS01000015.1-:5696255-5697234 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold130,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATGAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGTAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCATAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG

CTTTTGGGACACCTTGTGTA

--

>Btmar2.8.18_gi-1092454650-gb-MAMS01000255_1-:301391-302365

gi-1092454650-gb-MAMS01000255.1-:301391-302365 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold98, whole genome shotgun sequence 975 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATTTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TAAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTT

--

>Btmar2.8.19_gi-1092455329-gb-MAMS01000074_1-:2265136-2266115

gi-1092455329-gb-MAMS01000074.1-:2265136-2266115 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold27, whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA

TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACAGAGTTATGACAATTTGAAATTAGCGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGCATTCAAAAAGTTAATTTTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTATCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAA
AAAACACAATAAGCAGCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAAAATGGTCAA
TTTTTATCTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.20_gi-1092428515-gb-MAMS01017023_1-:3561551-3562530
gi-1092428515-gb-MAMS01017023.1-:3561551-3562530 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold809,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA

AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TAAAATCAAGATCATGTCTGTATCTTTCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.21_gi-1092428515-gb-MAMS01017023_1-:3717094-3718073
gi-1092428515-gb-MAMS01017023.1-:3717094-3718073 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold809,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAGGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCACGAAGCTCCTTTTTAAGTGTAGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTTGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCCATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTTTGTGTA

--

>Btmar2.8.22_gi-1092435004-gb-MAMS01010534_1-:9600162-9601141
gi-1092435004-gb-MAMS01010534.1-:9600162-9601141 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold52,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.23_gi-1092435004-gb-MAMS01010534_1-:6926225-6927204
gi-1092435004-gb-MAMS01010534.1-:6926225-6927204 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold52,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTTAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTAAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA

ATCTTCGTCCGCGAGGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGAAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAATACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTTTCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTCTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTAAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTCTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.24_gi-1092449997-gb-MAMS01002403_1-:21055-22037
gi-1092449997-gb-MAMS01002403.1-:21055-22037 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1805, whole
genome shotgun sequence 983 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCAAAGTTATGGCAATTTGTAATCAGCGAGGAAAGT
TTACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCG
TATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCATTCTGCTTTCAAAGTACCCTCCATCA
AACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCT
TCCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATTCTG
AATGTTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCC
AAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATGAATTCA
CGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTC
AAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATCCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATAC
GCACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATC
TTCCTTAAAAACCGTAGGGGTAAACTTTCTCGCTGATTACAAATTGCCATAACTTTGGT
CAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTAAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTA

AAATAAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTAGAGAACCAGTCCCG
GTACTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.25_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1-:7676830-7677809
gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1-:7676830-7677809 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTGGAGGATCAACTCAATACCCATCGATTAACCAAGA
TCAACTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGATAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
CACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGTCCGACTTTTTCGATTACAGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAATCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGTTGATCTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.26_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:6903036-6904018
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:6903036-6904018 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 983 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCCAAAGTAAGATAGATG

CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATCCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTC
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTATATAGTACTTTGCAATAA
TACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAA
TAAAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAA
TCTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTTAAATTGCCATAACTCGG
TCAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTT
AAAATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTATTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCC
GGTGCTTTTGGGACACCTTATGT

>Btmar2.8.27_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:5253501-5254481
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:5253501-5254481 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTGAAATTAGTGAGGAAAGTTT
ACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGCATTCAAAAAGTTAATATTCGTA
TCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAA
CCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACGTTGTTTTCTGAATTCCTC
CTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTATTTTGAATTGCATTCTGGATTCGATCTTCGATACG
AATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAATCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCC
AAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGAATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCA
CGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAATATCCACGAAGCTTTC
AAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATAC

GCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAA
AAAAACACAATAAGCTTCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATGAATCGGTCA
ATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
ATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGGACACCTTACGTA

>Btmar2.8.28_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:4934007-4934988
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:4934007-4934988 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATGGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGCATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTTCTCCGAATCTTCCATAACTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
AGCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTATTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATAC
GAATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAACCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGC
CAAGTCAGGGCTATAAGGAGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTC
ACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTC
AAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATAC
GCACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCTGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATC
TTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTC
AATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGG
TGCTTTTGGGGCACCTTACGTA

>Btmar2.8.29_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:6848405-6849388
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:6848405-6849388 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 984 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGAATGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA

CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCCAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTTCGAATCTTCCATAATTTCTTTTGCTATTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAAATGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATTAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCCGACA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAAGTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTGATTTACGGCGATGAAGAATCTTC
CTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAAT
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTCAAAT
GAAATCAAGATCATGTCTGTATCGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAAGAAGTCCC
GGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.30_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:6697867-6698595
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:6697867-6698595 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTATT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTACTACTTTGCAATAATACG

CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

--

>Btmar2.8.31_gi-1092426089-gb-MAMS01019449_1-:226601-227552
gi-1092426089-gb-MAMS01019449.1-:226601-227552 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold923, whole
genome shotgun sequence 952 bp

GGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATACAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGAT
CAACTCAATACCTATCGATTAATCCAGATCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGT
TATGACAATTTGAAATTAGTGAGAAAAGTTTACCCCTACGGTTTTTAGAAAGATTTTTCG
CTTACCAGCATTCAAAAAGTTAATATTCGTATCCACTTCTCCGAATCTTCCATAACTT
CCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAACCGGATGCACTTTTTCATGCACTCTTGCC
ACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAA
TTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGAATCTTCGTCCGCGAATCTCCTTTTAAAGCG
TAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTG
TTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCAG
TGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTC
TCAACTCCTTAGTACTTTGCAATAATACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAA
AATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAAAACACAATATAAGCATCACTTTATCGGT
CGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCC
TCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTT
TTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAGTTCAAGATCATGTCTGTATCTATC
TTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.32_gi-1092426089-gb-MAMS01019449_1-:597388-598340
gi-1092426089-gb-MAMS01019449.1-:597388-598340 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold923, whole
genome shotgun sequence 953 bp

TACGTAGGGTGTCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATAAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCAAATGAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAAGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTAAATATTCGT

ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAATTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAACATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACGTTTGAAGTTGCGGAACAAGT

--

>Btmar2.8.33_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:4868245-4869223
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:4868245-4869223 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 979 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAATACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAAACCTATCGATTAAAACCAAGAT
CAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTTT
ACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGTA
TCCACTTTCCTTGAATCTTCCATAATTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAA
CCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTC
CTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGAA
TCTTCGTACGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAA
GTCAGCGCTATTAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCACG
TGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAA

AAACACAATAAGCATCATTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTC
CTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAAT
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAAT
GAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGC
TTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.34_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:4353685-4354654
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:4353685-4354654 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 970 bp

TACGTCGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAATATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGATTTGCGTCTTCGATTGGAATCTTCGTCCGCG
AAGCTTCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAGTCAGGGCTGTA
AGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCACGTGTTAAGCTCGA
TGTGTGAGGCCGCGCTTGCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAGTCCGTTTCGTTTC
CGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGCACTCTCAACTGTT
GTGTTTGGTGGTACAGAATGTTGATACTTAAATGACACCTCGAAAATAAAATAACACAAT
AAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCAATTTACGGCGATGAAGAACTTCCTTAAAAAC
CGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTAAAATTGCCATAACTCGGTCAATTTTTATTCTG
ATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTCTAAAATGAGATCAAG
ATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGACGTTACAGAACAAGTCCCGGTGCTTTTGGGAC
ACCTTATGTA

>Btmar2.8.35_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:4630789-4631662
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:4630789-4631662 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 874 bp

GATTAACCAAGATCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAAT
TAGTGAGGAAAGTTTACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAA

AAGTTAATATTTCGTATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAA
GTACCGTCCATCAAACCGGATGCACTTTTTTCATGCGTTCTTGCCACTTATCCAACATTGT
TTTCTGAATTCTTCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTC
GGTCTTCGATACGAATCTTCGTCCGCTAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAA
ATCACATGGAGCCAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGTGGGATTGTTTCAACTCCATTTTT
ACTCATAAATTCACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTAT
CCACGAAGCTTTCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCAC
TTTGCAATAATACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGAC
ACCTCGAAAATAAAAAAACACAATTAGCATCACTTTATGGGCCGACTTTTCGATTACGG
CGATGAAGAATCTTCCTTAAAACTGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGC
CATAACTTGGTCAATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATTGATAGATATTGA
GTTGATCTTTAAATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAG
AACAAGTCCCGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.36_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:4090219-4090947
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:4090219-4090947 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTATTCCTGAATTATT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTACTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

--

>Btmar2.8.37_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:1012678-1013282
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:1012678-1013282 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 605 bp

TACATAGGCTGTCCCAAAGTACCCGGACTGGTTCTGTAAC TTCAAACCAATTGATA
CAGACATGATCTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATATCTATCGATTAAGACCAAGA
TCAGCGCAATCGCATACAAATTGACGGAGTTATGGTAATTTAAAACCAGCGAGTAAAGTT
TACCCCTACGGTCATAAGGAAGATTTTTCGCTGACCAGGATTCAAAAAGTTAATCTTCCT
TTCCGCTTTCCTCCATAAATCTTCCATGACTTGCTTTTGCTTTTCAATGTACCGTCCATT
AAATCGGATGCACTTACTCATGTGCTCTTGCCACTTCTCTAACTTTGTTTTCTGAATTC
TTCCCTAGGATAAAGTTGAAAAAGTTCTGAGCTGCATTCTGCATTTCCGGTCCTCGATT
AAATTTTAGTCCGCGAAGCTCCTTCTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACAAGGAGC
CAAGTCAGGGCTATAAGGAGGATGAAGGATTGTTTCAACTTCATTTTTACTCATCAATTC
ACGTGTAAAGTTCGAGTTGCGAGGCCGCGGTTGTCTTGATGGAGCATCCACGAAGCTTT
CAAGT

--

>Btmar2.8.38_gi-1092453380-gb-MAMS01000828_1-:510238-511217
gi-1092453380-gb-MAMS01000828.1-:510238-511217 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1195,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAAC TTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCCT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTCGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTTATAAATTCAC

GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTGAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGCTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.39_gi-1092453380-gb-MAMS01000828_1-:236478-237459
gi-1092453380-gb-MAMS01000828.1-:236478-237459 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1195,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGCTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATT
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAGTCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACTGTTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTAGT
ATCTACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTCTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAACTCTT
CCTCTGTGATGGAGTTGAAGAAGTTTTTCGAATTGCATTCTGGATTTCCGGTCTTCGATAC
GAATCTTCGTCCGCGAAGCTTCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGC
CAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTCCTATAAATTC
ACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTT
CAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCACCTCCTTTAGTACTATGCAATAATA
CGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATC
TTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTC
AATTTTTATCCGATTGGGCTGATTTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGG
TGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.40_gi-1092455272-gb-MAMS01000090_1-:5216809-5217788
gi-1092455272-gb-MAMS01000090.1-:5216809-5217788 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold300,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGCCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAAATCCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAATTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGAGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATTAGGGGGATGAGAGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAAGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGCTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGCCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTACGTA

>Btmar2.8.41_gi-1092455272-gb-MAMS01000090_1-:1206819-1207801
gi-1092455272-gb-MAMS01000090.1-:1206819-1207801 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold300,
whole genome shotgun sequence 983 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TTAGCTCAATGGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTGCCTCCGAATCTTCCATAACTTCTTTTGCTTTTGAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATTCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA

ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGCGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGGTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGGGTAATTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGT
CAATTGTTATTGATTGAGCTGATCTTGATTTAATCGATAGGTATTGAGTTAATCTTTA
AAATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCG
GTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.42_gi-1092455272-gb-MAMS01000090_1-:2664585-2665539
gi-1092455272-gb-MAMS01000090.1-:2664585-2665539 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold300,
whole genome shotgun sequence 955 bp

TACGTAGGGTGTCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTTTTATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGATCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTAAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGAAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTATACTTTGCAATAATA
CGCACTGTCAACTATTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATC
TTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTC
AATTTTTATCCGATTGAGCTGATTTTGGTTTTAATCGATGAGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGT

--

>Btmar2.8.43_gi-1092455411-gb-MAMS01000045_1-:4668906-4669885
gi-1092455411-gb-MAMS01000045.1-:4668906-4669885 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold199,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAAATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCAAATAAAAATTGACAGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAAGAAAGTT
TACTCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCAAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATTAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGATCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGCGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCACGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTACGTA

>Btmar2.8.44_gi-1092455411-gb-MAMS01000045_1-:4127650-4128633
gi-1092455411-gb-MAMS01000045.1-:4127650-4128633 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold199,
whole genome shotgun sequence 984 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAATACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCTACCGTCTA
TCCAACCGATTGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGATT
CTTCCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATA

CGAATCTTCGTCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAG
CCAAGTCAGGGCTAAAAGGGTGATGAGGGATTGTTCAATTCCATTTTACTCATAAATT
CACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTT
TCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAAT
ACGCACTGTCAACTATTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAAT
AAAAAAACACAATAAGCATCGCTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAA
TCTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGG
TCAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTCGGGTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTT
AAAATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAAGAAGTCCC
GGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.45_gi-1092455411-gb-MAMS01000045_1-:4766922-4767650
gi-1092455411-gb-MAMS01000045.1-:4766922-4767650 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold199,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACCGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAGTAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTATGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTCTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGCCCCGGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATGAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGGTTCCAGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCTAAAATAAA
AAAACACAA

--

>Btmar2.8.46_gi-1092455507-gb-MAMS01000028_1-:1766570-1767170
gi-1092455507-gb-MAMS01000028.1-:1766570-1767170 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold161,
whole genome shotgun sequence 601 bp

AGGCTGTCCCTAAAGTACCCGGACTGGTCTATAACTTCAAACTACCGTAGATACAGAC
ATGATCTTGGTCTCATTTTGAAGATCAATTTGATATCTATTGATTGAAACCAAGATCAGC
TCAATCGAACAAAAATTGACCGAGTTCTGATAATTTAAATCAGTGGGTAAAGTTTACCC
CTACGGTTATTAAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAACCTACGTTTCC
ACTTTCCTCTGAATCTTCCATAACTTGCTTTTGCTTATCGAAGCACTGGCCATTAAACCA
GATGCACTTATTCATGCGCTCTTGCCACCTCTCTAACATTGTTTTCTGAATTCTTCCTC
TGGGATAAAGTTGAATAGGTTCCGAAGTGCATTCTGGATTTCGGTACTTGATTCAAATCT
TTGTCCGCGAAGCTCCTTCTTAAGCGGAGGAAACATCCAAAAATCACGAGTAGCCGAGTC
AGGGAAATAAGGGGGATGAAGGATTGTTTCAACTCAATTTTACTCTTAAATTCACGTGT
AAAGTTCGAGGTGTGAGGTGAGGCCGCGCGTTGTCTTGGTGGAGCATCTACGAAGCTTTC
A

--

>Btmar2.8.47_gi-1092435969-gb-MAMS01009569_1-:2970026-2971007
gi-1092435969-gb-MAMS01009569.1-:2970026-2971007 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold479,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAAGTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTTATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGGTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
TTCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGAATGCACTTTTTCATGCGCGCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTCCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATATCCACGAAGCTTT
CAAGTCCGACCGTTTCCGGGACATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATA

CGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATA
AAAAAACACAATAAGCATCACTTTATCCGCCGACTTTTCGATTTATGGCGATGAAGAATC
TTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAA
AATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAAGAAGTCCCGG
TGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.48_gi-1092444632-gb-MAMS01004733_1-:748748-749727
gi-1092444632-gb-MAMS01004733.1-:748748-749727 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2737,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGAGGGATGAGGGATTGTTTCAGCTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.49_gi-1092444632-gb-MAMS01004733_1-:156378-157357
gi-1092444632-gb-MAMS01004733.1-:156378-157357 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2737,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACCGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTCATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTTAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAGATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGACGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATTTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCTGA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTACGTA

>Btmar2.8.50_gi-1092444632-gb-MAMS01004733_1-:1287534-1288512
gi-1092444632-gb-MAMS01004733.1-:1287534-1288512 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2737,
whole genome shotgun sequence 979 bp

TACGTAGGGTGTCCCAATAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGCATTCAAAAAGTGAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGACTCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGAATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGAATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATAGAGTATCCACGAAGCTTTCAA

GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTTC
CTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTCAAATTGCCATAACTCGGTCAAT
TTTTATCCGATTGAGCTGAGCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAAT
GAGATCAAGATCATGTCTGTATCCATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGC
TTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.51_gi-1092454460-gb-MAMS01000340_1-:3300740-3301719
gi-1092454460-gb-MAMS01000340.1-:3300740-3301719 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1034,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAATTTGACCGAGTCATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGTATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAAAAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATTTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.52_gi-1092454862-gb-MAMS01000197_1-:2011733-2012713
gi-1092454862-gb-MAMS01000197.1-:2011733-2012713 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold619,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCCGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTGAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCCCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGAT
TACCCTTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCTT
ACCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTCTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGGTGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCAAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAAGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATCACG
TGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAGGTGCATTCTCAACCCCTTAGTACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTCAAATTGCCATAACTCGGTCA
ATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATGGGTATTGAATTGATCTTTAAA
ATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.53_gi-1092454901-gb-MAMS01000188_1-:141839-142819
gi-1092454901-gb-MAMS01000188.1-:141839-142819 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold596, whole
genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT

CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGAGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.54_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:3218332-3219311
gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:3218332-3219311 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCAAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCATTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCTGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA

TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.55_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:3201139-3202118
gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:3201139-3202118 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGTTCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTACGTA

>Btmar2.8.56_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:1933785-1934764
gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:1933785-1934764 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTGAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCAAATAAAAATTGACCGAGTTAAGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGC
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAATTTCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA

ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGTAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
ATAACACAATAAGCATCACTTTATAGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATTTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TAAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTATTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.57_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:1347765-1348744

gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:1347765-1348744 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCATTTCGA
ATCTTCGTCCACGAAGCTCCTTTTTAAGTGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATAGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA

TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCCATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTTTGTA

--

>Btmar2.8.58_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:3208444-3209426
gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:3208444-3209426 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 983 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATT
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAATGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTCCACTTATCCAACATTGTTTTCCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTTCTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACCATAAGAAGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTCTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATACTTAAATGACACCTCGAAAAT
AAAATAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAAT
CTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACGCGGT
CAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTATTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTA
AAATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCG
GTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.59_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:1431035-1431763
gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:1431035-1431763 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTTATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAGTTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT

ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTTTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCAACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

--

>Btmar2.8.60_gi-1092436163-gb-MAMS01009375_1-:1407701-1408371
gi-1092436163-gb-MAMS01009375.1-:1407701-1408371 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4704,
whole genome shotgun sequence 671 bp

TATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTTTACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTTCG
CTTACCAGGATTCAAAAAGTGAATATTCGTATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTT
CCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAACCGGATGCCCTTTTTCATGCGCTCTTGCG
ACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAA
TTGCATTCTGGATTTCGTCTTCGATACGAATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCG
TAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGAGGTTG
TTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTT
GTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCT
CAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAA
ATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAAAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCG
ACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTCCTTAAAGACCGTAGGCGTGAACCTTCCTC
GCTGATTTCAA

--

>Btmar2.8.61_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:4128710-4129689
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:4128710-4129689 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG

CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTTCGAATCTTCCATAATTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATTAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGTGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTACGTA

--

>Btmar2.8.62_gi-1092454879-gb-MAMS01000194_1-:447857-448836
gi-1092454879-gb-MAMS01000194.1-:447857-448836 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold610, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCTCAAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCCT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCTTTTCGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTTATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA

AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTGAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.63_gi-1092435476-gb-MAMS01010062_1-:9349-10328
gi-1092435476-gb-MAMS01010062.1-:9349-10328 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4996, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.64_gi-1092453820-gb-MAMS01000625_1-:162320-163171
gi-1092453820-gb-MAMS01000625.1-:162320-163171 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1131,
whole genome shotgun sequence 852 bp

GAGTAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTTTACCCCTACGG
TTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGTATCCACTTTCC
TCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAACCGGATGCAC
TTTTTCATGCGCTCTTCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCCTCTGGGATG
GCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCTGGTCTTCGATTCTGAATCTTCGTCCG
CGAAGCTTCTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAGTCAGGGCTG
TAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCACGTGTTAAGCTC
GATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCAAGTCCGACCGTT
TCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGCACTCTCAACTG
TTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATACTTAAATGACACCTCGAAAATAAAATAACACA
ATAAGCATCACTTTATAGGCCGAATTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTCCTTAAAA
ACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAATTTTTATC
CGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAAATCA
AGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGCTTTTGGG
ACATCTTATGTA

--

>Btmar2.8.65_gi-1092455247-gb-MAMS01000092_1-:1580016-1580744
gi-1092455247-gb-MAMS01000092.1-:1580016-1580744 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold310,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGACCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGTTTTTGTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCTGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA

AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

>Btmar2.8.66_gi-1092425792-gb-MAMS01019746_1-:1085514-1086241
gi-1092425792-gb-MAMS01019746.1-:1085514-1086241 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold370,
whole genome shotgun sequence 728 bp

ACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATAC
AGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAATCAAGAT
CAGCTCAATCGAATAAAAATCGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTTT
ACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGTA
TCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAA
CCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTC
CTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGAA
TCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAA
GTCAGCGCTAAAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCACG
TGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAA
AAACACAA

>Btmar2.8.67_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1-:430136-431115
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1-:430136-431115 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGTACTGATTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATGTTAAAGATTAACCTCAATACCTATCGATTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT

TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.68_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1:-965764-966750
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1:-965764-966750 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294,
whole genome shotgun sequence 987 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATCCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTGAATCTTGATGGAGTATCCACGAA
GCTTTCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAA
TAATACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGA
AAATAAAAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCCATGAA

GAATCTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACT
CGGTCAATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATC
TTTAAAATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGT
CCCGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.69_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1:-516268-516996
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1:-516268-516996 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTATT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTACTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

>Btmar2.8.70_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1:-383424-384075
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1:-383424-384075 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294,
whole genome shotgun sequence 652 bp

CGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATACA
GACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAACATC
AACTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTAAAATTAGTGAGGAAAGTTTA
CCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGTAT
CCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAAC
CGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCC

TCTGGGATGGAGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCGTTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGAAT
CTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAG
TCAGGGCTATGAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCACGT
GTAAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAAG
TCCGACCGTTTCCGGGAGATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAAT

--

>Btmar2.8.71_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1:-937000-937979
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1:-937000-937979 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.72_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1:-1908669-1909649
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1:-1908669-1909649 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATCAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCCCTTACCAGAATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGAGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCA
ATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.73_gi-1092454689-gb-MAMS01000243_1-:1027460-1028435
gi-1092454689-gb-MAMS01000243.1-:1027460-1028435 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold73,
whole genome shotgun sequence 976 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGATATGATTTTGGTCTCATTTTATAGATTAACCTCAATACCTATCGATTAACCAAAA
TCAGCTCAATCAAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAACC
CCTACGGTTTTTACGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGTATCC
ACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAACCG
GATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCCTC
TGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCTCGATACGAATCT
TCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAGTC
AGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCACGTGT

TAAGCTCTATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAAGTC
CGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGCACT
GTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAAAA
CAGAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTTCCTT
AAAAACCGAAAGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAATTTT
TATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAG
ATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGCTTT
TGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.74_gi-1092454896-gb-MAMS01000189_1-:809635-810614
gi-1092454896-gb-MAMS01000189.1-:809635-810614 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold597, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAAGTAAATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTCATTACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTGTTGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATAAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGTTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCTAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCTGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGCTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATGGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAACTATAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.75_gi-1092454896-gb-MAMS01000189_1-:1523232-1524214
gi-1092454896-gb-MAMS01000189.1-:1523232-1524214 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold597,
whole genome shotgun sequence 983 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGATTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCAATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCCT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGGTGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTCTTAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATACTTAAATGACACCTCGAAAAT
AAAATAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAAT
CTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGT
CAATTTTATTGATTGAGCTGATTTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTA
AAATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAAAACAAGTCCCG
GTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.76_gi-1092454896-gb-MAMS01000189_1-:18350-19331
gi-1092454896-gb-MAMS01000189.1-:18350-19331 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold597, whole
genome shotgun sequence 982 bp

TACATAGGGTGTCTAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATATATA
CAAACATGATCTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAGACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGATCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAAGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTTAGGAAGATTTTCGCTCACCAGGATTCAAAAATTAATATTCG
TATCCGCTTTCCTCCGAATCTTCCATAGCTTCCTTTTGCAATTCAAAGTACCGTCCATCA
AACCTGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTATTCCTGAATTCT
TCCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAACTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATTTCG

AATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAAAATCCAAAAATCACATGGAGCC
AAGCCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCA
CGTGTTAAGTTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTCTCTTGATGGGGTATCCACGAAGCTTTC
AAGTCCGGCAGTTTCCGGGAGATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGGACTTTGCAATAACAC
GCACTGTCAATTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAAAA
AAAAACACAACAAGCATCACTTTCAGGCCGATTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTAAAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACCAATTTCAAATTGCTATAACTCGGTC
AATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTCTTAATCGATAAGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAGACCAAGATCATGTTTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCTATGTA

>Btmar2.8.77_gi-1092454896-gb-MAMS01000189_1-:465216-465930
gi-1092454896-gb-MAMS01000189.1-:465216-465930 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold597, whole
genome shotgun sequence 715 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGAGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATGGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGCATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
AGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAGTCAGCGCTATAA
GGGGGATGCGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCACGTGTTAAGCTCGAT
GTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCAAGTCCGACCGTTTC
CGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGCACTGTCAACTGTT
GTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAAAACACAA

--

>Btmar2.8.78_gi-1092455188-gb-MAMS01000105_1-:1447127-1448106
gi-1092455188-gb-MAMS01000105.1-:1447127-1448106 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold343,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACTGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAATCCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.79_gi-1092455188-gb-MAMS01000105_1-:4581984-4582963
gi-1092455188-gb-MAMS01000105.1-:4581984-4582963 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold343,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
CCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCACGAAGCTCCTTTTAAAGTGTAGGAAACATCCAAAAATAACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC

GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTTGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATATTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCCATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTTTGTA

--

>Btmar2.8.80_gi-1092455225-gb-MAMS01000096_1:652321-653302
gi-1092455225-gb-MAMS01000096.1:652321-653302 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold322, whole
genome shotgun sequence 982 bp

TACGTAGGGTGTCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATGAAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTTTGCTTACCAGCATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTTCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTATTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATAC
GAATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAACCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGC
CAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTC
ACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTT
CAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATA
CGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGTGTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATC
TTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTC
AATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGG
TGCTTTTGGGACACCTTACGTA

--

>Btmar2.8.81_gi-1092455237-gb-MAMS01000094_1:-5138499-5139479
gi-1092455237-gb-MAMS01000094.1:-5138499-5139479 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold320,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTGAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCGGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATAGTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAATTGTTGATAAATGACACCTCGAAAAATAAA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCA
ATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTATAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.82_gi-1092455237-gb-MAMS01000094_1:-1750327-1751301
gi-1092455237-gb-MAMS01000094.1:-1750327-1751301 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold320,
whole genome shotgun sequence 975 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT

CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATTCGA
ATCTTCGTCCACGAAGCTCCTTTTTAAGTGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAAGTGCCATAACTTGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGAGTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATATTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCCATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTT

--

>Btmar2.8.83_gi-1092455237-gb-MAMS01000094_1-:4117751-4118480
gi-1092455237-gb-MAMS01000094.1-:4117751-4118480 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold320,
whole genome shotgun sequence 730 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCACTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTATT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTACTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAAACACAA

--

>Btmar2.8.84_gi-1092428471-gb-MAMS01017067_1-:2946017-2946745
gi-1092428471-gb-MAMS01017067.1-:2946017-2946745 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold811,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTACTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTCGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

--

>Btmar2.8.85_gi-1092446717-gb-MAMS01003828_1-:1604988-1605967
gi-1092446717-gb-MAMS01003828.1-:1604988-1605967 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2363,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA

AGTCCGACCCTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATTATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.86_gi-1092450808-gb-MAMS01001998_1-:226631-227610
gi-1092450808-gb-MAMS01001998.1-:226631-227610 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1647,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATGCGATTGAGCTGATCTTGGTTTGAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.87_gi-1092450808-gb-MAMS01001998_1-:48859-49587
gi-1092450808-gb-MAMS01001998.1-:48859-49587 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1647, whole
genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTATT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTACTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

--

>Btmar2.8.88_gi-1092455056-gb-MAMS01000145_1-:64753-65733
gi-1092455056-gb-MAMS01000145.1-:64753-65733 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold471, whole
genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAATCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAACTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGATTACCAGGATTCAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC

GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACG
CACTCTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTAAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAA
AAAAACACAATAAGGATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTAGCCGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCA
ATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAAATCAAGATCATGTCTTTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.89_gi-1092455033-gb-MAMS01000149_1-:723552-724531
gi-1092455033-gb-MAMS01000149.1-:723552-724531 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold493, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCCT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGTGTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATTATGTCTGTATCTATCTATTTTGAAGTTACAGACCAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.90_gi-1092455312-gb-MAMS01000080_1-:3009272-3010251
gi-1092455312-gb-MAMS01000080.1-:3009272-3010251 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold28,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGGAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATCAGAGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTGAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACTGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.91_gi-1092454629-gb-MAMS01000265_1-:817616-818595
gi-1092454629-gb-MAMS01000265.1-:817616-818595 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1003,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGATTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCAAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA

ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGGGGGACGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CTTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.92_gi-1092454629-gb-MAMS01000265_1:-982791-983771

gi-1092454629-gb-MAMS01000265.1:-982791-983771 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1003,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTATGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTGAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTAAATGACAATTTGAAATCAGTGAGGAAAGT
TTACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCCCTTACCAGAATTCAAAAAGTTAATATTCTG
TATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCA
AACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCT
TCCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCTGGTCTTCGATACG
AATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCC
AAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTTATAAATTCA
CGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTC
AAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATAC
GCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCA
ATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA

ATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.93_gi-1092425825-gb-MAMS01019713_1-:2514522-2515505
gi-1092425825-gb-MAMS01019713.1-:2514522-2515505 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold988,
whole genome shotgun sequence 984 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAACCGTAGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTACCTATCCACGAAGCT
TTCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAA
TACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAA
TAAAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAA
TCTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGG
TCAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTT
AAAATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCC
GGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.94_gi-1092449565-gb-MAMS01002590_1-:126501-127479
gi-1092449565-gb-MAMS01002590.1-:126501-127479 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1870,
whole genome shotgun sequence 979 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA

TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATTTTGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATGTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGT

--

>Btmar2.8.95_gi-1092449565-gb-MAMS01002590_1-:40190-41169

gi-1092449565-gb-MAMS01002590.1-:40190-41169 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1870, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGAAAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCGTAACCTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACGCGTCCATCA
AACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCT
TCTTTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AAACAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG

CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAACAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.96_gi-1092446696-gb-MAMS01003835_1:-603454-604440
gi-1092446696-gb-MAMS01003835.1:-603454-604440 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2366,
whole genome shotgun sequence 987 bp

TACATAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCGAAACTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAGTACCTATTGATTAAGACCAAGA
TCAGCTCAACCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGTGAGGAAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTTAGGAAGATTTTTTACTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATCCG
TATTCGCTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCA
AACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCT
TCCTTTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTCTGAACTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATTCTG
AATTTTCGCCTGCGAAGCTCCATTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCC
AAGTCAGGGCTACAAGGGCGATGAAGGATTCTTCAACTCCATTTTTACTAATAAATCCA
CGTGTTAAGTTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTC
AAGTCCGGCCGTTTCCGGAAGATGTGTATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATAC
GCTCCGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATCA
AAAAACACAATATAAGCATCCCTTTACAGGCCGATTTTTCGATTTACGGCGATGAAGGAT
CCTCCTTAAAAACCGCAGGGGTACCTACACTTTCCCACTGATTTCAAATTGCCATAACT
CGGTCAATTTTTATTTCGATTGAGCTGATCTTGATCTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATC
TTTAAGATGAAACCAAGACCATGTCTGTAGCTATCTTAATTTGAAGTTACAGAATCAGT
CCCGGTACTTTTGGGACACCCTATGTA

--

>Btmar2.8.97_gi-1092441835-gb-MAMS01006152_1-:114051-115030
gi-1092441835-gb-MAMS01006152.1-:114051-115030 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3332,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCCT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTCGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTTATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGACCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAACTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTGAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.98_gi-1092454766-gb-MAMS01000216_1-:1483163-1484128
gi-1092454766-gb-MAMS01000216.1-:1483163-1484128 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold659,
whole genome shotgun sequence 966 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTATGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA

ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTG

>Btmar2.8.99_gi-1092454766-gb-MAMS01000216_1-:1889884-1890869
gi-1092454766-gb-MAMS01000216.1-:1889884-1890869 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold659,
whole genome shotgun sequence 986 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTATACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAATATAGA
TACAGATATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAA
GATCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAAG
TTTACCCCTACGTTTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTC
GTATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATC
AAACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTC
TTCCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATAC
GAATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGC
CAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCTATTTTACTCATAAATTC
ACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTT
CAAGTCCGACCGTTACCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATA
CGCACTCTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATACTTAAATGACACCTCGAA
AATAAAATAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAG
AATCTTCCTTAAAAACCGTAGGGGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTC
GGTCAATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCT

TTAAATGAGATCAAGATCATGTATGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTC
CCGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.100_gi-1092438189-gb-MAMS01007806_1-:15682-16661
gi-1092438189-gb-MAMS01007806.1-:15682-16661 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold40184, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAAGTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTCAAAGTACCGTACATCAA
ACCGGATGCAATTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTCTGCATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTTATAAATTCAC
GTGATAAGCTCGATGTTTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTATCTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTTTTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTGGGACACCTTACGTA

--

>Btmar2.8.101_gi-1092455134-gb-MAMS01000120_1-:486816-487795
gi-1092455134-gb-MAMS01000120.1-:486816-487795 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold39, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCTAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGC

ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATTTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCCGCCGACTTTTCGATTTACGTCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCGTAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
TTTTTGGGACACCTTACGTA

--

>Btmar2.8.102_gi-1092455215-gb-MAMS01000097_1:-4925021-4926000
gi-1092455215-gb-MAMS01000097.1:-4925021-4926000 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold325,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTACTATTCCT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTCGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTTATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACTAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT

CCTGAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.103_gi-1092433295-gb-MAMS01012243_1-:288-1263
gi-1092433295-gb-MAMS01012243.1-:288-1263 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold59428, whole
genome shotgun sequence 976 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTTGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGACTATAAGAGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCGT
TAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAAGTC
CGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGCACT
GTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAAAA
CACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTCCTT
AAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAATTTT
TATCGGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAA
ATCAAGATCATGTCTGTATCTATTTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGCTTT
TGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.104_gi-1092436970-gb-MAMS01008568_1-:283-1262
gi-1092436970-gb-MAMS01008568.1-:283-1262 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold43444, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACACGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA

TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCCT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTCGCTCTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTTATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCCCGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTGAACAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAAA
TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAAGTCACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.105_gi-1092449174-gb-MAMS01002762_1-:79204-80188

gi-1092449174-gb-MAMS01002762.1-:79204-80188 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1944, whole
genome shotgun sequence 985 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATAATTTTGGTCTCAGTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTCATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCACTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCAACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTTCATCAA
ACCGGATGCACGATACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAA
TTCTTCCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGA
TACGAATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGG
AGCCAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTACTCATAAA
TTCACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGCATCCACGAAGG
TTTCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATA
ATACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAA

ATAAAAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGA
ATCTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCG
GTCAATTTTTATCCGATTGAGCTGATTTTGGTTTTAATCGATAGGTACTGAGTTGATCTT
TAAAATAAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCC
CGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

>Btmar2.8.106_gi-1092449174-gb-MAMS01002762_1-:325548-326145
gi-1092449174-gb-MAMS01002762.1-:325548-326145 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1944,
whole genome shotgun sequence 598 bp

TACATCGGCTGTCCCTAAAGAACCCGGACTGATTCTGTAACCTCTAAACTACGATAGATG
CAGACATGATCTTGGTTTCATTTTAAGGATCAACTCAATACCTATTGATTAAGACCAAGA
TCAGCTCAATCGAACAAAAATGACCGAGTTATGATAATTTAAAATCAGTGAGTAAAGTTT
ACCCCTAAGGTTTTTAAGGAAGACTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATTTTCGT
TTCCGCTGTCCTCCGAATCTTCCATGACTTCCTTCCGCTTTTCAAAGTACCGTCCATTAA
ACCGGATGCACTTACTCATGAGCTCTTGCCACTTCTCTAATATCGTTTTCTGAATTCTT
CCCATGAGATGGAGTTGAAAAAGTTCTGAACTGCCTTCTGGATTTTCGGTCTCTATTTCGA
ATCTTTGTCCGCGAGGCTCCTTAATAGTGGGAAACATCCAAAAATCACAAGGAGCCAAGT
CAGGGCTCTAAGGAGGATGAAGGATTGTTTTAACCTCATTTTTACTCATAAACTCACCTT
AGAATTCGAGCTATGAGGCCGCGGTTGTCTTGATGGAGCATCCACGAAGCTTTCAAG

--

>Btmar2.8.107_gi-1092445037-gb-MAMS01004535_1-:177099-178079
gi-1092445037-gb-MAMS01004535.1-:177099-178079 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2663,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGATTTTATAGGAAAATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAGAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTATTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA

ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCTA
AGTCAGGGCTATATGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGATTTC
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATATG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCA
ATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAAAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGAACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.108_gi-1092432705-gb-MAMS01012833_1-:65624-66603
gi-1092432705-gb-MAMS01012833.1-:65624-66603 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold62097, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTGAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACTGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACAGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCACGAAGCTCCTTTTTAAGTGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTTGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCCATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG

CTTTTGGGACACCTTTTGTA

--

>Btmar2.8.109_gi-1092429975-gb-MAMS01015563_1-:248494-249466
gi-1092429975-gb-MAMS01015563.1-:248494-249466 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold743, whole
genome shotgun sequence 973 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTAAGTACCGTCCATCAAACCG
GATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCCTC
TGGGGTGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTGGTCTTCGATACGAATCT
TCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCTAAAAATCACATGGAGCCAAGTC
AGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGCTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCACGTGT
TAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCAAGTC
CGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAGCGCACTGT
CAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAAAACAC
AATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTCCTTAAA
AACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAGCTCGGTCAATTTTTAT
CCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAAATC
AAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGCTTTTGG
GACACCTTTTGTA

--

>Btmar2.8.110_gi-1092454972-gb-MAMS01000167_1-:2642819-2643771
gi-1092454972-gb-MAMS01000167.1-:2642819-2643771 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold533,
whole genome shotgun sequence 953 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGACG
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTCATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT

ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATTAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGT

>Btmar2.8.111_gi-1092454972-gb-MAMS01000167_1-:1912741-1913711

gi-1092454972-gb-MAMS01000167.1-:1912741-1913711 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold533,
whole genome shotgun sequence 971 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATG
CAGACATGATTTGTGAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGATCAGCTCAA
TCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTTTACCCCTAC
GGTTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGTATCCACTTT
CCTTCGAATCTTCCATAATTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAACCGGATGC
ACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCCTCTGGGA
TGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTGGTCTTCGATACGAATCTTCGTC
CGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAGTCAGCGC
TATTAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCACGTGTTAAGC
TCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCAAGTCCGACC
GTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGCACTGTCAA
CTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAAAACACAA
TAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTCCTTAAAAA
CCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAATTTTTATCC
GATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAATGAAATCAA

GATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCTGAAGTTACAGAACAAAGTCCCGGTGCTTTTGGGA
CACCTTACGTA

>Btmar2.8.112_gi-1092426883-gb-MAMS01018655_1-:143126-144114
gi-1092426883-gb-MAMS01018655.1-:143126-144114 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold8852,
whole genome shotgun sequence 989 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTGAAGATCAACTCAATACCTATTGATTAAAGCCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAGTATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAGGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGTCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATA
CGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATA
AAAAAACACATTAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATC
TTCCTTAAAAATTA AAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAA
CTCGGTCAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATGGGCATTGAGTTGA
TCTTTAAATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTCTGAAGTTACAGAACAA
GTCCCGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.113_gi-1092445095-gb-MAMS01004506_1-:220033-220983
gi-1092445095-gb-MAMS01004506.1-:220033-220983 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2651,
whole genome shotgun sequence 951 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGGAAGATAGATA
CAGACTCTTTTGGTCTCATTTTGAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGATC
AGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTTTA
CCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAAGATTCAAAAAGTTAGTATTCGTAT

CCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAAC
CGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTCC
TCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTTTGTCTTCGATACGAAT
CTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAAG
TCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTAATAAATTCACGT
GTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCAAG
TCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGCA
CTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAAA
AACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTTCC
TTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAATT
TTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAAAATG
AGATCAAGATCATGTCTGTACCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGT

>Btmar2.8.114_gi-1092450898-gb-MAMS01001937_1-:430886-431865

gi-1092450898-gb-MAMS01001937.1-:430886-431865 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1620,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTGTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTAACCGAGTTATGACAATTTGAAATCAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTGAATTGCATTCTGGATTTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGTAGGAAACATTCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGACTTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCGTTCA
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAAAAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAAGGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATGGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCCCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA

TGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.115_gi-1092454785-gb-MAMS01000211_1-:1461266-1462252
gi-1092454785-gb-MAMS01000211.1-:1461266-1462252 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold651,
whole genome shotgun sequence 987 bp

TACGTAGAGTGTCCCAAAAGTATACCGGGACTGGTTCTGTAAGTTCAAAAGTAAGATAGA
TACAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATAGGTACCTATCGATTAAAA
CCAAGATCAGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGTAATTAGTGAGG
AAAGTTTACCCCAACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAAT
ATTCGTATCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAACTTCCTTCGCTTTTCAAAGTACCGTC
CATCAAACCGGATGCACTTTTTATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGA
ATTCTCCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTGAATTGCATTCTGGATTTCCGGTCTTCG
ATACGAATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTTAAGCGCAGGAAACATCCAAAAATCACATG
GAGCCAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAA
ATTCACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTTGATGGAGTATCCACGAA
ACTTTCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTTTTTTAGTACCTTGCAA
TAATACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATTTTGATAAATGATACCTCGA
AAATAAAAAAACACAATAAGCATCACTTTATGGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAA
GAATCTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACT
TGGTCAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATC
TTTAAAATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAGT
CCCGGTGCTTCTGGGACACCTTACGTA

>Btmar2.8.116_gi-1092437566-gb-MAMS01008150_1-:559531-560510
gi-1092437566-gb-MAMS01008150.1-:559531-560510 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4159,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAAGTTCAAAAGTAAGATAGATA

CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCTCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCACGAAGCTCCTTTTAAAGTGTAGGAAACATCAAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCAA
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTCGAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTTGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATGAAA
AAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTGGATTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAAGTGCCATAACTTGGTCAA
TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTAAAA
TGAGATCAAAATCATGTCTGTATCCATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTG
CTTTTGGGACACCTTTTGTA

--

>Btmar2.8.117_gi-1092438832-gb-MAMS01007481_1-:259512-260492
gi-1092438832-gb-MAMS01007481.1-:259512-260492 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3891,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACGTAGGGTGTCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAACATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATACAAATTGACCGAGTTATGACAATTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTAACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCG
TATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCA
AACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATACAACATTGTTTCTGAATTCT
ACCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTGAATTGCATTCTGGATTTTGGTCTTCGATTCTG
AATCTTCGTCCACGAAGCTCCTTTTAAAGTGTATGAAACATCAAAAATCACATGGAGCC
AAGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCA
CGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCTTGCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCA

AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACATCTCGAAAATGAA
AAAAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTAGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCA
ATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
ATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTAGTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGT
GCTTTTGGGACACCTTTTGTA

>Btmar2.8.118_gi-1092438832-gb-MAMS01007481_1-:179692-180420
gi-1092438832-gb-MAMS01007481.1-:179692-180420 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3891,
whole genome shotgun sequence 729 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTGCTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTATT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGAAGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCTGCGCATTGTTTTGATGGAGTATCCACGGAGCTTTCA
AGTCCGACGGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTACTACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGTATGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAAACACAA

--

>Btmar2.8.119*_gi-1092454194-gb-MAMS01000453_1-:9062-10051
gi-1092454194-gb-MAMS01000453.1-:9062-10051 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold10758, whole
genome shotgun sequence 990 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTCAGATAGATA
CGGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT

TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ACCCACTTTCCTCCGAATCTTCCATAATTTCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTATAAGGGGGATTATAGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTTAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTC
AGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGCACTTTGCAATAATACG
CACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATATTGATAAATGACACCTCGAAAATAAA
AAACACAATAAGCATCACTTTATAGGCCGACTTTTCGATTTACGGCGATGAAGAATCTT
CCTTAAAAACCGTAGGCGTAAACTTTCTCGCTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGATAGGTATTGAGTTG
ATCTTTAAATGAGATCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACA
AGTCCCGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.8.120_gi-1092455242-gb-MAMS01000093_1-:1060689-1061643
gi-1092455242-gb-MAMS01000093.1-:1060689-1061643 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold317,
whole genome shotgun sequence 955 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTGAAGATCAACTCAAACTATCGATTAAACCAAGAT
CAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTTT
ACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCCTA
TCCACTTTCCTCCGAATCTTCCAAAACCTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAAA
CCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTGCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTTC
CTCTGGGATGGAGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTCGGTCTTCGATACGAA
TCTTCGTCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCAA
GTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTACTCATAAATTCACG
TGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTTC
GTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACTTTGCAATAATACGC
ACTGTCAACTGTTGTGTTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGAAAATAAAA

AAACACAATAAGCATCACTTTATCGGCCGATTTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTTC
TTTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCGCTGACTTCAAATTGCCATAACTCGGTC
AATTTTTATCCGACTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATGGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAAATCAAGAGCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACAAAGT

>Btmar2.9.1_gi-1092455116-gb-MAMS01000124_1-:518461-519442
gi-1092455116-gb-MAMS01000124.1-:518461-519442 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold403, whole
genome shotgun sequence 982 bp

TACATAAGGTGTCCCAAACGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTAATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATATGGCAATTTGAAATCAGCAAGGAAAG
TTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGAT
AAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCA
TCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCAC
ATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGG
CCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCT
CATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAA
AAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAAC
TTCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAGAG
CGCATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATG
GAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.2_gi-1092454721-gb-MAMS01000233_1-:433576-434556
gi-1092454721-gb-MAMS01000233.1-:433576-434556 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold699, whole
genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA

TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAAAT
TCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGC
GCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGG
AAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATTCTGGTAAGCGAAAAATC
TTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCA
ATTTTTATTCAATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
ATGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.3_gi-1092454721-gb-MAMS01000233_1-:448500-449234

gi-1092454721-gb-MAMS01000233.1-:448500-449234 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold699, whole
genome shotgun sequence 735 bp

TGCGTTTTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACA
CAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCC
GGAAACCGTCGGACTTGAAAGCTCCGTGGATACTCCATCAAAACAATGCGCAGCCTCACA
CATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCC
CTTATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCCACGCTTAAAAAGGAGC
TTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAATTCTTCA
ACTCCATCCCAGAGGAATAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGA
AAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATT
CGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTAAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTA
AAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTT
ATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAGA

CCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTAATTTTGAAGTTACAGAACCAAGTCCCGGTACTTTT
GGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.4_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:5165538-5166517
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:5165538-5166517 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTAAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCTCTTATAGTCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCCGAGGAAGGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.5_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:5197937-5198916
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:5197937-5198916 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTTAATACCTATCGATTAAAACCAAGA

TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTCAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATAAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCGAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATAGGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.6_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:4679684-4680663
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:4679684-4680663 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCATTTTAAAGATCAACTTAATACCTATCGATTAAAACCAAGT
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTCAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTAGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATAAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATTTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCGAAAGGAAGTTATGGA

AGATTTCGAGGAAAGTGGATAGGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.7_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:5426487-5427466
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:5426487-5427466 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATACTGATTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCGTC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGTAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTAATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTGGGATGTTTCTCACGCTTAAAAA
GGAGTTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTACG
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAGA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.8*_gi-1092455288-gb-MAMS01000087_1-:4752060-4753042
gi-1092455288-gb-MAMS01000087.1-:4752060-4753042 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold297,
whole genome shotgun sequence 983 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA

TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTATTTATTTTCGAGGTGTCATTTAAGTATCAACATTTTGTAC
CACCAAACACAACAGTTGAGAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGC
ACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCG
GCCTCACATATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCC
TCATCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAA
AAAGAAGCTTCGCGGACGAAGATTCTGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAA
CTTTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGA
GCGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTAT
GGAAGATTCGGAGGAAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAA
TCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAAATTCAAATTGTCATAACTCGGT
CAATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTA
AAATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCG
GTACTTTTGGGACACCCGACGTA

--

>Btmar2.9.9_gi-1092454650-gb-MAMS01000255_1-:1168428-1169408
gi-1092454650-gb-MAMS01000255.1-:1168428-1169408 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold98,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATAAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG

CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATTCTGGTAAGGGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTGATTTCAAATTGTCATTTACTCGGTCA
ATTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTCAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCATACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.10_gi-1092455591-gb-MAMS01000016_1-:2433534-2434486
gi-1092455591-gb-MAMS01000016.1-:2433534-2434486 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold132,
whole genome shotgun sequence 953 bp

ACTTGTTCTGTAACCTTCGAAAGTAAGATAGATACAGACATGATCTTGATTTTATTTTAAA
GATCAACTCAATACCCATCGATTAAAACCAAGATCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCG
AGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTC
TTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAAGTGATGCTTGTTGTGTTTTTTTATTT
TCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTA
TTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGC
TTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATT
TATAAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCC
ATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATC
GAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTTTTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATT
CAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAGTGCATCCGGTTTGATGG
ACGGTACTTTGAAAAGCAAAATGAAGATATGGAAGATTCGGAGGAAAGTGGATAGGAATA
TTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTC
CTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGT
TTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAATGAAACCAAAATCATGTCTGTATCTAT
CTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.11_gi-1092449997-gb-MAMS01002403_1-:5649-6628
gi-1092449997-gb-MAMS01002403.1-:5649-6628 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1805, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACAAAAGGTGTCTCAAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATGGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCAAGTTATGGCACTTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTCATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCAC
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAATAATCCCTCA
TCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACACTTAAAAA
GGAGCTTCGTGGACGAAGATTGGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
TTTCAACGCCATCCCAGAGAAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATTTTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.12_gi-1092450877-gb-MAMS01001951_1-:6087343-6088322
gi-1092450877-gb-MAMS01001951.1-:6087343-6088322 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16276,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT

TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.13_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:5031260-5032239
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:5031260-5032239 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA

TGAGACCAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.14_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:1038376-1039356
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:1038376-1039356 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAGGTATCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCAT
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGC
CTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTC
ATCCCTCTTATAGTCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAA
AGGAGCTTCGCGGACAAAGATTTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACT
TCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGC
GCATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGG
AAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAATTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATC
TTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCA
ATTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGACCAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.15_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:64277-65257
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:64277-65257 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685, whole
genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAAGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCCATCGATTAAACCAAAA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGT
TTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATA

AAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCAT
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAACCTTCGTGGATATTCCATCAAGACAATGCGCGGC
CTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTC
ATCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAA
AGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCT
TCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGC
GCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCGAAAGGAAGTTATGG
AAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATC
TTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATGACTCGGTCA
ATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGGTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.16_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1:-4597490-4598469

gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1:-4597490-4598469 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCAAATAAAAATTGACCAAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTCAATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCAC
CAAACATAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTCGAGAATGCACA
TTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAAACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
TTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGGGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTTATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTGGAAGGAAAGTGGATACGAATGTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAACAATCA
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA

TTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.17_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1-:2353825-2354625
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1-:2353825-2354625 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 801 bp

TTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGAT
AAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCA
TCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTGGAGAATGCAC
ATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGAATACTCCATCAAGACAATGCGCGG
CCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCT
CATCCCCCTTACAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCGTAAA
AAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAAC
TTCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAG
CGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGTAAAGCAAAAGGAAGTTATG
GAAGATTCGGAGGAAAGTGGATAGGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTTTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGACCAAAAGCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.18_gi-1092453380-gb-MAMS01000828_1-:1700553-1701532
gi-1092453380-gb-MAMS01000828.1-:1700553-1701532 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1195,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCCATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATC

AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTCCACGCTAAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATGCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAGCTCGGTCAA
TTTTTATTTCGATTGAGTTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.19_gi-1092454318-gb-MAMS01000400_1:-875286-876263
gi-1092454318-gb-MAMS01000400.1:-875286-876263 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1056,
whole genome shotgun sequence 978 bp

TACAAAAGGTGTCCCAAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATGGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCAAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTCATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCAC
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACACTTAAAAA
GGAGCTTCGTGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
TTTCAACGCCATCCCGGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCAGTCAA

TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTCAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACG

--

>Btmar2.9.20_gi-1092454872-gb-MAMS01000195_1-:355950-356929
gi-1092454872-gb-MAMS01000195.1-:355950-356929 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold613, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTTATTTTAAAGATCAACTCAATACTCATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAA
GTGATGCTTATTAGAGTTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTCATCAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATAAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGCATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCGGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCGACGTA

>Btmar2.9.21_gi-1092454872-gb-MAMS01000195_1-:718785-719764
gi-1092454872-gb-MAMS01000195.1-:718785-719764 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold613, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAAGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA

TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACAGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCCATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGTAAACGGTCAGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAAACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTAGCGGACGAAGATTGGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATACAATTCAAAACCT
CTTCAACTCCATCCAAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAACG
CATGGAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATGACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.22_gi-1092427970-gb-MAMS01017568_1-:2385592-2386573
gi-1092427970-gb-MAMS01017568.1-:2385592-2386573 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold835,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCATAATACCTATCGATTAAAACCAA
GATCAGCTCAATCAGATAAAAATTGACAGAGTTATGACAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAG
TTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGAT
AAAGTGATACTTATCGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCA
TCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGAAGTTGAGAATGCAC
ATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGG
CCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCT
CATCCCCCTTGTAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAA
AAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTGATATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAAC
TTCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAG

CGTATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATA
GAAGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGCAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTTATTTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGCGTTGATCTTTAA
AATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.23_gi-1092455272-gb-MAMS01000090_1-:2198646-2199541
gi-1092455272-gb-MAMS01000090.1-:2198646-2199541 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold300,
whole genome shotgun sequence 896 bp

TACATAAGGTGTCCCAAGAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAATCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTTGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACTT
CTTCAACTCCATCTCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATGCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGAGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTT

--

>Btmar2.9.24_gi-1092455411-gb-MAMS01000045_1-:489310-490287
gi-1092455411-gb-MAMS01000045.1-:489310-490287 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold199, whole
genome shotgun sequence 978 bp

TACATAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTTCGAAATTAAGATAGATA

CAGACATGATCTTGGTTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATCAGTGAGGAAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAATCGGCCTGTAAA
GTGATGCTTATTGTGTTTTTTGATTTTCGAGGTGTCAATTATCAACATTTTGTACCACCA
AACACAACAGTTGACAGTGCGTCTTATTTCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACATC
TCCCGGAAACGGCCGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATAAAGACAATGCGCGGCCT
CACACATCGAACTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATTCCTCAT
CCCTCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCCTAAAAAG
AAGCTTCGCGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAGTTCAGAACTTT
TTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCATGAGCGC
ATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAA
GATTTGGAGGAAAGCGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTT
CCTAAAAGACCGTAGGGGTAACCTTTCCTACCGATTTAAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTATTATCTGATTGAGCTTCTTGGTCTTAATCAATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATG
AAACCAAGATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACT
TTTGGGACACCCTATGTA

--

>Btmar2.9.25_gi-1092455507-gb-MAMS01000028_1-:1656546-1657527
gi-1092455507-gb-MAMS01000028.1-:1656546-1657527 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold161,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGATTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TATACGCCTACGGTTTTTAAGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGAT
AAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCA
TCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCAC
ATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGG
CCTCAAACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCT
CATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAA
AAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAAAAC

TTCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATCCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAG
CGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATG
GAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAAATCAAAATCATGTCTGTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.26_gi-1092429439-gb-MAMS01016099_1-:2804413-2805392
gi-1092429439-gb-MAMS01016099.1-:2804413-2805392 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold767,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCCATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTACGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCATAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGCACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAGGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGCCAAAACCTCGGTCAA
TTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAGA
TGAAACCAAAATCATGTCTGCATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.27_gi-1092435969-gb-MAMS01009569_1-:379428-380409

gi-1092435969-gb-MAMS01009569.1-:379428-380409 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold479, whole genome shotgun sequence 982 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGATTGATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGAAGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCTTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATATTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATTCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGATTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGATCGAAATCCAGAATGCAATTCAAATAC
TTCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAACGTTGGATAAGTGGCAAGAG
CGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATG
GAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATGCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGTAGGAGTAACTTTCTCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.28_gi-1092444632-gb-MAMS01004733_1-:190458-191437

gi-1092444632-gb-MAMS01004733.1-:190458-191437 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2737, whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATCGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAAATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGTCCGATAA
AGTGATGCAAATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATCTTGTACCATC

AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTCGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGAAAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAATTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAATAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATGACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGGGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAACCATGTCCGTATCTATCTTACTTTTGATGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.29_gi-1092444632-gb-MAMS01004733_1-:135854-136716

gi-1092444632-gb-MAMS01004733.1-:135854-136716 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2737,
whole genome shotgun sequence 863 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGAACCGGGACTTGTTCTGTGACTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAAATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCCAAATCGGAAAAAAATTGACCGAGGTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTTATCGCCGTAAATCGAAAAGTTGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTCTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAGACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACGCGTGAATTTATGATTACAAAGGAGTTGAAACAATCCCTCAT
CCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCACGTGATTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAAG
GAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTC
TTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGGAAACAATGTTGGAAAAGTGGCAAGAGCGC
ATGAAAAATTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAA
GATTCGGAGGAAAGTCGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTT
CCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATGACTCGGTCAAT
TTTTATTCGATTGAGTTGATCTT

--

>Btmar2.9.30_gi-1092447501-gb-MAMS01003488_1-:1198611-1199587
gi-1092447501-gb-MAMS01003488.1-:1198611-1199587 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2229,
whole genome shotgun sequence 977 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATAATCTTGATCTCATTTTATAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTGAAATCAGCGAGTAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCAGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTAATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCTCACGCTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAATT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAGAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTGTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCTCGGTA
CTTTTGGGACACCCTAC

--

>Btmar2.9.31_gi-1092452270-gb-MAMS01001295_1-:535929-536907
gi-1092452270-gb-MAMS01001295.1-:535929-536907 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1374,
whole genome shotgun sequence 979 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGACCTTGATTTTATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATACAAATTGACCGAGTTATGGCAATTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA

AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACT
TCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGC
GCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGG
AAGATTTGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATTCTGGTAAGCGAAAAATC
TTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCA
ATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTAC
TTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.32_gi-1092452270-gb-MAMS01001295_1-:1440942-1441917

gi-1092452270-gb-MAMS01001295.1-:1440942-1441917 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1374,
whole genome shotgun sequence 976 bp

TACATAGGGTGTCCCAAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGGTCTCATTTTTAGGATCAACTCAATACCTATCGATTAAGACCAAGA
TCAGCTTAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGGCCATTTGAAATCAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAATCGGCCTGTAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTGATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCACC
AAACAAAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAAGAGTTGAGAACGCACAT
CTCCCGGAAACGGCCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
GCACACATCGAACTTAACACGTGACTTTATAAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCGCA
CCCCCTAATAGCCCCGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGATTGCAGTTCAGAACTT
TTTCAACGCCATTCCAGAGGAAAAATGCAGGAAAACAATGTTGAATAGGTGGCAAGAGCG
CATAAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGAGGAAAGCGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAAACCGTGGGGGTAACTTTCCTCACTGATTTCAAATTGCCATAATTCGGTTA

ATTTTAATTCGATTGAGCTGACCTGGTTTTAATCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTCAA
ATGAAACCAAGATCATGCCTGTATCTATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGATACCTT

--

>Btmar2.9.33_gi-1092454460-gb-MAMS01000340_1-:2114912-2115891
gi-1092454460-gb-MAMS01000340.1-:2114912-2115891 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1034,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTTAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTCAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATAAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTCCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCGAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCCGAGGAAAGTGGATAGGAATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.34_gi-1092454901-gb-MAMS01000188_1-:535505-536485
gi-1092454901-gb-MAMS01000188.1-:535505-536485 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold596, whole
genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA

TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTCATTTTCGAGGGGTCATTTATCAACATTTTGTACCAC
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTCCCGGAAACGGTCGGATTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGAGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTTGATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACACTTAAAAA
GGAGCTTCGTGGACGAAGATTGGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCT
TTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTAAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCTTTAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCTACTAATTTCAAATTGTCATAACACCGGTCA
ATTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
ATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.35_gi-1092454901-gb-MAMS01000188_1-:673732-674712

gi-1092454901-gb-MAMS01000188.1-:673732-674712 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold596, whole
genome shotgun sequence 981 bp

TACATAGGGTGTCCCAAAGTACTGGGACTGGTTCTGTAACCTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGACCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATTCATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGTGAGGAAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAATCGGCCTGTAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTTTCATTTTCAACATTTTGTACCACC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGCATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
CTCCCGGAAACGGCCGGACTTGAAACCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAACTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTTGAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGATGAAGATTCCAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAGTTCAGAAGCTT
TTTCAACGTCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA

AGAGTCGGAGGAAAGCGGATACGAATATTGACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAAACCATAGGGGTAACTTTCCTCACTGATTTCAAATTGCCATAACTTGGTCA
ATTTTATCCGATTAAGCTGATCTTGGTCTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTCAA
ATGAAACCAAGATCATGTCTGCATCTATCTAACTTTCGAAGTTACAGAACCAGTCTCGGT
ACTTTGGGACACCATATGTA

--

>Btmar2.9.36_gi-1092454946-gb-MAMS01000174_1-:612776-613753
gi-1092454946-gb-MAMS01000174.1-:612776-613753 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold562, whole
genome shotgun sequence 978 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCATACCTATTGATTAAACCAACAT
CAGCTCAATCGGATAAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTTT
ACGCCTACGGTTTTTAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAAG
TGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAAGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAA
ACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTT
CCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTC
ACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTGAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATC
CCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGACGTTTCCTACGCTTAAAAAGG
AGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCAAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTCT
TCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCA
TGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGTTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAG
ATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATCCTGGTAAGCAAAAAATCTTC
CTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATT
TTTATTCAATTAAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATG
AGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACT
TTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.37_gi-1092455625-gb-MAMS01000011_1-:2442087-2443066
gi-1092455625-gb-MAMS01000011.1-:2442087-2443066 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold123,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTTGAAAGTAAGATGGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCTATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTCTTGTTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACCAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTAATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAATTATGGA
AGATTCTGAAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTTAAACCGTAAGGGTAAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.38_gi-1092455625-gb-MAMS01000011_1-:269038-269990
gi-1092455625-gb-MAMS01000011.1-:269038-269990 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold123, whole
genome shotgun sequence 953 bp

ACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATACAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAA
GATCAACTCAATACCATCGATTAAACCAAGATCAGCTCAATCGAATAAATATTGACCG
AGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTC
TTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTATTT
TCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTA
TTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGGGAATGCACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGC
TTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTCACACATCCAGCTTAACACGTGAATT

TATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCC
ATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATC
GAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTTTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATT
CAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGG
ACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATA
TTTACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTAAAAACCGTAGGTGTAACTTTC
CTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGT
TTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAAACCAAATCATGTCTGTATCTAT
CTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.39_gi-1092455666-gb-MAMS01000003_1-:1609163-1610142
gi-1092455666-gb-MAMS01000003.1-:1609163-1610142 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold109,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAACACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTACGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCGGATAA
AGTGATGCTTATTGTGGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATGCGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTGATTGAGCTGATCTAGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA

CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.40_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:1436030-1437009

gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:1436030-1437009 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17, whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGTCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAATTCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.41_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:997601-998552

gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:997601-998552 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17, whole genome shotgun sequence 952 bp

ACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATACAGACATGATCTTGATCTCATTTTAA
GATCAACTCAATACCCATCGATTAAAACCAAGATAAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCG
AGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTC
TTCATCGTCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTT
TCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTA

TTGTAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGC
TTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATT
TATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCC
ATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATC
GAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTTTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATT
CAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGG
ACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATTCGGAGGAAAGTGGATAGGAATA
TTAACTTTTGAATCCTGGTAAGCAAAAAATCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAAACTTTC
CTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGT
TTTAATCGATAGGTTTGAGTTGATCTTTAAATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATC
TTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.42_gi-1092455481-gb-MAMS01000031_1-:1172648-1173308
gi-1092455481-gb-MAMS01000031.1-:1172648-1173308 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold17,
whole genome shotgun sequence 661 bp

ACTTGTTCTGTAACCTTCGAAAGTAAGATAGATACAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAA
AATCAACTCAATACCCATCGATTAAAACCAAGATCGATTAAAACCAAGATCAGCTCAATC
GGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTTTACGCCTACGG
TTTTTAAGGAAGATATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAAGTGATGCT
TATTGTGTTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACACAAC
AGTTGACAGTGCCTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCCGGAA
ACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTCACACATC
GAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTTATCCCCTTTA
TAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAAGGAGCTTCG
CGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTTTTCAACTC
CATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAA

G

--

>Btmar2.9.43_gi-1092436163-gb-MAMS01009375_1-:1502925-1503905
gi-1092436163-gb-MAMS01009375.1-:1502925-1503905 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4704,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAATGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGTCAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTAGATACGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCAATTCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCA
ATTTTTATTCGATTGAGCTGATCATGGTTTAAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
ATGAAACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.44_gi-1092436163-gb-MAMS01009375_1-:152222-153201
gi-1092436163-gb-MAMS01009375.1-:152222-153201 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4704,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAGGGTGTCCCAAAGTATCGGGACTGGTTCTGTAACCTTGAAGTACGATAGATA
CAGACATGATCTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATAAGACCAAGAT
CAGCTCAATCGGATAAAAATTGACTGAGTTATGGCAATTTAAAATCAGTGAGGAAAGTTT
ACCCCTACAGTTTATAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAATCGGCCTGTAA
GTGAAGCTTATTGTGTTTTTTGATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCA
AACACAACAGTTGACAGTGCGTATTGTTGCAAAGTTCTAAAGGAGTTAAGAATGCACATC
TCCCGGAAACGGCCAGACTTGAAAGCTTCATGGATACTTCATCAAGACAATACGCGGCCT

CACACATCCAGCTTAACACGTAAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACCATCCCTCAT
CCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTAAAAAAG
GAGCTTCGCGGACAAAGATTCTGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAGTTCAGAACTTT
TTCAACGCCATCCCAGAGGAAAAATGCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGC
ATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACAGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAA
GATTCAGAGGAAAGCGGATACGAATATTAATTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTT
CCTAAAAAACCGTGGGGGTAACTTTCTCACTGATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAACCAAGATTATGTCTGTACCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAAGCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTATGTA

--

>Btmar2.9.45_gi-1092447432-gb-MAMS01003516_1-:292909-293888
gi-1092447432-gb-MAMS01003516.1-:292909-293888 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2242,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGTTTCGCGGACGAAGATTCTGATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGAAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAATTTTTGAATTCTGGTAAGGGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAATCATGTCTGTGTCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA

CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.46_gi-1092455544-gb-MAMS01000025_1-:4195632-4196613
gi-1092455544-gb-MAMS01000025.1-:4195632-4196613 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold147,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACAAAAGGTGTCACAAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATGGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGGAAAAAGTTATGGCCCATTTGAAATCAGCGAGGAAAG
TTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAATTCGGCCTAT
AAAGTGATGCTTATTGTTTTTTTCATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACC
ACCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCA
CATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGG
CCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCT
CATCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTGGATGTTTCCTACACTTAA
AGGGAGCTTCGTGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAAC
TTTTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAG
CGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATG
GAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGTTTAAATCGATAGGTATTGAGTTAATCTTTAA
AATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.47_gi-1092444267-gb-MAMS01004927_1-:1612240-1613219
gi-1092444267-gb-MAMS01004927.1-:1612240-1613219 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2816,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCAAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA

TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCACTTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTCCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACCGTCGGACTTGAAAGCTCCGTGGATACTCCATCAAAACAATGCGCAGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAATAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCCGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTAAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTAATTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.48_gi-1092454879-gb-MAMS01000194_1-:363388-364122
gi-1092454879-gb-MAMS01000194.1-:363388-364122 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold610, whole
genome shotgun sequence 735 bp

TGCGTTTTGTGTTTTTTATTTTAGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACA
CAACAGTTGACAGTGCGTAATATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCTT
GGAACCGGTCGGACTTGAAAGCTCCGTGGATACTCCATCAAAACAATGCGCGGCCTCACA
CATCGAGCTTAACACGTGAATTCATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCC
CTTATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCTGCGCTTAAAAAGGAGC
TTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTTCTTCA
ACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGA
AAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATT
CGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTAAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTA
AAAACCATAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTT

ACTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAATGAGA
CCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCGGTCCCGGTACTTTT
GGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.49_gi-1092453820-gb-MAMS01000625_1-:172989-173968
gi-1092453820-gb-MAMS01000625.1-:172989-173968 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1131,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACAGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.50_gi-1092455247-gb-MAMS01000092_1-:1445738-1446717
gi-1092455247-gb-MAMS01000092.1-:1445738-1446717 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold310,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATA

CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTGTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.51_gi-1092455247-gb-MAMS01000092_1-:1958609-1959587
gi-1092455247-gb-MAMS01000092.1-:1958609-1959587 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold310,
whole genome shotgun sequence 979 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTTAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTCAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATCA
AACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGCAGTTGAGAATGCACATT
TCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCT
CACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCAT
CCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAAG
GAGCTTCGTGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
TTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGC

ATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAA
GATTCGGAGGAAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATGCTGGTAAGCGAAAAATCTT
CCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAAT
TTCTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAAT
GAAAGCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTAC
TTTTGAGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.52_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1-:1613-2592
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1-:1613-2592 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACGTGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATTAATAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTACTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACGGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGAAGTTGAAACAATCCCTCG
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAACGGATACGAATATTAACTTTTTAAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGGGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.53_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1-:1634284-1635265
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1-:1634284-1635265 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAGTAAGATAGATAC
AGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGAT
CAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTTAAATCAGCGAGGAAAGTTT
ACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAAA
GTGATGCTTATTGTGTTATTTATTTTCGAGGTGTCATTTAAGTATCAACATTTTGTACC
ACCAAACACAACAGTTGAGAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCA
CATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGG
CCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTGAAAATGGAGTTGAAACAATCCCT
CATCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAA
AAGAAGCTTCGCGGACGAAGATTGCAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAAC
TTTTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTGAGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAGAG
CGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATG
GAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCGACGTA

>Btmar2.9.54_gi-1092453460-gb-MAMS01000794_1-:2500974-2501738
gi-1092453460-gb-MAMS01000794.1-:2500974-2501738 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1185,
whole genome shotgun sequence 765 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTTAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTATTTATTTTCGAGGTGTCATTTAAGTATCAACATTTTGTAC
CACCAAATACAACAGTTGAGAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGC
ACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGGTTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCG

GCCTCACACATCGAGCTTAACACATGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCC
TCATCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAA
AAAGAAGCTTCGCGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAA
CTTTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAAGA
GCGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTAT
GGAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATC

--

>Btmar2.9.55_gi-1092454689-gb-MAMS01000243_1-:2400326-2401063
gi-1092454689-gb-MAMS01000243.1-:2400326-2401063 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold73,
whole genome shotgun sequence 738 bp

TGCGTTTTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACA
CAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCC
GGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTCCGTGGATACTCCATCAAAACAGTGCGCAGCCTCACA
CATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCAACCCC
CTTATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCCACGCTTAATAAAAAGG
AGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTCT
TCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCA
TGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGAAAG
ATTCGGAGGAAAACGGATACGAATATTAACTTTTTAAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTC
CTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATT
TTTATTCGATTGAGCTGATCTTGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAATG
AGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACT
TTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.56_gi-1092455188-gb-MAMS01000105_1-:2966066-2967044
gi-1092455188-gb-MAMS01000105.1-:2966066-2967044 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold343,
whole genome shotgun sequence 979 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTCTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAACCCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGTTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACATGAATTTATGAGTAAAAATGGAATTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTTTAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGC
ATGAAAAAGTGCAATCGGTTTGATAGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAA
GATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTT
CCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAAT
TTTTATTTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAT
GAGACCAAAATCATGCCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTAT
TTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.57_gi-1092455225-gb-MAMS01000096_1-:296676-297655
gi-1092455225-gb-MAMS01000096.1-:296676-297655 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold322, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT

TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTAAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATTCTGGTAAGGGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.58_gi-1092455237-gb-MAMS01000094_1-:3594729-3595710
gi-1092455237-gb-MAMS01000094.1-:3594729-3595710 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold320,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAATAGGGGCAAGAG
CGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATG
GAAGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCT
AATTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA

AATGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.59_gi-1092455237-gb-MAMS01000094_1-:3753808-3754542
gi-1092455237-gb-MAMS01000094.1-:3753808-3754542 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold320,
whole genome shotgun sequence 735 bp

TGCGTTTTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACA
CAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCC
GGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTCACA
CATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAATAAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCC
CTTATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCTTAAAAAGGAGC
TTCGCGGACGAATATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTTCTCA
ACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGA
AAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATT
CGGAGGAAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATGCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTA
AAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTT
ATTCCATTGAGCTGATCTTGGTTTCAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAGA
CCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCTCGGTACTTTT
GGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.60_gi-1092425788-gb-MAMS01019750_1-:2678838-2679817
gi-1092425788-gb-MAMS01019750.1-:2678838-2679817 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold231,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC

TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCCACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.61_gi-1092428471-gb-MAMS01017067_1-:1922201-1923180
gi-1092428471-gb-MAMS01017067.1-:1922201-1923180 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold811,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.62_gi-1092428471-gb-MAMS01017067_1-:2080494-2081476
gi-1092428471-gb-MAMS01017067.1-:2080494-2081476 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold811,
whole genome shotgun sequence 983 bp

TACGTAAGGTGCCCCAAAAGTACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAATTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTTA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCA
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTTCTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACAAATATTAACTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCGCGAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTACCTATTGAGTTGATCTTT
AAAATGAGACCAAAATCATGCCTGTATCTGTGCTTTTGAAGTCACAGAACCAGTCCCGGT
ATACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.63_gi-1092428471-gb-MAMS01017067_1-:1895437-1896175
gi-1092428471-gb-MAMS01017067.1-:1895437-1896175 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold811,
whole genome shotgun sequence 739 bp

TGCGTTTTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACA
CAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCC
GGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTCCGTGGATACTCCATCAAAACAATGCGCAGCCTCACA
CATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCC
CTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCTTAAAAAGGAGC
TTCGCGGACGAAGATTCGTAAGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTC

TTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGC
ATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAA
GATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATGCTGGTAAGCGAAAAATCTT
CCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAAT
TTTAATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAT
GAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTAC
TTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.64_gi-1092446717-gb-MAMS01003828_1-:962043-963022
gi-1092446717-gb-MAMS01003828.1-:962043-963022 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2363,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCAAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTCAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATAAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCGAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATAGGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTTTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.65_gi-1092455056-gb-MAMS01000145_1-:86036-87015
gi-1092455056-gb-MAMS01000145.1-:86036-87015 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold471, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGTCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCTCTTATAGTCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TAAGACCAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.66_gi-1092455056-gb-MAMS01000145_1-:1128996-1129975
gi-1092455056-gb-MAMS01000145.1-:1128996-1129975 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold471,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACAAAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATGGATA
CAGACATGATCTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA

AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTCATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCAC
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACACTTAAAAA
GGAGCTTCGTGGACGAAGATTGGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
TTTCAACGCCATCCCAGAGAAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGAACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCAGTCAA
TTTTTATTTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTCAAAA
TGAGACCAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.67_gi-1092455056-gb-MAMS01000145_1-:723030-723764

gi-1092455056-gb-MAMS01000145.1-:723030-723764 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold471, whole
genome shotgun sequence 735 bp

TGCGTTTTGTGTTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCCAACA
CAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCC
GGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTCCGTGGATACTCCATCAAAACAATGCGCAGCCTCACA
CATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATTCCTCATCCCC
CTTATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCTTAAAAAGGAGC
TTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTCTTCA
ACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGA
AAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATT
CGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATGCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTA
AAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGCCATAACTCGGTCAATTTTA
ATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAGA
CCAAATGATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACTTTT
GGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.68_gi-1092453068-gb-MAMS01000954_1-:28201-29180
gi-1092453068-gb-MAMS01000954.1-:28201-29180 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1240, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACATTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACCCATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCAAGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACGGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
TTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.69_gi-1092449565-gb-MAMS01002590_1-:204698-205677
gi-1092449565-gb-MAMS01002590.1-:204698-205677 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1870,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCAATTTAAACATCAACTCAATACCCATCGATTAAAACCAAAA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGGTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT

TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAATTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTTCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATCGGTATTGAGTTGATCTTCAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.70_gi-1092446696-gb-MAMS01003835_1-:1269198-1270176
gi-1092446696-gb-MAMS01003835.1-:1269198-1270176 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2366,
whole genome shotgun sequence 979 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAATAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCCATCGATTAAAACCAAAG
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAGGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTCAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGAGAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTCAAAA

TGAGACCAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGT

--

>Btmar2.9.71_gi-1092449032-gb-MAMS01002826_1:-965196-966175
gi-1092449032-gb-MAMS01002826.1:-965196-966175 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1971,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTAATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAATTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGACAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.72_gi-1092455142-gb-MAMS01000117_1:-3218591-3219570
gi-1092455142-gb-MAMS01000117.1:-3218591-3219570 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold382,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAAGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCAAAAGTAAGATAGATA
CAGACATAATCTTGATCTCATTTATAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTAAAATCAGCGAGTAAAGTT

TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACCCGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.73_gi-1092448125-gb-MAMS01003211_1-:565120-566099
gi-1092448125-gb-MAMS01003211.1-:565120-566099 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2124,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAATCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATAGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTAAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCGTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACGGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAGAGCG

CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGTAGTTATGGA
AGATTTCGGAGGAAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGGTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAAACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.74_gi-1092448125-gb-MAMS01003211_1:-594766-595747
gi-1092448125-gb-MAMS01003211.1:-594766-595747 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2124,
whole genome shotgun sequence 982 bp

TACATAAAGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATTAACCTCAATACCTATATCGATTAAAACCAA
GATCGGCTCAATCGAATAAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAGAG
TTTACCCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGAT
AAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCA
CCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTAAGAATGCAC
ATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTTCATCAAGACAATGCGCGG
CCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCT
CATCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCTATATGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAA
AAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAAC
TTTTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTAAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAG
CGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATG
GAAGATTCGGAGGAAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAAT
CTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTC
AATTTTTATCCGATTGGGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
AATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGG
TACTTTTGGGACACCCTATGTA

--

>Btmar2.9.75_gi-1092455177-gb-MAMS01000108_1:-1359362-1360342
gi-1092455177-gb-MAMS01000108.1:-1359362-1360342 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold355,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAAATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATCAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGTCAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTAGATACGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCAATTCGGTTTGATGGACGATACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCA
ATTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGTTTAAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAA
ATGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.76_gi-1092455215-gb-MAMS01000097_1-:2613551-2614531
gi-1092455215-gb-MAMS01000097.1-:2613551-2614531 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold325,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCATGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATGTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGTCAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTGGATGTTTCCTGCGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACAAAAATCCAGAATGCAATTCAAACTT

CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTGAGGAAAACAATGTTAGATACGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATTCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCA
ATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGATTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.77_gi-1092455215-gb-MAMS01000097_1-:4844758-4845737
gi-1092455215-gb-MAMS01000097.1-:4844758-4845737 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold325,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACGTAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACCGAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTCGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTAATAGCGCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTGAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAATTATGGA
AGATTCGAAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAAGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGATTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.78_gi-1092445037-gb-MAMS01004535_1-:246867-247494
gi-1092445037-gb-MAMS01004535.1-:246867-247494 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2663,
whole genome shotgun sequence 628 bp

TACATAGGGTGTCCCAAAAATACCGAGACTGGTTCTGTAACCTCGAAACTAAGATAGATA
CAGGCATGATCTTGGTTTCATTTTATAAAGATCAACTTAATACCTATCGATTAAGACCAA
GATCAGCTCAATCGAATGAAAATTGACCGAGTCTTGGCAATTTGAAATCAGTGAGGAAAG
TTTACCCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGCAAATCGAAAAATCGGCCTGT
AATGTGATGCTTATGGTGTTTTTTTTATTTTCAAGGTGTCATTTATCAACATTTGTACCA
CCAAACACAACAGTTGACAGTGTGTAATTTTGCAAAGTGCTACAGGAGTTGAGAATGCAC
ATCTTCCGGAACGGCTGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCTTAAAGACAATGCGCAG
CCTCACACATCGAACTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGCAGTTGAAACAATCCCT
CATCCCCCTTGTAGCCCTGACTTGGCTCCATGTCATGTGATTTTTGGATGTTTGCAGCCC
TTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAGTTT
AAAAATTTTTCAACGCCATCCCAGAGGA

--

>Btmar2.9.79_gi-1092432837-gb-MAMS01012701_1-:395607-396587
gi-1092432837-gb-MAMS01012701.1-:395607-396587 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold6154,
whole genome shotgun sequence 981 bp

TACATAAGGTGTCCAAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTTGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTATTAACATTTGTACCATC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCTCTTATAGCGTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTAGATGTTTCCACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTT
CTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA

AGATTCGGAGGAAAGTGGATACAAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATACTGTATTGAGTTGATCTTTAAA
ATGAGATCAAAATCATGTCTGCATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGT
ACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.80_gi-1092431468-gb-MAMS01014070_1-:84502-85454
gi-1092431468-gb-MAMS01014070.1-:84502-85454 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold6761, whole
genome shotgun sequence 953 bp

ACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATCCAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAA
GATCAACTCAATACCCATCGATTAAAACCAAGATCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCG
AGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTC
TTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTATT
TCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTA
TTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGC
TTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATT
TATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCC
ATGTGATTTTTGGACGTTTCTACGCTTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATC
GAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTTTTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATT
CAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGG
ACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATA
TTAACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTC
CTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGT
TTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTAT
CTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAATCCCGGTACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.81_gi-1092445095-gb-MAMS01004506_1-:36987-37939
gi-1092445095-gb-MAMS01004506.1-:36987-37939 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2651, whole
genome shotgun sequence 953 bp

ACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATACAAACATGATCTTGATCTCATTTTAAA

GATCAACTCAATACCCATCGATTAACCAAGATCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCG
AGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTC
TTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTATT
TCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTA
TTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGC
TTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATT
TATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCC
ATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATC
GAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACTTTTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATT
CAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGG
ACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATA
TTTACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTC
CTCACTAATTTTAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGT
TTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAGACCAAAATGATGTCTGTATCTAT
CTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.82_gi-1092454059-gb-MAMS01000515_1-:114338-115317
gi-1092454059-gb-MAMS01000515.1-:114338-115317 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1098,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACAAAAGGTGTCCCAAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCAAAAGTAAGATGGATA
CAGACATGATCTTGATTTAATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAATA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCAAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTCATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCAC
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACACTTAAAAA
GGAGCTTCGTGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACTT
TTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG

CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGGTCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAACATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.83_gi-1092454801-gb-MAMS01000208_1-:717122-718101

gi-1092454801-gb-MAMS01000208.1-:717122-718101 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold649, whole
genome shotgun sequence 980 bp

TACAAAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATGGATA
CAGACATGATCTTGATTTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTTAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCAAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTCATTTTTGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCAC
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCTATCAAGACAAGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCA
TCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACACTTAAAAA
GGAGCTTCGTGGACGAAGATTGGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
TTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTGGGACACCCGACGTA

--

>Btmar2.9.84_gi-1092433774-gb-MAMS01011764_1-:22903-23882

gi-1092433774-gb-MAMS01011764.1-:22903-23882 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5743, whole genome shotgun sequence 980 bp

TACATATGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATCTTGATTTTCAATTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCAAGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATACTTATTGTGTTTTTTATTTTCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCACC
AAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACAT
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAATAATCCCTCA
TCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTTTATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAAAAA
GGAGCTTCGCGGACGAAGATTGGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
TTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAATAATGTTGGATAAGTGGAAGAGCG
CATGAAAAAGTGATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTATTAACCGTAGGGGTAACTTACCTACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

>Btmar2.9.85_gi-1092436496-gb-MAMS01009042_1-:10-960

gi-1092436496-gb-MAMS01009042.1-:10-960 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold45618, whole genome shotgun sequence 951 bp

ACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAGATAGATACAGACATGATCTTGATTACATTTTAAA
GATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGATCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCG
AGTTATGGCAATTTGAAATCAGCGAGGAAAGTTACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGACTC
TTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCGATAAAGTGATGCTTATTGTGTTTTTTTATTT
TCGAGGTGTCATTTATCAACATTTTGTACCATCAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTA
TTGCAAAGTACTAAAGGAGTTGAGAATGCACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGC
TTCGTGGATACTCCATCAAGACAATGCGCGGCCTCACACATCGAGCTTAACACGTAAATT

TATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCC
AAGTGATTTTTGGATGTTTCCTACCCTTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATC
GAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAACCTTTTCAACTCCATCCAAGAGGAAGAATT
CAGGAAAATAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGG
ACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATA
TTTACTTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTC
CTCACTAATTTCAAATTGTCATAAGTCGGTCAATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGT
TTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTAT
CTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACTTTTGGGACACCCTACG

--

>Btmar2.9.86_gi-1092437566-gb-MAMS01008150_1-:566212-567191
gi-1092437566-gb-MAMS01008150.1-:566212-567191 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold4159,
whole genome shotgun sequence 980 bp

TACAAAAGGTGTCCCAAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAAGTTCGAAAGTAAGATGGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCAAGTTATGGCACTTTGAAATCCGCGAGGAAAGTT
TACACCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCAAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTTTTTCATTTTCGAGGTGTCATATATCAACATTTTGTACAAC
CAAACACAACAGTTGACAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGCACA
TTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAGCTTCGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCGGCC
TCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCGCA
TCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACACTTAAAAA
GGAGCTTCGTGGACGAAGATTGCAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACCTT
TTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCG
CATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGA
AGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCT
TCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAA
TTTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAAA
TGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTA
CTTTTGGGACACCCTACGTA

--

>Btmar2.9.87_gi-1092438924-gb-MAMS01007430_1:-410965-411947
gi-1092438924-gb-MAMS01007430.1:-410965-411947 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3872,
whole genome shotgun sequence 983 bp

TACATAAGGTGTCCCAAAGCACCGGGACTTGTTCTGTAACCTCGAAAGTAAAATAGATA
CAGACATGATCTTGATCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAAAACCAAGA
TCAGCTCAATCGGATAAAAATTGACCGAGTTATGGCAATTTTAAATCAGCGAGGAAATTT
TACGCCTACGGTTTTTAAGGAAGATTCTTCATCGCCGTAAATCGAAAAGTCGGCCTATAA
AGTGATGCTTATTGTGTTATTTATTTTCGAGGTGTCATTTAAGTATCAACATTTTGTAC
CACCAAACACAACAGTTGAGAGTGCGTATTATTGCAAAGTGCTAAAGGAGTTGAGAATGC
ACATTTCCCGGAAACGGTCGGACTTGAAAACCTTTGTGGATACTCCATCAAGACAAGCGCG
GCCTCACACATCGAGCTTAACACGTGAATTTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCC
TCATCCCCCTTACAGCCCTGACTTGGCTCCATGTGATTTTTGGATGTTTCCTACGCTTAA
AAAGAAGCTTCGCGGACGAAGATTCGAATCGAAGACCGAAATCCAGAATGCAATTCAAAA
CTTTTCAACGCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGAAGA
GCGCATGAAAAAGTGATCCGCTTTGATGGACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTAT
GGAAGATTCGGAGGAAAGTGGATACGAATATTAACCTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAA
TCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGT
CAATTTTTATTGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTA
AAATGAAACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCG
GTACTTTTGGGACACCCGACGTA

>Btmar2.10.1_gi-1092455019-gb-MAMS01000152_1:-2528305-2529319
gi-1092455019-gb-MAMS01000152.1:-2528305-2529319 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold499,
whole genome shotgun sequence 1015 bp

TACGAGGCGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGATTAATGAAGATAA
ATTAACCGGTAAAAAGTGTTTTAACCGTCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGTT
TTTTAAATTTGGTCCACCCGTTGCGGAGTGACGTATTTTCCCGCGCCCATCTCTCGTC
ACCGCGTGTCCAAAATATTCGAGCGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTTTGGCT
CCGGGATTTTCGGTCGCTCAAGGAATATTGCTGATCGATTACTTAGGAAGAGGAAAAACA
ATCGATGCCGCAAAATATTGTGAAGTTTTGAAAAAATTAATTCTGCGATCAAGCGAAAA

CGGCCCCGATCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTCCCTTCAAGACAACGCTAGGCCTCATGTG
GCTCATGTGACTAGAGACTTGTTTCGCCTCATTCAAATAGGACCTTTTTCTCATCCATCG
TACTACCCGAACCTTGCTCCATGCGATTTTCATCTTTTCTGCGTTAAAGAAGAGCTTG
GGTAGCCGAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAAAATGGTTCC
AACGACAGGATATGCGCAATTTTTGAAGATTGAATCCACAACTGCTAACATATAATCA
GAAATGTGTTCAACTGGGTGGAGATCATGTGCGAAAAGCAAGGGAAGACAATTCAAAGCCT
GAAAGTTTCACATATTTATTCAATTAATGGTGTTACAACCTTTTTTAAAGTGAAAACGTG
CGTACTCACTCGTCTGAGGAACTCCGCCGCGTTTGAATATTTGGACACGCGGTGACGAG
AGATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACGGGTGGACCAAATTTAAAAAACGAA
GGCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTTAAAGCACTTTTTACCGTTTTAATTTATCT
TCATTAATTCGGAGAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAACGCCCCCTCGTA

>Btmar2.10.2_gi-1092455019-gb-MAMS01000152_1-:1813156-1814170
gi-1092455019-gb-MAMS01000152.1-:1813156-1814170 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold499,
whole genome shotgun sequence 1015 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTAACCGGTGACAAGTGTTTTAATTGTCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTTGT
TTTTTAAATTTGGTCCACCCGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTTCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAATATTCGAGCGCGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTTTGGC
TCCGGGATTTTGGGTCGCTCAAGGAATATTGCTGATCGATATCTTAGGAAGAGGAAAAAC
GATCGATGCCGCAAAATATTGTGAAGTTTTGAAAAAATTAATTCAGCGATCAAGCGAAA
ACGGCCCGATCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTCCCTTCAAGACAACGCTAGGCCTCATGT
GGCTCATGTGACTAGAGACTTGTTTCGCCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCATCCATC
GTACTACCCGAACCTTGCTCCATGCGATTTTCATCTTTTCCCTGCGTTAAAGAAGAGCTT
GGGTAGCCGAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAAAATGGTTCC
AACGACAGGATATGCGCAATTTTTGAAGATTGAATCCACAACTACTAACGTATAATCA
GAAATGTGTTCAACTGGGTGGAGATCATGTGCGAAAAGCAAGGTAAGAAAATTCAAAGCCT
GAAAGTTTCACATATTTATCCAATTAATGGTGTTACAACCTTTTTTAAAGTGAGAACGTG
CGTACTCACTCGTCTGAGGAACTCCGCCGCGTTTGAATATTTGGACACGCGGTGACTAG
AGTTGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACGGAGGGACCAAATTTAAAAAACGAA
GGTTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTTAAACATTTTATACCGTTTTAATTTATCT

TCATTAGTCCGGAGAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAACGCCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.3_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1:-5817633-5818632
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1:-5817633-5818632 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 1000 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGAACTAATGAAGATA
AATTAAATTGGTAAAAATAGTTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCTTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTTACCGGTTACGAGTGACGTCATTTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACTGCGTGTCCAAAATATTCGAATGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGCACATGCTACGGG
GTTTTGGGACGCTCAAGGAATATTACTGATCGATTTTTTGGAGAGAGGAAAAACGATCGA
TGCCGCAAGATATTGTGAAGTTTTGAAAAAAAATAAGTCAGCGATCAAGCGAAAACGGCC
CGGTCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTCTTCAAGACGACGCTAGGCCTCATGTGGCTCA
TGTGACTCAAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCATCCACGGTACTC
TTCGGACCTTCCTTCAAGCGATTTTCATCTTTTTCTTGCGTTAAAGAAGAGCTTGGGTGG
CCAAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAAGTGGTTCAGGATGC
GCAATTTTTTGAAGATGGAATCCGCAAACTGCTAACACGGTATCAGAAGTGTGTTCAACT
GGATGGAGATTATGTCGCAAAGTAAGGTAGGACAATTCAAAGCCTGAAAGTTTTACATAT
TTGACCAGTTAACTGTGTTACAACCTTCTTACGGTGAAAACATGTACTCGTCTGAGGAG
CACCGCCTCCGCCGCGCTCGAATAATTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGGGTGCGGGAA
AAATAACGTCACTCGCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAACGAAGGCTTTTTAAAAAGC
TGAGAGTATGGCGGTAAAGAAAATTTTTACCGATTTAATTTATCTTCATTAGTTTCGGAG
AAAATGAAGATATATACTTACTATACGAATGCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.4_gi-1092425793-gb-MAMS01019745_1:-3704713-3705727
gi-1092425793-gb-MAMS01019745.1:-3704713-3705727 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold338,
whole genome shotgun sequence 1015 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCAGAACTAATGAAGATA
AATTTAAACGGTAAAAAGTGTTTTAAACGTCATACTCTCAGCTTTTTTAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTCACCCGTTGCGGAGTGATTTTATTTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCTTGTCCAAAATATTCGAGCGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTTTGGC

TCCGGGATTTTGGGTCGCTCAAGGAATATTGCTGATCGATTTCTTAGGAAGAGGAAAAAC
GATCGATGCCGCAAAATATTGTGAAGTTTTGAAAAAACTTAATTCAGCGATCAAGCGAAA
ACGGCCCGATCTTTTGTCTCGTAAAGTTTTGTTCCCTTCAAGACAACGCTAGGCCTCATGT
GGCTTATGTGACTAGAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCATCCATC
GTACTACCGAACCTTGCTCCATGCGATTTTCATCTTTTTCTGCGTTAAAGAAGAGCTT
GGATAGCCGAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAAATGGTTCC
AACGACAGGATATGCGCAATTTTTGAAGATTGAATCCACAACTGCTAACATATAATCA
GAAATGTGTTCAACTGGGTGGAGATCATGTGAAAAGCAAGGTAAGACAATTCAAAGCCT
AAAAGTTTCACATATTTATCTAATTAATGGTGTACAACTTTTTTAAAGTGAAAACGTG
CGTACTCACTCGTCTGAGGAACTCCGCCGCGTTTGAATATTTTGGACACGCGGTGACGAG
AGATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAATGGGTGAACCAAATTTAAAAACGAA
GGCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTTAAACACTTTTTACCGTTTTAATTTATCT
TCATTAGTTTCGGAGAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAACGCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.5_gi-1092455666-gb-MAMS01000003_1:-663767-664780

gi-1092455666-gb-MAMS01000003.1:-663767-664780 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold109, whole
genome shotgun sequence 1014 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTAACCGGTAAGAAGTTTTTAACCGTCATACTCTCAGTTTTTCAAAAACTTTTGT
TTTTTAAATTTGGTCCACTCGTTCGCGAGTGACGTCATTTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAATATTCGAGCGCGGCGGAGCTCCTCAGATGAGTACATGTTTTGGC
TCCGGGATTTTGGGTCGCTCAAGGAATATTGCTGATCGAATTCTTAGGAAGAGGAAAAAC
GATCGATGCCGCAAGATATCGTGAAGTTTTGAAAAAACTTATGTCACCGATCAACCGAAA
ACAACCCGATCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTCCCTTCAAGACAACGCTAGGCCTATTGT
GGCTCATGTGACTAGAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCATCCATC
GCACTACCGAACCTTGCTCCATGCGATTTTCATCTTTTTCTGCGTTAAAGAAGAGCTT
GGGTAACCGAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAAATGGTTCCA
ACGACAGGATATGCGCAATTTTTTGAAGATTGAATCCACAACTGCTAACACATAATCAG
AAATGTGTTCAACTGGGTAGAAATCATGTGAAAAGCAAGGCAAGACAATTCAAAGCCTG
AAAGTTTCACATATTTATCCAATTAATTGTGTTACAACTTTTTTACGGTGAAAACATGC

GTACTCACTTGTCTGAGGAACTCCGCCGCTTGAATATTTTGGACACGCGGTGACGAGA
GATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACGGGTGAACCAATTTATAAAACGAAA
GCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTGTGACGGTTAAAACACTTTTTACCGTTTTAATGTATCTT
CATTAGTTCGGAGAAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAACGCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.6_gi-1092452725-gb-MAMS01001096_1-:1149986-1151001
gi-1092452725-gb-MAMS01001096.1-:1149986-1151001 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1294,
whole genome shotgun sequence 1016 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTAAGGGTAAAAAGTGTTTTAACCGTCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTCCACCCGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAATATTCGAGCGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTTTGGC
TCCAGGATTTTGGGTGCTCAAGGAATATTGCTGATCGATTTCTTAGGAAGAGGAAAAAC
GATCGATGCCGCAAAATATTGTGAAGTTTTGAAAAAACTTAATTCAGCGATCAAGCGAAA
ACGGCCCGATCTTTCTGCTCTGTCAGTTTGGTTCCTCAAGACAACGCTAGGCCTCATGT
GGCTCATGTGACTAGAGACTTGTTTCGCCTCATTAAAATGGGACCTTTTTCTCTTCCATC
GTACTACCGAACCGTGCTCCATGCGATTTCCATCTTTTCTGCGTTAAAGAAGAGCTT
GGGTAGCCAAAAGTTCTCCACCGATGCAGAGTTGCAAGAAGTTGTAAAAGAAAATGGTTC
CAACGACAGGATATGCGCAATTTTTTTGAAGATTGAATCCACAACTGCTAACATATAATC
AGAAATGTGTTCAACTGGGTGGAGATCATGTCGAAAAGCAAGGTAAGACAATTCAAAGCC
TGAAAGTTTCACATATTTATCCAATTAATGGTGTTACAACCTTTTTTAAAGTGAAAACGT
GCGTACTCACTCGTCTGAGGAACTCCGCCGATTTCGAATATTTTGGACACGCGGTGACGA
GAGATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACGGGTGGACCAAATTTAAAAACGA
AGACTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTTAAAACACTTTTTACCGTTCTAATTTATC
TTCATTAGTTCGGAGAAAAATAAAATATATACTCACTTTACGAACGCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.7*_gi-1092449565-gb-MAMS01002590_1-:507724-508740
gi-1092449565-gb-MAMS01002590.1-:507724-508740 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1870,
whole genome shotgun sequence 1017 bp

TACGAGGGGCATTTGTAAAGTAAGTATATATAATCATTTTCTCCGAAACTAATGAAGATA
AATTAAATCGGTAAAAATTGTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCTTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTCACCGGTTACGAGAGACGTCATTTTCCCGCGCCCATCTCTCG
TCACTGCGTGTCCAAAATATTTGAGTGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGCTACGG
TGTTTTGGGACGCTCAAGGAATATTACTGATCGATTTCTTGAGAGCGGAAAAACGATGA
ATGCCGCAAGATATTGTGAAGTTTTGAAAAAATTAAGTCAGCGATCAAGCGAAAACGGC
CCGGTCTTTTGTTCGTAAAGTTTTGCCCTTCAAGACAACCTCATGTGGCTCATGTGAC
TCAAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATGGGACCTTTTCCCTCATCCACCGTACTCACCTGA
CCTTCCTCCAAGCGATTTTCATCTTTTTCTTGCGTTAAAGAAGAGCTTGGGTGGCCAAAT
TTCTCTACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTGAAAAAATGGTTCCAACAACTGCAGGAT
GCGCAATGTTTTGAAGATGGAATCCGGAAACTGCTAACACGGTAGGTATCAGAAATGTGT
TCAACTGGGTGGAGATTATGTCGGAAGTAAGGTAAGACAATTCAAAGCCTGAAAGTTTC
ACATATTTAACCAATTAACTTTGTTACAACCTTACAACCTTCTTACGGTGAAAGCATGTA
CTCGTCTGAGGAGCACCGCCACCACCACGCTCGAATATCTTGACACGCAGTGACGAGAG
ATCGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGGAACCGGTGAACCAAATTTAAAAACGAAGG
CTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGGCGGTAAAAAAAATGTTTACCGATTTAATTTACCTAT
CTTCATTAGTTTCGGAGAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAATGCCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.8_gi-1092451505-gb-MAMS01001621_1-:518022-519020
gi-1092451505-gb-MAMS01001621.1-:518022-519020 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1496,
whole genome shotgun sequence 999 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGAAACTAATGAAGATA
AATTAAATCGAAAAACGTCGTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGTCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTCACCGGTTGCGGAGTGACGTCATTTTCCCGCACCCACCTCTCGT
CACTGCGTGTCCAAAATATTCGAGTGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGCTACGGT
GTATTGGGGCGCTCAAGGAATATTACTGATAGATTTCTTGAGAGAGGAAAACCGATCGA

TGCCGCAAGATATTATGAAGTTTTGAAAAAATTAAGTCAGCGATCAAGCGAAAACGGCC
CGGTCTTTTGTCTCGTCTAGTGTTGTTTCCTTCAAGACACCGCTAGGCCTCATGTGACTCA
AGACTTGTTGCCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCACCCACGGTACTCACCGTACCT
TCCTTCAAGCGATTTTCATCTTTTTCTTGC GTTAAAGAAGAGCTTGGGTGGCAAAAATT
CTTTACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAACAATGGTTCCAACGACAGGATGCGC
AATTTTTTTGAAGATGGAATCCGCAAACCTGCTAAACACGGTATCAGAAATGTGTTCAACTG
GGTGGAGATTATGTCGAAAAGTAAGGTAAGACAATTCAAAGCCTGAAAGTTTCACATATT
TAACCAATTAAGTGAAGTTACAACCTTCTTTACGCTGAAAACATATACTGGTCTGAGGAGC
ACCGCCACCGCCGCGCTCGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGGGCGCGGGAAA
AATGACGTCACCTCGCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAAGAAGACTTTTTGAAAAGCT
GAGAGTATGGCGGTGAAAACAACGTTTACCGATTAAATTTATCTTCATTAGTTTCGGAGA
AAATAAAGATATATACTTACTTTACGAATGCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.9_gi-1092434953-gb-MAMS01010585_1-:219541-220545
gi-1092434953-gb-MAMS01010585.1-:219541-220545 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold5223,
whole genome shotgun sequence 1005 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGAACTAATGAAGATA
AATTAAATCGGTAAACGTCGTTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGTCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTCACCGGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTCCCGCACCCACCTCTCGT
CACTGCGTGTCCAAATATTCGAGTGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTACGGT
GTTTTGGGGCGCTCAAGGAATATTACTGATCGATTTCTTGGAGAGAGGAAAAACGATCGA
TGCCGCAAGATATTGTGAAGTTTTGAAAAAATTAAGTCAGCGATCAAGCGAAAACGGCCC
GATCTTTTGTCTCGTCAAGTGTTGTTTCCTTCAAGACAACGCCAGGCTTCATGTGACTCAT
GTGACTCAAGACTTGTTGCCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCATCTACGGTACTCA
CTAGACCTTCCTTCAAGCGATTTTCATCTTTTTCTTGC GTTAAAGAAGAGCTTGGGTGGC
CAAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAATGGTTCCAACAACAG
GATGCGCAATTTTTTTGAAGAGGGAATCCGCAAACCTGCTAACACGGTATCAGAAATATGTT
CAACTGGATGGAGATTATGTCGAAAAGTAAGGTAAGACAATTCAAAGCCTGAAAGTTTCA
CATATTTAACCAATTAAGTGTGTTACAACCTCCTTTACGCTTAAAACATATACTCGTCTG

AGGAGCACCGCCACCGCCGCGCTCGCATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGGGCGC
GGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACCGGTAAACCAAATTTTAAAAACGAAGACTTTTTGA
AAAGCTGAGAGTATGGCGGTAAAAAAAACGTTTACCGATTAAATTTATCTTCATTATTTT
CGGAGAAAATAAAGATATATACTTCCTTTACGATTGCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.10_gi-1092455517-gb-MAMS01000027_1-:2086676-2087686
gi-1092455517-gb-MAMS01000027.1-:2086676-2087686 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold155,
whole genome shotgun sequence 1011 bp

TACAAGGGGCATTTCATAAAGTAAGTATATTTCTTTATTTTCTCCGAACTAATAAAGATA
AATTAAACTGTAAAAATCGTTTTATCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGTCCTCGT
TTTTTAAATTTGGTTTACCGGTTCTGTGAGTGACGTATTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCCAAATATTCGAGCGCGGTGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTTTGGC
TATGGTGCTTTGGAACGCTCAAGGAATATTGCTTATCAATTTCTTGAAAGAGTAAAAAC
GATCGATGCCGAAATATATTGTAAAGTTTTGAAAAAACTTAAGTCAGCGATCAAGCGAAA
ATGACCGGGTCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTCTTCAAGACAACGCTAGGCCTCATGT
GGCTCATGTGACTCAAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATATATGGGACCTTTTCCCTCATC
CACCGTACTCACCAGACCTTGCCCCAAGCGATTTTCATCTTTTCTGCGTTAAAGAAGA
GCTTGGGTGGCCGAAAGTTCTCCACCGACACAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAGAAATGGT
TCCAACAACAGGATGCGCAATTCTTTGAAGATGGAATCCACGAACTGCTAACACGGTATC
AGACTTGTGTTCAACTGGTTGGAGATTATGTGCAAAAAGTAAGGTAAGACAATTCAAAGCC
TGAAAGTTTCACATAGTTAACCAATCAACTGTGTTACAACCTTCTTTACGGTGAAAACAT
GTACTCGTCTGAGGAGCTCCGTCGCGCTTAATATTTTGGACACGCGGTGACGAGAGATG
GGCGTGGGAAAAATGACGTCACTCGCAATCCGGTAAACCAAATTTAAAAAAACGAAGGCT
TTCTGGAAGCTGAGAGTATGGCGGTATAACAATTTTACCGTTTAAATTTATCTTCAT
TAGTTTCGGAGCAAAAAAAGATATATACTTACTTTACGAATGCCCTTGTA

--

>Btmar2.10.11_gi-1092438700-gb-MAMS01007559_1-:639573-640587
gi-1092438700-gb-MAMS01007559.1-:639573-640587 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold39221,
whole genome shotgun sequence 1015 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGAACTAATGAAGATA

AATTAACCGGTAAAAAGTGTTTAACCGTCATACTCTCAGCTTTTTAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTCCACCCGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTCCAGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAATATTCGAGCGCGGCGGAGCTCCTCAGACTAGTACATGTTTTGGC
TCCGGGATTTTGGGTGCTCAAGGAATATTGCTCATCAAATCTTAGGAAGAGGAAAAAC
GATCGATGCCGCAAGATTTTTGAAGTTTTGAAAAAACTTAATTCAGCGATCAAGCGAA
AACGGCCCGATCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTCTTCAAGACAACGCTAGACCTCATG
TGGCTCATGTAAGTACTAGAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCATCCAT
CGTACTCACCGGACCTTGCTCCATGTGATTTTCATCCTTTCTGCGTTAAAGAAGAGCT
TGGGTAGCCGAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAATGGTTCC
AACGACAGGATATGCGCAATTTTTGAAGATTGAATCCACAACTGCTAACACATAATCA
GAAATGTGTTCAACTGGGTGGAGATCATGTGAAAAGCAAGGTAAGACAATTCAAAGCCT
GAAAGTTTCACATATTTATCCAATTAATTGTGTTACAACCTTTTTACGGTGAAAACATG
CGTACTCACTCGTCTGAGGAACCTGCGCGCTCGAATATTTGGACACGCGGTGACGAG
AGATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGGACGGGTGGACCAAATTTAAAAACGAA
AGTTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTTAAACACTTTTTACCGTTTTAATTTATCT
TCATTAGTTCGGGGAAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAACGCCCCCTCGTA

--

>Btmar2.10.12_gi-1092450830-gb-MAMS01001983_1-:148885-149887
gi-1092450830-gb-MAMS01001983.1-:148885-149887 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold16415,
whole genome shotgun sequence 1003 bp

TACGAGGAGAATTCGTAAAGTATGTATATATCTTTATTTTCTCCGAACTAATCAAGATA
AATTTAATCGGTAAAAATTGTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAACGTCTTCGT
TTTTCAAATTTGGTTTACCGGTTTTCGCGAGTGACGTCATTTTCCCGCGCCCATCTCTCAT
CACTGCGTGTCAAAAATATTCGAGTGCGGCGGAACTCCTCAGACGAGTACATGCTACAGT
GTTTTAGGACGCTGAAGGAATATTACAGATCGATTTCTTGAGTGAGGAAAAACGACCAA
TGCCACATGATACTGTGAAGTTTTGAAAAAAATTAAGTCAGCGATCAAGCGAAAAACAGCC
CGGTCTTTTGTCTCGTAAAGTTTTGTTCTTCAAGACAACGCTAGGCCTAATGCGGCTCA
TGTGACTCAAACTTGTTGGCCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCATCCATCGTACTC
ACCGGACCTTCTCCAAGCGATTTTCATCTTTTCTTGATTAAAGAAGAGCTTGGATGG

CCAAAAGTTCTCCATCGATGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAATGGTTCCAACGACA
GGATGCGCAATTTTTTTGAAGATGGAATCCGCAAACCTAGCACGGAATCAGAAATGTGT
TTAAGTGGGTTGAGATTATGTGCGAAAATTAAGGTAAGACAATTCAAAGCCTGAAAGTTTC
ACATATTTAACCAATTAAGTGTGTTAGAACCTTCTTTACAGTGAAAACATGTACTCGTCT
GAGGAGCACCGCCACCGCCGTGCTCGAATATTTGCGACACGCAGTGACAGGAGATGGGCG
CGGGAAAAATGACGTCACTTGCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAACGAAGACTTTTTG
AAAAGCTGAGAGTATGGCAGTAAAAACCATTTTTACCGATTAAATTTATCTTGATTAGTT
TCGGAGAAAAATACAGATATATACTTACTTCACGAATGCCCCCTC

>Btmar2.10.13_gi-1092455610-gb-MAMS01000013_1-:720139-721153

gi-1092455610-gb-MAMS01000013.1-:720139-721153 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold128, whole
genome shotgun sequence 1015 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGAAACTAATGAAGATA
AATTATAACGGTAAAAAGTGTTTTAACCGTCATACTTTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCAT
TTTTTAAATTTGGTCCACCGTTCGCGAGTGACGTCATTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGTGTGTCCAAAATATTCGAGTGCGGCGGAGCTCCTCAGAAGAGGACATGTTTTGGC
TCCGGGATTTTGGGTGCTCAAGGAATATTGCTGATCGATTTCTCAGGAAGAGGAAAAAC
GATCGATGCCGCAAAAATATTGTGAAGTTTTGAAAAAAGCTTAATTCAGGGATCAAGCGAAA
ACGGCCCGATCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTCTTCAAGACAACGGTAGGCCTCATGT
GGCTCATGTGACTAGAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATGGGACCTTTTTCTCATCCATC
GTACTCACCGAACCTTGCTCCATGCGATTTTCATCTTTTCTGCGTTAAAGAAGAGCTT
GGGTAGCCGAAAGTTCTCCACCGATGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAATGGTTCC
AACGACAGGATATGCGCAATTTTTTTGAAGATTGAATCCACAACTGCTAACATATAATCA
GAAATGTATTCAACTGGGTGGAGATCATGTGCGAAAAGCAAGGTAAGACAATTCAAAGCCT
GAAAGTTTCACATATTTATCCAATTAATGGTGTTACAACCTTTTTTAAAGTGAAAACGTG
CGTACTTACTCGTCTGAGGAACTCCGCCGATTCGAATATTTTGACACGCGGTGACGAG
AGATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACGGGTAAACCAAATTTAAAAACGAA
AGCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTTAAACACTTTTTTACCGTTTTAATTTATCT
TCATTAGTTCGGAGAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAACGCCCCCTCGTA

>Btmar2.10.14_gi-1092446804-gb-MAMS01003789_1-:464399-465394
gi-1092446804-gb-MAMS01003789.1-:464399-465394 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2349,
whole genome shotgun sequence 996 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAAC TAATGAAGATA
AATTAACCGGTAAAAAGTGTTTAAACCGTCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAACCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTCCACCCGTTGCGGAGTGACGTCATTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAAATACTCGAGCGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTTTGGC
TCCGGGATTTTGGGTCGCTCAAGGAATATTGCTGATCGATTTCTCAGGAAGAGGAAAAAC
GATCGATGCCGCAAAATATTGTGAAGTTTGAAAAACTTAATTCAGCGATCAAGCGAAA
ACGGCCCGATCTTTTGTCTCGTCAAGTTTGTTCCTTCAAGACAACGCTAGGCCTCATGT
GGCTCATGTGACTAGAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATGGGACCTTTTCTCATCCATC
GTACTACCGAACCTTGCTCCATGCGATTTTCATCTTTTCTGCGTTAAGAAGAGCTT
GGGTAGCCGAAAGTTCTCCACCGACGCAGGGTTGCAAGAAGCTGTAAAGAAAATGGTTTC
AACGACAGGATATGCGCAATTTTGAAGATTGAATCCACAACTGCTAACATATAATCA
GAAGTGTGTTCAACTGGGTGGAGATCATGTGAAAAGCAAGGTAAGACAATTCAAAGCCT
GAAAGTTTCACATATTTATCCAATTAATGGTGTTACAACCTTTTAAAGTGAAAACGTG
CGTACTCACTCGTCTGAGGAACTCCGCCGCGTTTGAATATTTTGGACACGCGGTGACGAG
AGATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACGGGTGGACCAAATTTAAAAAACGAA
GGCTTTTGAAGAGCTGAGAGTATGACGGTTAAACACTTTTACCGTTTAAATTTATCT
TCATTAGTTCGGGAGAAAATCATTAAATATAAACTTC

--

>Btmar2.10.15_gi-1092447389-gb-MAMS01003534_1-:550628-551329
gi-1092447389-gb-MAMS01003534.1-:550628-551329 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2250,
whole genome shotgun sequence 702 bp

GGAAAAACGATCGATGCCGCAAGATATTGTGAAGTTTGA AAAATCTTAAGTCATCAGCG
ATCAAGCGAAAAACGGTCCGGTCTTTGTCTCGTCAAATTTGTTCTTCATAACAACGCT
AGGCCTCATGTGGCTCATCTCATGTGACTCAAAAGTTGTTGCTCTCATTCAAATGAGACC
TTTTCTCATCCACCGTACACACCGGACCTTGCTCCAAGCGATTTTCATATTTTTCATG
CGTTAAAGAAGAGCTTGTTGGCCAAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAAAGAACC
TGTTAAAAAATTGTTCCAATATACAGGATGCGCTACAGGATTTGAAGATTGAATCCACA

AATTGCTAACACGATATCAGAAGTGTGTTCAACTGGGAGGAGATTATGTCGAGAAGTAAG
GTAAGACAATTCAAAGCCTGAAATGTTACATACTTATAACCAATTAAGTGTGTTACAAG
CTTCTTTACGGTGAGAGCATGTACTCGTCTGAGGAACTTCGCCAGGCTCGAATATTTTG
ACACGTGGTGACGAGAGATGGGCGCGGGAAAAATGGCGTCACTCGCGAGCCGGTTAACCA
AATTTATAAAACGAAGGCTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTAAAAACAATTTTACA
GTTTTAATTAATCTTCATTAGTTTCGGAGAAAATATAGATAT

>Btmar2.11.1_gi-1092425897-gb-MAMS01019641_1-:6059455-6060468
gi-1092425897-gb-MAMS01019641.1-:6059455-6060468 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold959,
whole genome shotgun sequence 1014 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAATTAATGAAGATA
AATTAACCGGTAAAAAGTGTTTAACCGTCATACACTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTCTACCCGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAATATTCGAACGCGGCGGAGTTCCTCAGACGAGTGAGTACGCATGT
TTTACCCTAAAAAGGTTGTAACACAATTAATTGGATAAATATGTGAACTTTCAGGCT
TTGAATTGTCTTACCTTGCTTTTCGACATGATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATT
ATGTGTTAGCAGTTTGTGGATTCAATCTTCAAAAATTGCGCATATCCTGTCGTTGGAAC
CATTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTGGAGAACTTTCGGCTACCCAAGCTC
TTCTTTAACGCAGGAAAAAGATGAAAATCGCATGGAGCAAGGTCCGGTGAGTACGATGGA
TGAGGAAAAAGGTCCCATTTGAATGAGGCGAACAAGTCTCTAGTCACATGAGCCACATGA
GGTCTAGCGTTGTCTTGAAGGAACAAAACCTTGACGAGACAAAAGATCGGGCCGTTTTCGC
TTGATCGCTGAATTAAGTTTTTTCAAAAATTCACAATATCTTGCGGCATCGATCGCCTT
CCTCTCCTAAGAATTTGATCAGCAATATTCCTTGAGCGACCCAAAATCCCGGAGCCAAA
ACATGTACTAGTCTGAGGAGCTCCGCCGCGCTCGAATATTTTGACACGCGGTGACGAGA
GATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACGGGTGTACCAAAATTTAAAAACGAAA
GCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTTAAACACTTTTTACCGTTTTAATTTATCTT
CATTAGTTCGGGAGAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAACGCCCTCGTA

--

>Btmar2.11.2_gi-1092446718-gb-MAMS01003827_1-:345993-346992
gi-1092446718-gb-MAMS01003827.1-:345993-346992 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2362,
whole genome shotgun sequence 1000 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCAAACTAATGAAGATA
AATCAAAACAGTAAAAATTGTTTTGACCGCCATACTCTCAGCTTTGCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTTAAATTTGGTTTACTGGTTCGCGAGTGATGTCATTTTTCCCGTGCCCATCTCTGG
TTACCGCGTGTCCAAAATATTCGAGGGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTTTCA
CCGTAAAGAAGTTTGTAAACACAGTTGATTGGTTAAATATGTGAAATTTTAGGCTTTGAA
TTGTCTTACCTTACTTTTGGACTTAACTTCACCCAGTTGAACACATATCTGATACCGTGT
TAGCAGTTTGTGGATTCCATCTTCAAAGAATCTCGCATTCTGTTGTTGGAATACAGCTTC
TTGCAACTCTCTGTCGGTAAAGAACTTTGGCCACCCAAGCTCTTCTTTATCGCAGGAAA
AAGATGAAAATCGCTTGAGCAAGGTCCGGTGAGTACGGTAGATGAAGAAAAAGGTCCCA
TAAATTGAATGAGGCGAACAAGTCTTGACTCACATGAGCCACATGAGGCCTAGTGTTGTC
TTGAAGGAACAAAACCTTGATGAGACAAAAGACCTGGTCATTTTCGCTTGATCGCTGACTT
AAGTTTTTTCAGAACTTCACAACATACTTCGGCATAGATCGTTTTTCCTCTTTCCAAGAA
ATCGATCAGCAATATTCCTTGAGCGTCCCAAAACATCGTAGCCAAAACATGTACTTGTCT
GAGGAGCTCCGCCGCGCTCGAATATTTTGGACACGCGGTGACGAGAGATGGGCGCGGGAA
AAATGATGTCACTTGCGAACTGGTAAACCAAATTTAAAAAACGAAGGCTTTTGAAGAGC
TGAGAGTATGGTGGTAAAAACAATTTTACC GTTTTAATTTATCTTTATTAGTTTCGGAG
AAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAATGCCCTCGTA

>Btmar2.11.3_gi-1092446718-gb-MAMS01003827_1-:360475-361480

gi-1092446718-gb-MAMS01003827.1-:360475-361480 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2362,
whole genome shotgun sequence 1006 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGAAACTAATGAAGATA
AATTAATGTTAAAGATTGTTTTACCGCCGTA CTCTCAGCTTTTCGAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTTACCGTTTCGCGAGTGACATCAATTTTCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAAATATTTGAACGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTGAGTAAGCAGGT
TTTCTCCATAAAGAAGGTTGTAAACACAGTTAATTGGTTAAATATGTGAACTTTCAGGCT
TTGAATTGTCTTACCTTACTTTTCGACATAATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATT
ATATGTGTTAGCAGTTTGTGGATTCTATCTTCAAAAAATTGCGCATATCCTGTCGTTGGA
ACCATTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTTTGCGTCGGTGGAGAACTTTTGACCACCCAAGC
TCTTTTTTAATGCGGGAAAAAGATAAAAAATTGCTTAGAGCAAGGTCCGGTGAGTACGATG
GATGAGGAAAAAGGTCCCTTTGAATGAGGCGAACAAGTCTCGATTCTATGAGGCCTAGC

GTTGTCTTGAAGAAACAAAACCTTGACGAGACAAAAGATCGGGCCGTTTTCGCTTGATCGC
TGAATTATGTTTTTCTAACTTCACAATATATTGCTGCATCGATCATTTTTCTCTTCC
CAAGAAATCGATTAGCAATATTCCTTGATCGTCCCAAAACACCGTAGCCAAAACATGTAC
TCGTCTGAAGAGCTCCGCCGCTCGAATATTTGGACACGCGGTGACGAGAGATGAATG
CGGGAAAAATGACGCCACTCGCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAATGAAGACTTTTTG
AAAAGCTGAGAGTATGGCGGTAAAAACAATCCTCACCGTTTTAATTTATCTTCATTAGTT
TCAGAGATAATAAAGATATATACTTACTTTACGAATGCCCCTCGTA

--

>Btmar2.11.4_gi-1092454833-gb-MAMS01000205_1-:1235740-1236749
gi-1092454833-gb-MAMS01000205.1-:1235740-1236749 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold641,
whole genome shotgun sequence 1010 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAACATAATGAAGATA
AATTACATCGGTAAAAATTGTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTTAAATTTGGGTTACCGGTACCCGAGTGACGTCAATTTCCCGCGCCCATCTCTCG
TCACTGCGTGTCCAAAATATTCGAGCGCGGCGGTGGCGGTGCTCCTCAGACGAGTAGATG
TTTTCACCGTAAAGAAGGTTGTGACACAGTTAATTGGTTACATATGTGAAACTTTCAGGC
TTTGAATTGTCTAACCTTACTTTTCGACATAATATTCACCCAGTTAAACACATTTCTGAT
ACCGTGTTAGCAGTTTGCGGATTCCATCTTCAAAAAATTGCGCATCCTGTCGTCGGAACG
ATTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTGGAGAACTTTGGCCACCCATAAATT
CTTCTTTAACGCAAGAAAAAGATGAAAAATCGCTTGGAGGAAGGTCCGGTGAGTACAGTAG
ATGAGGAAAAAGGTCCCATTTGAATGAGGCAACAAGTCTTGAGTCACATGAGCCACATG
AGACCTAACGTTGTCTTGAAGGAAAAAACTTGACGAGACAAACGACCGGGCCGTTTTCG
CTTGATCGCTGACTCAATTTTTTTCAAACTTCACAATATCTTGCGGCATCGATCGTTTT
TCCTCTCTCCAAGAAATCGATCAGTAATATTCCTTGAGCGTCCCAAAACACCGTAGCATG
TACTCGTCTGAGGAGCTCCGCCGCACTCGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGG
GCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACCGGTAAACCAAATTTAGGAAACGAAGGCTTT
TTGAAAAGCAGAGAGTATGGCGGTAAAAAAAATATTTACCGATTTAATTTATCTTCATT
AGTTTTGGAGAAAAATGAAGATGTATACTTACTTTACGAATGCCCCTCGTA

--

>Btmar2.11.5_gi-1092455529-gb-MAMS01000026_1-:6799813-6800826
gi-1092455529-gb-MAMS01000026.1-:6799813-6800826 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold15,
whole genome shotgun sequence 1014 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTAACCGGTAAATGTGTTTTAACCGTCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTCCACCCGTCGCGAGTGACGTCATTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAATGTTCGAACGCGGCGGAGTTCCTCAGACGAGTGAGTACGCATGT
TTTACCAGTAAAAAGGGTTGTAACACAATTAATTGGATAAATATGTGAAAATTCATGCT
TTAAATTGTCTTACCTTGCTTTTCGACATGATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATT
ATGTGTTAGCAGTTTGTGGATTCCATCTTCAAAAATTGCGCATATCCTGTCGTTGGAAT
CATTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTGGAGAACTTTCGGCTACCCAAGCTC
TTCTTTAACGCAGGAAAAAGATGAAAATCGCATGGAGCAAGGTCCGGTGACTACGATGGA
TGAGGAAAAAGGTCCCATTTGAATGAGGCGAACAAGTCTCTAGTCACATGAGCCACATGA
GGCCTAGCGTTGTCTTGAAGGAACAGAACTTGACGAGACAAAAGATCGGGCCGTTTTCGC
TTGATCGCTGAATTAAGATTTTTCAAACCTCACAATATCTTGCGGCATCGATCGTTTTT
CCTCTTCCTAAGAAATCGATCAGCAATATTCCTTGAGCCACCCAAAATCCCGGAGCCAAA
ACATGTACTCGTCTGAGGAGCTCCGCCGCGCTCGAATATTTGGACACGCGGTGACGAGA
GATGGGCGCGGGAAAAATGTCGTCACTCGCGAACGGGTGGACCAAATTTAAAAAACGAAG
GCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGTTTAAACACTTTTTACCGTTTTAATTTATCTT
TATTAGTTCGGAGAAAAATAAGAAATATACTTACTTTACGAACGCCCTCGTA

--

>Btmar2.11.6_gi-1092427769-gb-MAMS01017769_1-:57172-58006
gi-1092427769-gb-MAMS01017769.1-:57172-58006 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold844, whole
genome shotgun sequence 835 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTTCGAAATAATGAAGATA
AATTAATCGGTAAACATTGTTTTAACCGTCATACTCTCAGCTTTCAAAAACCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTTACCGGTCGCGAGTGACGCCATTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACTGCGTGTCCAAATATTCGAGCGCGGCGGTGGCGGTGCTCCTGAGACGAGTACATGT
TTTACCAGTAAAGAAGCTTGTAACACAGTTAATTGGTTAAATATGTGAACTTTCAAGCT

TTGAATTGTCTTACCTTACTTTTCGACATAATCTCCACCTAGTTGAACACATTTCAAATA
CCGTGTTAGCAGTTTGTGGATTCCATCTTCAAAAAATTGCGCATCTGTCTTTGGAACCA
TTTTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTACGTCGGTTGAGAACTTTTGGCCACCCAAGCTC
TTCTTTAACGCAAGAAAAAGATGAAAATCGCTTGGAGGAAGGTCCGGTGAGTACCGTGGA
TGAGGAAAAAGGCCCCATTTGAATGAGGCGAACAAGTCTTGCGTCACATGAGCCACATGA
GGCCTAGCGTTGTCTTGAAGGAACAACACTTGACGAGACAAAAGACCGGGCCGTTTTTCGC
TTGATCGCTGACTTAATTTTTTTCATAACTTGACAATATCTTGCGGCATCGATCGTTTTT
CCTCTCTCCAAGAAATCTATCAGTAATATTCCTTGAGCGTCCCAAAACACCGTAGCATGT
ACTCGTCTGAGGAGCTCCGCCGCACTCGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAG

--

>Btmar2.11.7*_gi-1092454995-gb-MAMS01000159_1-:2044663-2045680
gi-1092454995-gb-MAMS01000159.1-:2044663-2045680 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold519,
whole genome shotgun sequence 1018 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTAACCGGTAAATGTGTTTTAACCGTCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCTTTCGT
TTTTTAAATTTGGTCCACCCGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTCCCGCGCCCATTTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAAATATTCGAACGCGGCGGAGTTCCTCAGACGAGTGAGTAGGTACGC
ATGTTTTACCGTAAAAGAGGTTGCAACACAATTAATTGGATAAATATGTGAACTTTCA
TGCTTTAAATTGTCTTACCTTGCTTTTCGACATGATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCT
GATTATGTGTTAGCAGTTTGTGGATTCCATCTTCAAAAAATTGCGCATATCCTGTCCTTG
GAACCATTTTTATACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTGGAGAACTTTCGGCCACCCAA
GCTCTTCTTTAACGCAGGAAAAAGATGAAAATCGCATGGAGTAAGGTCCGGTGACTACGA
TGGATGAGGAAAAAGGTCCCATTTGAATGAGGCGAACAAGTCTCTTGTCACATGAGCCAC
ATGAGGCCTTGCGTTGTCTTGAAGGAACAAAACCTTGACGAGACAAAAGATCGGGCCGTTT
TCGCTTGATCGCTGAATTAAGATTTTTCAAACTTCACAATATCTTGCGGCATCGATCGT
TTTTCTCTTCCTAAGAAATCGATCAGCAATATTCCTTGAGCAACCCAAAATCCCGGAGC
CAAAACATGTACTCGTCTGAGGAGCTCCGCTGCGCTCGAATATTTTGGACACGCGGTGAC
GAGAGATGGGCGCGGGAAAAATGTCGTCACTCGCAAACGGGTGGACAAAATTTAAAAAAC
GAAGGCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTTAAAACACTTTTTACCGTTTTAATTTA
TCTTCATTAGTTCCGGAGAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAACGCCCTCGTA

--

>Btmar2.11.8_gi-1092449174-gb-MAMS01002762_1-:158806-159813
gi-1092449174-gb-MAMS01002762.1-:158806-159813 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1944,
whole genome shotgun sequence 1008 bp

TACGAGAGGCATTTCGTAAAGAAAGGATATATCTTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTAAATCGGTAAAAATTGTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTTGT
TTTTTAAATTTGGGTTACCGGTACCCGAGTTACGTCAATTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACTGCATGTCCAAATATTCGAGCGCGGCGGTGGCGGTGCTCCTCAGACGAGTACATGT
TTTACCGTAAAGAAGGTTGTGACACAGTTAATTGGTTACATATGTGAACTTTCAGGCT
TTGAATTGTCTTACCTTACTTTTCGACATAATATCCACCCAGTTAAACACATTTCTGATA
CCGTGTTAGCAGTTTGCGGATTCCATTTTCAAAAATTGCGCATCCTGTCGTTGGAACGA
TTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTGGAGAGCTTTTGGCCACTCATAAATTC
TTCTTTAACGCAAGAAAAAGATGAAAATCGCTTGAAGGAAGGTCCGGTGAGTACAATGGA
TGAGGAAAAAGGTCCCATTTGAATGAGGCGAACAAGTCTTGAGTCACATGAGCCACATGA
GGCCTAACGTTGTCTTGAAGGAAAAAACTTGACGAGACAAACGACCGGGCCGTTTTTCGC
TTGATCGCTGACTCAATTTTTTTTCAAACTTCACAATATCTTGCGGCATCGATCGTTTTT
CCTCTCTCAAGAAATCGATCAGTAATGTTCTTGAGCGTCCCAAAACACCGTAGCATGT
ACTCGTCTGAGGAGCTCCGCCGCACTCGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGGG
CGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAACGAAGGCTTTT
TGAAAAGCTGAGAGTATGGCGGTAAAAAAATCTTTACCGATTTAATTTATCTTCATTAG
TTTTGGAGAAAATGAAGATATATACTTGCTTTACGAATGCCCTCGTA

>Btmar2.11.9_gi-1092454277-gb-MAMS01000420_1-:3718823-3719831
gi-1092454277-gb-MAMS01000420.1-:3718823-3719831 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1063,
whole genome shotgun sequence 1009 bp

TACGAGGGGCATTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGAAATAATGAGGATA
AACTAAATCGGTAGACATTGATTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTTACCGGTTTGCAGTGACGTCAATTTTCCCGCGCCCATCTCTCAA
CACTGCGTGTCCAAATATTCGAGCGCGGCGGTGGCGGTGCTCCTCAGACGAGTACATGT
TTTACCGTAAAAAAGGTTGTAACACAGTTAATTGGTTACATATGTGAACTTTCAGGCT

TTGAATTGTCTTACCTTACTTTTCGACATAATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATA
CCGAGGTTAGCAGTTCGCGGATTCCATCTTCAAAAAATTGCGCATCCTGTCGTTGGAACC
ATTTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTGGAGAACTTTGGCCACCCAAGCT
CTTCTTTAACGCAAGAAAAAGATGAAAATTGCTTGGAGGAAAGTCCGGTGAGTACCGTGG
ATGAGGAAAAAGGTCCTATTTGAACGAGGCGAACAAGCCTTGAGTCACATGAGCCACATG
AGGCCTAGCGTTGTCTTGAAGGAGCAACACTTGACGAGACAAAAGACCGGGCCGTTTTCG
CTTGATCGCTGACTTAATTTTTTTCAAACTTCACAATATCTTGCGGCATCGATCGTTTT
TCCTCTCTCAAGAAATCGATCAGTAATATTCCTTGAGCGTCCCAAACACCGTAGCATG
TACTCGTCTGAGGAGCTCCGCCGATTCTGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGG
GCGCAGGAAAAATGACGTCACTTGCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAACGAAGGCTTT
TTGAAAAGCTGAGAGTATGGCGGTAAAAACAGTGTTTACCGATTAAATTTATTTTCATTA
GTTTCGGAGAAAATAAAGATATATACTTACTTTACGAATGCCTCTCGTA

--

>Btmar2.11.10_gi-1092454937-gb-MAMS01000175_1-:866531-867539

gi-1092454937-gb-MAMS01000175.1-:866531-867539 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold563, whole
genome shotgun sequence 1009 bp

TACTAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATATTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTACATCGGTAAAAATTGTTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGGTTACCAAGTACCCGAGTGACGTCAATTTTCCCGCGCCATCTCTCGT
CACTGCGTGTCCAAAATATTCGAGCGCGGCGGTGGCGGTGCTCCTCAGACGAGTAGATGT
TTTACCCTAAAGAAGGTTGTGACACAGGTAATTGGTTACACATGTGAACTTTCCGGCT
TTGAATTGTCTAACCTTACTTTTCGACATAATATCCACCCAGTTAAACACATTTCTGATA
CCGTGTTAGCAGTTTTCGCGGATTCCATCTTCTAAAAATTGCGCATCCTGTCGTTGGAACGA
TTTTTTTATAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTGGAGAACTTTTGGCCACCCATAAATTC
TTCTTTAACGCAAGAAAAATATGAAAATCGCTTGGAGGAAGGTCCGGTGAGTACAGTAGA
TGAGGAAAAAGGTCCCATTTGAATGAGGTAAACAAGTCTTGAGTCACATGAGCCACATGA
GGCCTAACGTTGTCTTGAAGGAAAAAACTTGACGAGACAAACGACCGGGCCGTTTTTCGC
TTGATCGCTGACTCAATTTTTTTCAAACTTCACAATATCTTGCGGCATCGATCGTTTTT
CCTCTCTCAAGAAATCGATCAGTAATATTCCTTGAGCGTCCCAAACACCGTAGCATGT
ACTCGTCTGAGGAGCTCCGCCGCACTCGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGGG

CGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACCGGTAAACTAAATTTAAAAAACGAAGGCTTTT
TGAAAAGCTGAGAGTATGGTGGTAAAAAAAATCTTTACCGATTTAATTTATCTTCATTA
GTTTTGGAGAAAATGAAGATGTATACTTACTTTACGAATGCCCCCTCGTA

--

>Btmar2.11.11_gi-1092455206-gb-MAMS01000099_1-:748959-749958
gi-1092455206-gb-MAMS01000099.1-:748959-749958 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold328, whole
genome shotgun sequence 1000 bp

TACGAGGGGCGTTCGTGAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCAAAATAATGAAGATA
ATTTAAACGGTGAAAATTGTTTTACCGTCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTAAATTTGGTTTACTGGTTCGCGAGTGACATCATTTTTCCCGCGCCCATCTCTCTT
CAGCGCGTGTCCAAAATATTCGAGCGCGGCCAAGCTCCTGAGACGAGTACATGCTCTCAC
CATAAAGAAGCTTATAACACAGTTAATTGGTTAAATATGTGAAAATTTAGGCTTTGAAT
TGTCTTACCTTACTTTTCGACATAATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATACCGTGT
CAGCAGTTTGTGGATTCAATCTTTAACAAATTGTGCATCCTGTAGTTGGAACCTTTTTTT
AACAGGTTCTTGCAATTCTGCATCGGTGGAGAACTTTGGCCAACCAAGCTCTTCTTTAA
TGCAGGAAAAATATGAAAATTGCTTGGAGCAAGGTCCGGTGAGTACGGTGGATGAGGAAA
AAAGTTAATATTTGATTGAGGGGAACAACCTCTTAAGTCACATGAGCCACATGAGGTTGTC
ATGAGGGAACAAAATTTGACGAGACAAAAGAGCGGGCCGTTTTTCGCTTGATCGCTAACTT
AAGATTTTTCAAACTTCACAATATCTTGCGGCATCGATCGTTTTTCCTCCTTCCAAGAA
ATCGATCAGCAATATTCCTTGAGCGTCCCAAAACACCGTAGCCAAAACATGTACTTGTCT
GAGGTGCTCCGCCGCGCTCGAATATTTGAACACGCTGTGACGAGAGATGGACGCGGGAA
AACTGACATCACTTGCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAACGAAGGCTTTTTGAAAAGC
TGCGAGTATAACGGTAAAAATAGTTTTACCGTTTTAATTTATCTTCATTAGTTTTGAAG
AAAATAAAAATATATACTTACTTTACGAATGCCCCCTCGTA

>Btmar2.11.12_gi-1092445159-gb-MAMS01004474_1-:72745-73637
gi-1092445159-gb-MAMS01004474.1-:72745-73637 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold26367, whole
genome shotgun sequence 893 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGGAATAATGAAGATA
AATTTAAACGGTAAAAAGTGTTTTAACCGTCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT

TTTTTAAATTTGGTTCACCCGTTGCGGAGTGACGTCATTTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACCGCGTGTCCAAAATATTCGAACGCGGCGGAGTTCCTCAGGCGAGTGAGTACGCACGT
TTCACTTTAAAAAAGGTTGTAACACCATTAATCGGATAAATATGTGAACTTTTAGGCT
TTGAATTGTCTTACCTTGCTTTTCGACATGATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATT
ATATGTTAGCAGTTTGTGGATTCAATCTTCAAAAAATAGCGCATATCCTGTCGTTGGAAC
CATTTTTTTACAGCTTCTTGAAACTCTGCGTCGGTGGAGAACTTTCGGCTATCCAAGCTC
TTCTTTAACGCAGGAAAAAGATGAAAATCGCATGGAGCAAGGTTTCGGTGAGTACGATGGA
TGAGGAAAAAGGCCCCATTTGAATGAGGCGAACAAGTCTCTAGTCACATAAGCCACATGA
GGCCTAGCGTTGTCTTGAAGGAACACAACCTTGACGAGACAAAAGATCGGGCCGTTTTCGC
TTGATCGCTGAAGTAAGTTTTTTTCAAACTTCACAATATTTTGCGGCATCGATCGTTTT
TCCTCTTCCTAAGAAATCGATCAGCAATATTCCTTGAGCGACCCAAAATCCCGGAGCCAA
AACATGTACTCGTCTGAGGAGCTCCGCCGCGCTCGAATATTTTGGACACGCGGTGACGAA
AGATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACGGGTGAACCAAATTTAAA

>Btmar2.11.13_gi-1092453732-gb-MAMS01000665_1-:1165384-1166120
gi-1092453732-gb-MAMS01000665.1-:1165384-1166120 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1145,
whole genome shotgun sequence 737 bp

ATTGGTCAAATATATGAACTTTCAGGCTTTGAATTGTCTTACTTTTACTTTCCGACAAA
ATCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATACCGTGTTAGCAGTTTGCGAATTCCATGTTA
AAAAAATCGCGCATCCTGTCGTTGCAACCATTTTTTTACGGCTTCTTTGCAACTCTGCGT
CGGTGGAGAACTTTTGGTCGACCAAGCTCTCCTTTAACGCAAGAAAAAGATTTTGAGGAA
GGTCCGGTGAGTACGGTGGATGAGGATAAAGGTCCTATTTGAATGAGGCGAACGAGTCTT
GAGTCACTTCATGAGCCACATGAGGCCTAGCGTTGTCTTGAAGGAACGAACTTGACGAG
ACTAAAGACCGGGCTGTTTTGCTTGATCGCTAACTAATTTTTTTGAAAACCTCACAATA
TCTTGCGGCATCGATCGTTTTTCCTCTCTCCAAGAAATTGATCAGTAATATTCTTTGAGC
GTCCCAAACACCGTAGCATGTACTCGTCTGAGGAGCTCCGCCGCACTCCAATATTTTGG
ACACGCAGTGACGACTGACGAGAGATGGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACCGG
TAAACCAAATTTAAAAGACGAAGGCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGACGGTAAAAATAG
TTTTTACCGATTTAATTTATCTTCATTAGTTTCGGAGAAAATAAAGATATATACTTACCT
TACGAATGCCCTCGTA

>Btmar2.12.1_gi-1092446696-gb-MAMS01003835_1-:550825-551567
gi-1092446696-gb-MAMS01003835.1-:550825-551567 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2366,
whole genome shotgun sequence 743 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCAAACTAATGAAGATA
AATTAACCGGTAAAAATTGTTTTACCGTCAGCTTTTTGCAAATCCTTGTTTTTAA
TTTGTTTTACCGGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTTCTCGCGCCATCTCTCGTCACCGCAT
GTCCAAATATTTGAGCGCGGCGAAGCTCCTCAGAGGAGTACATGCTCTCACCGTAAAGA
AGCTTGTAACACAAATAATTGGTTTATTATGTGGAAATTCAGGCTTTGAATTGTCTTAC
CTTACTTTTCGACATAATCTCCACCTAGTTGGACACATTTCTGATACCGTGTTAGCAGTT
TGTGAATTCAATCTTCAAAAAATTGCGCATCCTGTAGTTGGAACCATTTTTTAACAGGTT
CTTGCAACTCTGCGTGGGTGGAGAACTTTGGCCAATCAAGCTCTTCTTTAACGCAGGAA
AAATATGAAAATCGTTTGGAGCAAGGTCCGGTGAGTACGGTGGATGAGGAAAAAGGTCCC
ATTGAATGAGGCAACAACCTTTGAGTGACATGAGCCACATGAGGCCTAGCGTTGTCATG
AAGGAACAAAATTTGACGAGACAAAAGACCGGGCCGTTTTCGCTTGATCGTGACTTAAG
ATTTTCAAACTTCACAATATCTTGCGGCATCGATCATTTTTCTCTTTCCAAGAAATC
GATCAGCAATATTCCTTGAGCGC

--

>Btmar2.12.2_gi-1092426883-gb-MAMS01018655_1-:100497-101301
gi-1092426883-gb-MAMS01018655.1-:100497-101301 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold8852,
whole genome shotgun sequence 805 bp

TACGAAGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATAGCTTTATTTTCTCCGAAACTAATAAAGATA
AATTAAATCGGTAAACATTTTTTTTACCGCCATACTTTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTCACCGGTTTGCGAGTGACGTCATTTTTCCCGCGCCCATCTCTCGT
CACTGCGTGTCCAAATTTTCGAGCGTGGTGGTGGCGGTGCTCCTCAGACGAGTACATGT
TTTCACCGTAAAGAAGGTTGTAACACAGTTAATTGGTTAAATATGTGAACTTTCAGGCT
TTGAATTGTCTTACCTTACTTTTCGACATAATCTCCACCCAGTTGAACACATTTTCGGATA
CTGTGTTAGCAGTTAGCGGATTCCATCTTCAAAAAATTGCGCATCCTGCAGTCGTTGGAA
CCATTTTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTAAAGAAATTTGGCCACCCAAGCTC
TTCTTTAACGCAAGAAAAAGATGAAAATCGCTTGGAGGAAGGTCAGGTGAGTACGGTGGA

TGAGGGAAAAGGTCCCATTGAATGAAGCGAACAAGTCTTGAGTCACATGAGCCACATGA
GGTTGTCTTGAAGGAACAAAACCTTGACGAGACAAAAGACCGGGCCGTTTTTCGCTTGATCG
CTGACTTAATTTTTTTCAAAACTTCAGAATGTCTTGCGGCATTCATCGTTTTTCCGCTCT
CCAAGAAATCGATCAGTAATATCCCTTGAGCGTCCCATAACACCGTAGCATGTACTCGTC
TGAGGAGCTCCGCCGCACTCAAATA

--

>Btmar2.12.3_gi-1092428455-gb-MAMS01017083_1-:5459-6271
gi-1092428455-gb-MAMS01017083.1-:5459-6271 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold812, whole
genome shotgun sequence 813 bp

CACCGCGTGTCCAGAATATTCGAGCGCGGCGAAGCTCCTCAGATGAGTACATGCTCTCAC
CATAAAGAAGCTTGTAACACAGTTAAATATGTGAAAATTCAGGCTTTGAATTATCTTAC
CTTACTTTTCGACATAATCTCTACCCAGTTGAACACATTTCTTATACCGTGTTAGTAGTT
TGTGGATTCAATCTTCAAAAAATTGCGCATCCTGTAGTTGAAACTATTTTTTAACAGGTT
CTTGCAACTATGCGTCGGTGGAGAACTTTGGCCAACCAAGGTCTTCTTTAACACAGGAA
AAATATGAAAATCGCTTGGAGCAAGGTCCGGCGAGTACAGTGGATGAGAAAAAAGGTCCC
ATATGAATGAGGCGACAAGTCTTGAGTCATATGAGCCACATGAGGCCCAGCATTGTCATG
AAGGAACGAAACTCGACGAGACGAAAGACCGGGCTGTGCATGATCGCTGACTTAAGTTTT
TTCAAAACTTCACAATATCTTGCGGCATCAATCGTTTTTCCTCTTTCCAAGAAATCGATC
AGCAATATTCCTTGAGAGTCCCAAAACACCGTAGCCAAAACATGTACTTGTCTGAGGAGC
TCCGCCGCGCTCGAATATTTTTGACACGTGGTGACGAGAGATGGGCGTGGGAAAAATGAT
GTCACCTGCAAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAACGAAGGCTTTTTGAAAAGCTGAGAGT
ATGGCGGTAAAAACAATCTTTACCGATTTAATTTATCTTCATTAGTTTTGGAGAAAATAA
AGATATATACATACTTTATGAATGCCCCCTCGTA

--

>Btmar2.12.4_gi-1092454709-gb-MAMS01000236_1-:1874628-1875621
gi-1092454709-gb-MAMS01000236.1-:1874628-1875621 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold707,
whole genome shotgun sequence 994 bp

TACGAGAGGCATTTCATAAAGTAAGTATATATCCTTATTTTCTCCGAACTAATGAAGGTA
AATTAAATCGGTAAAAATTGTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCGT
TTTTTAAATTTGGTTCACCGGTCGCGAGTGACGTCATTTTTTCCGCGCCCATCTCTTGT
CACTGCGTGTCCAAAATATTCGAGCGTGGTGGTGGCGGTGCTCCTCAGACGAGTACATGT
TTTCACCGTAAAGAAGGTTGTAACACAGTTAATTGGTTAAATAAACTTTCAGGCTTTGAA
TTGTCTTACCTTACTTTTCGACATAGTCTCCACCCAGTTGAACACATTTCTGATACCGTG
TTAGCAGTTTGCGGATTCTATCTCCAAAAAATTGCGCATCCTGCAGTCGTTGGAACCATT
TTTTTACAGCTTCTTGCAACTCTGCGTCGGTAGAGAAATTTGGCCACCCAATCTCTTCTT
TAACGCAAGAAAAAGATGAAAGTCGCTTGAGGAAGGCCAGGTGAGTACGGTGGATGAGG
GAAAAGGTCCCATTTGAATGAGGCGAACAAGTCTTGAGTCACATGAGCCACATGAGGTTG
TCTTGAAGTAACAAAACCTTGACGAGACAAAAGACCGGGCCGTTTTTCGCCTGATCGCTGAC
TTAATTTTTTTCAAACTTCACAATATCTTGCGGCATTCATCGTTTTTCCGCTCTCCAAC
AAATAGATCAGTAATATTCTTGAGCGTCCCAAAACACCGTAGCATGTACTCGTCTGAGG
AGCTCCGCCGCACTCGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGGGCGTGGGAAGAAT
AACGTCACTCGCGAACCGGTGAACCAAATTGAAAAACAAAGGCTTTTTGAAAAGCTGAG
AGTATAGCGGTAAAAACAATTTTACCAATTTAATTTATCTTCATTAGTTTGAAGAAAA
TATATATATACTAACTTTACGAATGCCCTCGTA

--

>Btmar2.12.5*_gi-1092450538-gb-MAMS01002165_1-:170088-171083
gi-1092450538-gb-MAMS01002165.1-:170088-171083 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1714,
whole genome shotgun sequence 996 bp

TATGAGGGGCATTTGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCGAACTAATGAAGATA
AATTAACGTTAAAAATTGTTTTACCGTCATAATCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTTTT
TTTAAATTTGGTTTACCGGTCGCGAGTGACGTCATTCTCCGCGCCCATCTCTCGTCA
CCGCGTGTCCAAAATATTCGAGCACGGCGAAGCTCCTCAGACGGGTACATGTTCTCACCG
TAAGGAAGCTTGTAACATAGTTAATTGGTTAAATATGTGAAAATTCAGGCTTTGAATTG
TCTTACCGTACTTTTCGACATAATCTCTACCCAGTTGTACACATTTCTGATACCGTATTA
GCAGTTTGTGGATTCAATCTTCAAAAAATTGCGCATCCTGTAGTTGGAACCATTTCTTAA
CAGGTTCTTGCAACTCTGCGTGGGTGGAGAACTTTGGCCAACCAAGCTCTTGTTTAACC

CAGGAAAAATATGAAAATCGCTTGGAGCAAGATCCGGTGAGTATGGTGGATGAAGAAAAA
GGTCCCATTGAATGGGGCAAACAACTCTTGAGTCACATGAGCCACATGAGGCCTAGCGT
TGTCATGAAGGAACAACATTGACGAGATAAAAGACCGGGCCGTTTTCGCTTGATTGCTGA
CTTAAGATTTTTCAAACTTCACAATATCATGCGGCATCGATCGTTTTACTTTTTCTTT
TTTCCAAGAAATCGATCAGCAATATTCCTTGAGCGTCCCAAACATGTACTCGTCTGAGG
AGCTCCGCCGCGCTCGAATATTCCGGACACGCAGTGATGAGAGATGGGCGCGGGAAAAAT
GATGTCACTTGCAAACCGGTAAACCAAATTTATAAAACGAAGGCTTTTAGAAAAGCTGAG
AATATGGTGGTAAAAACAATTTTTACCGATTAAATTTATCTTCATTAGTTTTGGAGAAAA
TAAAGATGTATACTTACTTTACAAATGCCCCCTCGTA

>Btmar2.13.1_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:7050987-7051972
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:7050987-7051972 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 986 bp

TACGAGGGGCGTTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTACTATCTCCGAACTAATGAAGATA
AATTAAATCGGTAAAAATTGTTTTACCGCCATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTTGG
TTCCTGTTTCGCGAGTGACGTCATTTTTCCCGCGCCACCTCTCGTCACTGCGTGTCCA
AAATATTCGAGTGCGGCGGAAGTCCTCAGACGGGTACATGCTACGGTGTTTGGGGACGCT
CAAGGAATATTACTGATTGATTTCTTGGAGAGAGGAAAAACGATCGATGCCGCAAGATAT
TGTGAAGTTTTGAAAAAATTAAGTCAGCGATCAAGCGAAAACGGCCCGTCTTTAGTCT
CGTCAAGTTTTATCCTTCAAGACAACGCTAGGCCTCATGTGGCTCATGTGACTCAAGAC
TTGTTGCGCTCATCCAAATGGGACCTTTTTTCTCATCCACCGTACTACCGGACTTTCTT
CCAAGCGATTTTCATCTTTTTCTTGCGTAAAGATGAGCTTGAGTGGCCAAGAGTTCTTC
ACCGACGCAGAGTTGCAGTAAAAAATGGTTCCAGCGACAGGATGCGGAATTTTTTGAAG
ATGGAATCTCCAACTGCTAACACAGTATCAGAAATGTGTTCAACTGGGTGGAGATTATG
TCGAAAAGTAAGGTAAGACAATTCAAAGACTGAAAGTTTCACATATTTAACCAATTAAT
GTGTTACAACCTTCTTTACGGTGAAAACATGTGCTCGTCTGAGGAGAACAGCCTCTGCCG
CGCTCGAATATTTTGGACACGCAGTGACGAGAGATAGGCGCGGGAAAAATGACGTCACTC
GCGAACCGGTAAACCAAATTTAAAAAACGAAGGCTTTTTGAAAAGCTGAGAGTATGGCGG
TAAAAACAATTTTTACCGATTAAATTTATCTTCATTAGTTTTGGAGAAAAATAAAGATATA
TACTTACTTTACGAATGCCCCCTCGTA

>Btmar2.13.2_gi-1092455496-gb-MAMS01000029_1-:1140892-1141880
gi-1092455496-gb-MAMS01000029.1-:1140892-1141880 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold165,
whole genome shotgun sequence 989 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTACTTTCTCCGAAACTAATAAAGATA
AATTAAATCGGTAAAAATTGTTTTACCGCCATATTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTTGT
TTTTTAAATTTGGTTTACTGGTTCGCGAGTGACGTCATTTTCCCGCGCCCATCACTCGT
CCCTGCGTGTCCAAAATATTCGAAAGCGGCGGAGCTCCTCAGACGAGTACATGCTACGGT
GTTTTGGGACGCTCATCGTCATATTACTGATCGATTTCTTGGAGAGAGGAAAAGCGATAG
ATGCCGCAAGATATTATGAAGTTTTGAAAAAATTAAGTCAGCGATCAAGCGAAAAGTACC
CGGTCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTTCTTCAACACAACGCTAGGCCTCATGTGGCTCA
AGTGACTCAAGACTTGTTGCGCTCATTCAAATGGGACTTTTTTCTCATCCACCGTACTC
ACCGGACCTTCTCCAAGCGGTTTTATCTTTTCTTGCGTTAAAGGAGATCTTGGGTGG
TCAAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAAGCTGTAAAAAATGGTTCCAACGATA
GGATGCGTAATTTTTTGAAGATGGAATCCGCAAAGTCTAACACGGTATCAGAAATGTGC
TCAACCGGGTGGAGATTACGTCAAACAGTAAGGTAAGACAATTCAAAGCCTGAAAGTTCC
ACATATTTAACCAATTAAGTGTGTTACAACCTTCTTTACGGTGAAAACATGTACTCGTCT
GAGGAGCACCGTCACCGCCGCGCTCGAATATTTGGACACGCAGTGACGAGAGATGGGCG
CGGGAAAAATGACGTCACTCGCGAACCAGTAAACCAAAGTAAAAACGAAGGCTTTTAA
ATCGGTAAAAATTATTTTTACCGATTTAATTTATCTTTATTAGTTTCGGAGAAAATAAAG
ACATATACTTACTTTACGAATGCCCTCG

--

>Btmar2.13.3*_gi-1092455225-gb-MAMS01000096_1-:1720384-1721383
gi-1092455225-gb-MAMS01000096.1-:1720384-1721383 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold322,
whole genome shotgun sequence 1000 bp

TACGAGGGGCATTCGTAAAGTAAGTATATATCTTTATTTTCTCCAAACTAATAAAGATA
AATTAAATCGGTAAAAATTGTTTTACCAACATACTCTCAGCTTTTCAAAAAGCCTTCTT
TTCAAATTTGGTTTACCGTTTGCAAGTGGCGTCATTTTCTCGCGCCCATCCCTTGTC
CCGCGTGTCCAAAATATTCGAGCGCGGAGAGCTCCTCAGACGAGTACATGTTTTGGCTA
CGGTGTTTTGGGACGCTCAAGGAATATTGCTGATCGATTTCTTGAAAAGAGGAAAAACGA
TTGATGCCGCAAGATATTGTGAAGTTTTGAAAAAAGTAAAGTCAGCGATCAAGCAAAAAC

GGCCCGGTCTTTTGTCTCGTCAAGTTTTGTTCCCTCAAGACAATGTAGGCCTCATAAGGC
TCATGTGACTCAAGACTTGTTGCCTCATTCAAATGGGACCTTCTTCCTCATCCACCGTA
GTCACAGGACCTTGCTCCAAGCGATTTTCATATTTTCTGCGTTAAAGCAGAGCTTGGT
TGGCCAAAAGTTCTCCACCGACGCAGAGTTGCAAGAACCTGTAAAAAATGGTTCCAAC
ACAGGATGCGCAATTTTTTTGAAGATTGAATCCACAACTGCTAACATGGTATCAGAAAT
GTGTTCAACTGGGTGGAGATTAAGTCGAAAAGTAAGGTAAGACAACTCAGAGCCTGAAAT
TTTCACATATTTAACCAATTAACCTACAAGTTTCTTTATGGTAAGAGTATGTACTCGTCT
TAGGAGCTTCGCCGCGCTCGAATATTTGGACTCGCAGTGACGAGAGATGGGGGTGGGAA
AAATGACGTCACTCGCAAACCTGGTAAACCAAATTTAAAAACGAAGGCTCTTTGAAAAGC
TGAGAGTATGATGGTAAAAACAAATTTACCGTTTTAATTTATCTTTATTAGTTTCGGAG
AAAATAAAGACATATACTTACTTTACGAATGCCCTTGTA

>Btmar2.14.1*_gi-1092446696-gb-MAMS01003835_1-:2662928-2663500
gi-1092446696-gb-MAMS01003835.1-:2662928-2663500 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2366,
whole genome shotgun sequence 573 bp

GTCTTCGATACGAATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAA
TCACATGGAGCCAAGTCAGGGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTT
CTCATAAAGTCACGTGTTAAGCTCGATGTGTGAGGCCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATC
CACGAAGCTTTCAAGTCCGACCGTTTCCGGGAAATGTGCATTCTCAACTCCTTTAGTACT
TTGCAATAATACGCACTGTCAACTGTTGTGTTTGATGGTACAAAATGTTGATAAATGACA
CCTCGAAAATAAAAAACACAATAAGCATCACTTTATTGGCCGACTTTTCGATTTACGAC
GATGAAGAATCTTCCTTAAAAACCGTAGGCGTAACTTTCCTCGCTGATTTCAAATTGCC
ATAACTCGGTCAATTTTATCCGATTGAGCTGATCTTGATTTAATCGATGGGTATTGAG
TTGATCTTTAAAATGAAATCAAGATCATGTCTGTATCTGTCTTACTTTGAAGTTACAGA
ACAAGTCCCGGTGCTTTTGGGACACCTTATGTA

--

>Btmar2.14.2_gi-1092438832-gb-MAMS01007481_1-:265927-266470
gi-1092438832-gb-MAMS01007481.1-:265927-266470 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold3891,
whole genome shotgun sequence 544 bp

TCCTTTTAAAGCGTAGGAAACATCCAAAATCACATGGAGCCAAGTCAGGGCTGTAAGGG

GGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCACGTGTTAAGCTCGATGTG
TCAGGTCGCGCATTGTCTTGATGGAGTATCCACGAAGCTTCAAGTCCGACCGTTCCGG
GAAATGTGCATTCTCAAGTCCTTAGCACTTTGCAATTATACGCACTGTCAACTGTTGTG
TTTGGTGGTACAAAATGTTGATAAATGACACCTCGGAAATGAAAAAACACAATAACCAT
CACTTTATCGGCCGACTTTTCGATTACGGCGATGAAGAATCTTCCTTAAAAACCGTAGG
CGTAACTTTCCTAGCTGATTCAAATTGCCATAACTCGGTCCATTTTTATCCGATTGAG
CTGATCTTGGTTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAGATCAAGATCATG
TCTGTATCCATCTTACTTTCGAAGTTACAGAACAAGTCCCGGTGCTTTTGGGACACCTTA
TGTA

>Btmar2.15.1*_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1:4268924-4269482
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1:4268924-4269482 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685,
whole genome shotgun sequence 559 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAATTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTTATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTTAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA
ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTGCCACTTATCCAACATTGTTTCTGAATTATT
CCTCTGGGATGGAGTTGAAGAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATACGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTCCTTTTAAAGCGTGGGAAACATCCAAAAATTACATGGAGCCA
AGTCAGCGCTATAAGGGGGATGAGGGATTGTTTCAACTCCATTTTTACTCATAAATTCAC
GTGTTAAGCTCGATGTGTG

>Btmar2.15.2_gi-1092450672-gb-MAMS01002091_1:32685-33211
gi-1092450672-gb-MAMS01002091.1:32685-33211 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold1685, whole
genome shotgun sequence 527 bp

TACGTAGGGTGTCCCAAAGTACCGGGACTGGTTCTGTAACCTCAAAGTAAGATAGATA
CAGACATGATTTTGGTCTCATTTTAAAGATCAACTCAATACCTATCGATTAACCAAGA
TCAGCTCAATCGAATAAAAATTGACCGAGTCATGACAATTTGAAATTAGTGAGGAAAGTT
TACCCCTACGGTTTTTAGGAAGATTTTCGCTTACCAGGATTCAAAAAGTTAATATTCGT
ATCCACTTTCCTCCGAATCTTCATAACTTCCTTTTGCTTTTCAAAGTACCGTCCATCAA

ACCGGATGCACTTTTTCATGCGCTCTTCCACTTATCCAACATTGTTTTCTGAATTCTT
CCTCTGGGATGGCGTTGAAAAAGTTTTGAATTGCATTCTGGATTTCGGTCTTCGATTCTGA
ATCTTCGTCCGCGAAGCTTCTTTTTAAGCGTAGGAAACATCCAAAAATCACATGGAGCCA
AGTCAGGGCTGTAAGGGGGATGAGGGATTGTTCAACTCCATTTTTA

>Btmar2.16.1_gi-1092444632-gb-MAMS01004733_1-:38483-39010
gi-1092444632-gb-MAMS01004733.1-:38483-39010 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold2737, whole
genome shotgun sequence 528 bp

GTAAAAATGGAGTTAAAACAATCCCTCATCCCCCTTATAGCCCTGACTTGGCTCCATGTG
ATTTTTGGATGCTTCCTACGCTTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTATCGAAGA
CCGAAATCCAGAATGCAATTCAAACTTCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAATTCAGGA
AAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAAGTGCATCCGGTTTGATGGACGGT
ACTTTGAAAAGCAAAAGGAAGTTATGGAAGATACGGAGGAAAGTGGATACGAATACTAAC
TTTTTGAATCCTGGTAAGCAAAAATCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTTCCTCAC
TAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTTATTTCGATTGAGCTGATCTTGGTTTTAA
TCGATAGGTATTAAGTTGATCTTTAAATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTATCTTAC
TTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACTTTTGGGACACCCTGCGTA

--

>Btmar2.16.2*_gi-1092454801-gb-MAMS01000208_1-:668786-669319
gi-1092454801-gb-MAMS01000208.1-:668786-669319 Bemisia tabaci isolate MEAM1 Scaffold649, whole
genome shotgun sequence 534 bp

TTATGAGTAAAAATGGAGTTGAAACAATCCCTCATCCCCCTAATAGCGCTGACTTGGCTC
CATGTGATTTTTGGATGTTTCCACGCTTAAAAAGGAGCTTCGCGGACGAAGATTCGTAT
CGAAGACCGAAATCCAAAATGCAATTCAAACTTCTTCAACTCCATCCCAGAGGAAGAAT
TCAGGAAAACAATGTTGGATAAGTGGCAAGAGCGCATGAAAAAGTGCATACGGTTTGATG
GACGGTACTTTGAAAAGCAAAAGGAAATTATGGAAGATTTCGGAGGAAAGTGGATACGAAT
ATTAATTTTTGAATCCTGGTAAGCGAAAAATCTTCCTAAAAACCGTAGGGGTAACTTT
CCTCACTAATTTCAAATTGTCATAACTCGGTCAATTTTTATTTCGATTGAGCTGATCTTGG
TTTTAATCGATAGGTATTGAGTTGATCTTTAAATGAGACCAAAATCATGTCTGTATCTA
TCTTACTTTTGAAGTTACAGAACCAGTCCCGGTACTTTTGGGACACCCTACGTA

